



GOBIERNO DE MENDOZA  
OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS  
PÚBLICOS DE MENDOZA

**RESOLUCION HD**

**VISTO:** el Expte.N°2022-01838283-  
referenciado: Modificación Nomenclador Biología Molecular, y

**CONSIDERANDO:**

Que por el referenciado expediente el Departamento de Bioquímica eleva propuesta para la modificación del Nomenclador Único de Prestaciones de Biología Molecular y del valor de la Unidad Bioquímica para algunas de las prácticas convenidas de Biología Molecular con los siguientes prestadores:

Convenio N.º 1740 Lic. Denita Silvina  
Convenio N.º 663 Dra. Castellanos  
Convenio N.º 837 con Biogen  
Convenio N.º 996 Hnos. Pott Godoy  
Convenio N.º 1051 Medicina Reproductiva S.A.  
Convenio N.º 1819 Biomarker

Que cabe aclarar que sigue vigente lo dispuesto por Resolución HD-2019-19, por la que se aprobó el Nomenclador de Prestaciones de Biología Molecular, y la Resolución HD-2019-427, mediante la cual se incorporan nuevas prácticas.

Que se realiza la actualización en el Nomenclador de Biología Molecular, Citogenética y Cromatografía, de las Unidades Bioquímicas (UB) de diferentes prácticas, justificando tal decisión el aumento del costo de las mismas y con vigencia a partir del 01-04-2022.

Que se agrega informe de la Subdirección de Finanzas y Presupuestos sobre el impacto presupuestario de lo petitionado.

Que toma conocimiento de lo actuado la Dirección de Salud y otorga su Visto Bueno con vigencia a partir del 01 de Abril de 2022.

Que consta el Visto Bueno del Sr. Director General de la OSEP.

**Por ello;** atento lo dispuesto en el Art.40° del Decreto Ley N° 4373/63 y sus modificatorias.

**EL HONORABLE DIRECTORIO  
DE LA OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS PÚBLICOS  
RESUELVE:**

**ARTÍCULO 1º** - Aprobar las modificaciones en el Nomenclador Único de Prestaciones de Biología Molecular, desarrollada en Anexo I, que forma parte integrante de la presente norma legal y la actualización del valor de la Unidad Bioquímica (UB), quedando en \$39,00.-, con vigencia a partir del 01 de Abril de 2022.



GOBIERNO DE MENDOZA

OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS  
PÚBLICOS DE MENDOZA

**ARTÍCULO 2º** - Autorizar la incorporación en todos los CONVENIOS de BIOLOGÍA MOLECULAR, el Acto Bioquímico con una cantidad de tres (3) Unidades Bioquímicas (UB), con vigencia a partir del 01 de Abril de 2022.

**ARTÍCULO 3º** - Incorporar al Convenio suscripto con la Lic. DENITA SILVINA (BIOGENOTEC), los códigos que se detallan a continuación con vigencia a partir de la firma de la presente norma legal:

Detalle	UB	Valor Total
CNVs en panel genético previamente secuenciado	245	\$ 9500
ADN fetal en sangre materna	1885	\$73500
ADN mitocondrial	2033	\$79300

**ARTÍCULO 4º** - Disponer que las modificaciones efectuadas en los Artículos 1º y 2º, serán trazables en el Sistema de SISAO de la siguiente forma:

**Procedimiento Administrativo:**

**-Afiliación:** El primer paso antes de la utilización de nomenclador es identificar la afiliación. A los efectos de verificar la afiliación del beneficiario, cada Institución que forma parte del convenio tendrá acceso al SISAO mediante una computadora e internet/intranet para consultar en la página de OSEP ([www.osep.mendoza.gov.ar/webapp\\_pri/](http://www.osep.mendoza.gov.ar/webapp_pri/)). Esta consulta se realizará por número de afiliado, últimos 4 dígitos de la credencial o D.N.I.; siendo este el dato básico para la identificación y registro de cobertura. Se podrá utilizar huella digital en caso de encontrarse esta tecnología incorporada.

Una vez identificado el afiliado, cada prestación ambulatoria, de guardia o internación será acompañada con la documentación que permita su apropiada autorización.

**-Utilización:** para la utilización del Nuevo Nomenclador se sugiere la búsqueda de la práctica por número o módulo. Aunque la búsqueda por descripción se encuentra habilitada y puede efectuarse, el sistema busca con exactitud lo que se tipea, por lo tanto la omisión de acentos, espacios u otros errores ortográficos pueden no arrojar resultados.

**-Aranceles:** los valores detallados en el actual nomenclador están sujetos a modificaciones por futuros cambios en el convenio, pudiéndose presentar alguna diferencia de valor cuando se cargue la práctica por sistema.

**-Orden por SISAO:** toda prestación debe presentarse con la orden emitida por SISAO. La misma llevará firma y sello del profesional junto con la firma del afiliado.

**ARTICULO 5º** - Encomendar al Departamento de Convenios arbitre los actos útiles y necesarios para la implementación de lo dispuesto en la presente norma legal.

**ARTÍCULO 6º** - Ordenar su comunicación correspondiente.

APROBADO POR ACTA N° 15 - SESIÓN ORDINARIA DE FECHA: 05-05-2022.  
m.m.

# NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES

- ABRIL 2022 -

## ÍNDICE

**Instructivo** INSTRUCTIVO

**Prestadores** PRESTADORES

**Capítulo I** CARIOTIPOS

**Capítulo II** ENFERMEDADES CONGÉNITAS Y HEREDITARIAS

**Capítulo III** FARMACOGENÉTICA

**Capítulo IV** FERTILIDAD

**Capítulo V** MICROBIOLOGÍA

**Capítulo VI** ONCOLOGÍA GENERAL

**Capítulo VII ONCO-HEMATOLOGÍA**

**Capítulo VIII PATOLOGÍA EPECÍFICA**

**Capítulo VIII  
Sección I** **CARDIOLOGÍA**

**Capítulo VIII  
Sección II** **ENDOCRINOPATÍAS**

**Capítulo VIII  
Sección III** **GASTROENTEROLOGÍA**

**Capítulo VIII  
Sección IV** **HEMATOLOGÍA**

**Capítulo VIII  
Sección V** **INMUNOLOGÍA**

**Capítulo VIII  
Sección VI** **METABOLOPATÍAS**

**Capítulo VIII  
Sección VII** **NEFROLOGÍA**

**Capítulo VIII  
Sección VIII** **NEUMOLOGÍA**

**Capítulo VIII**  
**Sección IX**

**NEUROLOGÍA**

**Capítulo VIII**  
**Sección X**

**OFTALMOLOGÍA**

**Capítulo VIII**  
**Sección XI**

**O.R.L.**

**Capítulo VIII**  
**Sección XII**

**PIEL**

**Capítulo IX**

**MISCELANEOS**

**Capítulo X**

**CROMATOGRFÍA GASEOSA**

# NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES

## INTRODUCCIÓN

El Nomenclador Único de Prestaciones es el instrumento que utiliza la OSEP para codificar las prestaciones que se realizan en los distintos Efectores no propios, tanto del Sistema Público como Privado, sólo para pacientes afiliados a la Obra Social. El motivo de su actualización es la adecuación a los frecuentes cambios en la actividad médica, las nuevas tecnologías incorporadas y los mayores costos que éstas infieren.

Esta edición modifica a la anterior:

- Incorpora nuevas prácticas.
- Mejora la descripción de las prácticas.
- Se crean paneles por patología específica.
- Clasifica las prestaciones como Microbiología, Farmacogenética, Fertilidad, Hematología, Oncología, Enfermedades Congenitas y hereditarias, miscelaneas y cromatografía.
- Codifica las prácticas según Nomenclador Bioquímico Único (N.B.U.) actualización XII.2016 de uso obligatorio para todos los bioquímicos de la República Argentina. En caso de prácticas no nomencladas, OSEP los creará siguiendo la lógica del en el N.B.U.
- Modifica unidades bioquímicas de dicho nomenclador ajustado a valores de convenidos con los prestadores directos.
- Omite deliberadamente algunas prácticas del Nomenclador Único Bioquímico (N.B.U.) debido a que han sido incluídas y/o reubicadas en otros códigos.

## GLOSARIO

Las definiciones mencionadas a continuación permitirán a las diferentes auditorías y a los prescriptores, el entendimiento de estas técnicas de alta complejidad y baja frecuencia con el fin de disminuir los errores de autorización.

DEFINICIONES DE TÉCNICAS	
• PCR:	PCR o Reacción en Cadena de la Polimerasa, Es una técnica de biología molecular, cuyo objetivo es obtener un gran número de copias de un fragmento de ADN de interés, partiendo de un mínimo. Se realiza en un termociclador y utiliza una enzima termoestable, la Taq Polimerasa.
• PCR-RT	También denominada PCR cuantitativa o en inglés, quantitative polymerase chain reaction; qPCR o Q-PCR; es una variante de PCR utilizada para amplificar y simultáneamente cuantificar de forma absoluta el producto de la amplificación de ADN.
• PCR-RT LIPA	Técnica de PCR-RT combinada con ensayo de sonda de línea de hibridación inversa, en inglés LIPA (reverse hybridization line probe assay) que permite la detección específica e identificación de especies.
• PCR-SEC	Son aquellas prestaciones que se realizan con fines diagnósticos y/o terapéuticos con existencia de disrupción de tejidos mediante incisiones o procedimientos similares. Requieren internación que dependiendo del procedimiento podrá ser abreviada o no.
• Secuenciación:	Son conocer la secuencia concreta de los nucleótidos que componen cualquier ácido nucleico, por lo que, con las técnicas disponibles de hoy en día, es posible saber la secuencia exacta de tanto ADN como ARN. Es cierto, que existen muchas estrategias con diferentes características, precios y, por supuesto, tasas de error, pero nada de lo que conocemos actualmente hubiera sido posible sin el esfuerzo de los investigadores de finales del siglo pasado que idearon diversas formas de hacer de la secuenciación del genoma una realidad palpable.

- **Secuenciación de Sanger**

Esta estrategia se basa en sintetizar, de forma secuencial, una hebra de ADN complementaria a una hebra de cadena simple (que se utiliza como molde), en presencia de ADN polimerasa, los cuatro 2'-deoxinucleótidos que componen la secuencia del ADN (dATP, dGTP, dCTP y dTTP) y cuatro dideoxinucleótidos (ddATP, ddGTP, ddCTP y ddTTP). Estos últimos nucleótidos "especiales" o nucleótidos de parada, están diseñados para que carezcan del grupo 3'-OH, que permite la adición del nucleótido consecutivo, de forma que cuando uno de ellos es incorporado por la polimerasa se interrumpe la síntesis de la nueva hebra. Esto lleva a que se obtengan fragmentos secuenciados de diferente tamaño, según dónde se incorporen los dideoxinucleótidos. De este modo, y tras una simple electroforesis, se va a poder dilucidar la secuencia.

- **Cariotipo:**

Se basa en el cultivo de células capaces de crecer y dividirse en cultivo (linfocitos, médula ósea, ganglios, etc.).

La muestra se anticoagula con heparina. Se cultivan en tubos estériles con medio de cultivo tisular, estimulante para que se dividan (según corresponda), suero bovino fetal y antibiótico. Tras unos días de cultivo en estufa a 37°, las células en división se detienen en metafase con colchicina (inhibe la formación del huso mitótico). Se recogen y se tratan con una solución hipotónica. Se fijan con una solución de metanol:acético, se extienden en un portaobjeto, se bandean con tripsina, se tiñen con colorante Wright o Giemsa y se analizan al microscopio óptico controlando aberraciones cromosómicas numéricas y/o estructurales.

- **F.I.S.H.:**

Se basa en la unión específica entre las sondas de ADN marcadas con un fluorocromo y las secuencias de ADN localizadas en lugares concretos del genoma, bien en los cromosomas (metafase) o en los núcleos celulares (interfase).

Se debe desnaturalizar el ADN de las células fijadas en el portaobjetos (previamente obtenidas de cultivo celular). Luego se desnaturaliza la sonda a utilizar según el caso y se coloca sobre la muestra fijada en el portaobjetos. Se introduce en una cámara húmeda en estufa a 37°C durante 18-24hs. Pasado ese tiempo se le realizan una serie de lavados, se tiñen los núcleos con DAPI y se observan al microscopio las señales de fluorescencia que han hibridado.



- **MLPA:**

MLPA (Amplificación Múltiple de Sondas Dependientes de Ligación) es un método basado en sondas y PCR Multiplex que permite detectar números anómalos de copias en más de 50 secuencias diferentes de ADN genómico. Dependiendo del gen, los cambios en número de copias son de frecuencias variables, que pueden ir desde 10%-70%.

Al ser MLPA un análisis cuantitativo, se lo propone como método de estudio complementario a otros como la secuenciación Sanger, que es cualitativa. La inclusión de MLPA en análisis clínicos puede de esta manera aumentar significativamente la tasa de detección de varios desórdenes genéticos.

Una variante de MLPA es el ensayo Methyl Specific-MLPA (MS-MLPA), que puede ser utilizada tanto para análisis de número de copias, como para análisis del perfil de metilación. Se ha comprobado que MS-MLPA es muy útil para la detección de enfermedades producidas por alteraciones en el patrón de imprinting de ADN y para el análisis de aberraciones de metilación en muestras de tumor.

- **MS-MLPA:**

Para el caso particular de Prader Willi/Angelman y Beckwith Wiedemann/Silver Rusell, MS-MLPA permite detectar si hay una alteración epigenética, y determinar si esta alteración se debe a la ausencia de un cromosoma parental. Si ambos cromosomas están presentes, se concluye que la alteración epigenética se puede deber a una disomía uniparental o a un error de imprinting. MS-MLPA no puede diferenciar entre estas dos condiciones, sugiriéndose en esos casos un análisis de microsatélites.

Para el caso de metilaciones aberrantes en tumores, MS-MLPA permite detectar el porcentaje de alelos metilados en la muestra analizada

- **NEXT GENERATION SECUENCING (NGS)**

Next Generation Sequencing (NGS), o secuenciación de última generación, es un término utilizado para describir a un conjunto de nuevas tecnologías capaces de realizar una secuenciación masiva de ADN. Esto significa que millones de pequeños fragmentos de ADN pueden ser secuenciados al mismo tiempo, creando una gran masa de datos. Esta masa de datos puede alcanzar gigabites en tamaño, que es el equivalente de 1.000 millones de pares de bases de ADN. En comparación, los métodos anteriores podían secuenciar únicamente un fragmento de ADN a la vez, generando entre 500 y 1.000 pares de bases de ADN en una sola reacción.

• **Afiliación:** El primer paso antes de la utilización de nomenclador es necesario identificar la afiliación. A los efectos de verificar la afiliación del beneficiario, cada Institución comprendida en el convenio debe tener acceso a SISAO mediante una computadora e internet/intranet para consultar en la página de OSEP ([www.osep.mendoza.gov.ar/webapp\\_pri/](http://www.osep.mendoza.gov.ar/webapp_pri/)). Esta búsqueda se realizará por número de afiliado, últimos 4 dígitos de la credencial o D.N.I. al momento de la consulta; siendo este el dato básico para la identificación y registro de cobertura. Se podrá utilizar huella digital en caso de encontrarse esta tecnología incorporada. Una vez identificado el afiliado, cada prestación ambulatoria, de guardia o internación será acompañada con la documentación que permita su apropiada facturación.

• **Utilización:** para normatizar la utilización del Nuevo Nomenclador se propone la búsqueda de la práctica por número o módulo. Aunque la búsqueda por descripción se encuentra habilitada y puede realizarse, el sistema busca con exactitud lo que se tipea, por lo tanto la omisión de acentos, espacios u otros errores ortográficos pueden no arrojar resultados.

• **Aranceles:** los valores mencionados en el actual nomenclador podrán estar sujetos a modificaciones por futuros cambios en el convenio, por lo que puede explicar la diferencias de valor cuando se cargue la practica por sistema.

• **Orden por SISAO:** toda prestación debe presentarse con la orden emitida por SISAO. La misma llevará firma y sello del profesional junto con la firma del afiliado.

## CONDICIONES

### CONDICIONES GENERALES:

- Las normas del presente nomenclador, los aranceles, las prácticas y módulos como así futuros cambios son establecidos por la OSEP y consensuados con los diferentes prestadores especializados en Biología molecular, citogenética y cromatografía.
- Los aranceles que figuran en este Nomenclador han sido valorizados en pesos.
- El total del arancel de las prestaciones de este Nomenclador presentan co-pagos y carga de la Obra Social.
- Los códigos de prácticas tienen inclusiones y exclusiones perfectamente establecidas que serán consideradas para su facturación.
- Los aranceles no se incrementarán en porcentaje alguno cuando se realicen prestaciones en horario nocturno, y/o días feriados, ni tampoco en caso de atención de urgencia.

#### CONDICIONES ESPECÍFICAS

- Con el fin de facilitar la auditoría y la conformación de la orden médica por el prescriptor, existen prácticas que han sido agrupadas en paneles en ciertas patologías específicas. Por lo tanto, todas aquellas órdenes médicas que tengan las practicas por separado, la Auditoría Bioquímica indicará la codificación del panel que les corresponda, aún cuando practicas del panel no hayan sido solicitadas.
- Existen prácticas codificadas que detallan en su descripción la investigación precisa de una alteración cromosómica, gen o patógeno , entre otros; por lo que no podrán ser reemplazos por otras codificaciones que describan técnicas o alteraciones generales.
- Existen prácticas de descripción para uso genéricos que podrán ser utilizadas cuando se soliciten prácticas que no se encuentren convenidas. Las mismas serán determinadas por OSEP y en concenso con los prestadores bioquímicos.
- Existen prácticas similares en descripción y técnica, pero solo se autorizará una de ellas por ejemplo Cromosoma Filadelfia, Traslocación Fidadelfia -BCR/ABL p210, cuantitativo vs p 190 vs p 230,

## POLÍTICA DE COBERTURA

- OSEP ha definido esta nomenclador y su cobertura, a través de convenio directos con prestadores especializados, **solo cuando el resultado de la prueba otorgara un diagnóstico preciso y una terapéutica clara y beneficiosa para el afiliado.**
- Se excluye de la política, la cobertura de estas pruebas para fines de investigación y simplemente por curiosidad científica.

## AUTORIZACIÓN GENERAL

- Todas las prácticas contempladas en el actual nomenclador cuentan con **autorización previa sin excepción**, por lo que todas las órdenes médicas deben ser autorizadas por Ventanilla Única de OSEP en calle Vicente Zapata.
- El **responsable de la autorización es la Auditoría Bioquímica de OSEP**, pudiendo ésta solicitar a las diferentes áreas de la Obra Social intervención para su autorización:
  - Departamento de Infecología, Prevención y Control de Infecciones, para prácticas de microbiología y farmacogenética.
  - Comisión de Fertilidad, para prácticas de fertilidad.
  - Genetista de OSEP, prácticas de enfermedades congénitas y cromatografía.
  - Asesoría Técnica de la Dirección de Atención de la Salud, cualquier práctica que requiera su intervención.
- Las practicas de oncología general, onco-hematología y asesoramiento genético serán autorizadas exclusivamente por la Comisión de Tumores y Asesoramiento genético perteneciente al Departamento de Oncología de OSEP ubicado en edificio de calle Salta, planta baja.

- Es potestad de OSEP solicitar cuando lo necesite resumen de historia clínica u otra documentación necesaria durante el proceso de auditoría.
- Los prestadores bioquímicos no podrán recibir muestras de afiliados sin previa orden autorizada por OSEP.
- En los casos de **afiliados interprovinciales** en tránsito en la Provincia de Mendoza, internados o ambulatorios, que requieran de las prestaciones de dichos servicios; será requisito indispensable la autorización previa por el Departamento del Servicio Asistenciales Interprovinciales (S.A.I) de OSEP, y en todos los casos, la autorización emitida por la Auditoria Bioquímica de OSEP.
- En **pacientes trasplantados** y según convenio vigente de trasplante de órgano sólido, las PCR cualitativas para CMV, carga viral para hepatitis C y carga viral para BK virus, se encuentran incluidas en los diferentes módulos convenidos. Por lo tanto, no deberán autorizarse al menos que nuevo convenio las excluya.

#### **AUTORIZACIÓN EN PACIENTES INTERNADOS EN EFECTORES NO PROPIOS**

- Las prácticas solicitadas en estos pacientes y que no se encuentren incluida en el módulo de internación, el prestador confeccionará orden médica y cumplirá el mismo circuito de autorización que las prácticas ambulatorias.
- Las órdenes médicas en esta instancia deben estar firmadas por el Evaluador del Proceso Asistencial (EPA) de OSEP.

#### **AUTORIZACIÓN DESDE EFECTORES HOSPITALARIOS**

- Los efectores Hospitalarios de OSEP podrán autorizar y derivar muestras a prestadores directos de la libre elección **solo en pacientes internados**. Esto evitará que el familiar del afiliado deba dirigirse a Ventanilla única para su autorización. Se entiende que las practicas a derivar son de categoría de urgencia y que ésta definirá diagnóstico y/o tratamiento durante su internación. Todas las muestras derivadas desde los efectores hospitalarios propios **NO** contarán con co-pago.
- Aquellos prestadores bioquímicos que presten Servicio de logística sin cargo en el retiro de las muestras en los efectores propios hospitalario y que lo declare al momento de firmar su convenio directo, se les dará prioridad para la realización de la práctica. La entrega de los informes podrá realizarse mediante el envío del mismo en formato pdf al mail de referencia que otorgue el Laboratorio Central de OSEP.
- Cuando la practica se solicite por ambulatorio, debe ser firmada primeramente por la auditoria interna del Efector, la Dirección Médica Asistencial y luego enviar a Auditoría Bioquímica en OSEP Central

#### **CO-PAGO**

- Los aranceles totales de cada práctica contemplan co-pagos por parte del afiliado, quedando eximidos del mismos en las siguientes situaciones:
  - Afiliados con certificado único de discapacidad (C.U.D) y donde se demuestre que la práctica solicitada se asocia a su discapacidad.
  - Afiliados empadronados a través de la Dirección de Pacientes Complejos tales como H.I.V, Hepatitis, trasplantados y/o ciertas patologías oncológicas.
  - Futuras normas legales que obliguen la cobertura total por parte de la obra social.

#### **POLÍTICA DE COBERTURA**

- OSEP ha definido esta nomenclador y su cobertura, a través de convenio directos con prstadores especializados, solo cuando el resultado de la prueba otorgara un diagnóstico preciso y una terapéutica clara y beneficiosa para el afiliado.
- Se excluye de la política, la cobertura de estas pruebas para fines de investigación y simplemente por curiosidad científica.

## PRESTADORES CONVENIDOS

PRESTADOR	INFORMACIÓN DE LOS PRESTADORES
 <p><b>BIOGENOTEC</b> LABORATORIO DE ANÁLISIS CLÍNICOS Y GENÉTICOS</p>	<p>Dir.: Beltrán Sur 130 (Entre Lavalle y Salta) Godoy Cruz- Mendoza  <b>Teléfono:</b> +54 261 387 7718  <b>Horario de Atención:</b> 9-13.30 / 15-20 hs  <b>E-mail:</b> info@biogenotec.com</p>
<p><b>INSTITUTO DE ALERGIA E INMUNOLOGÍA (I.A.I)</b></p>	<p>Dir.: Avenida España 1824,Ciudad - Mendoza  <b>Teléfono:</b> +54 261 4294216  <b>E-mail:</b> no informado</p>
	<p>Dir.: Avenida España 1824,Ciudad - Mendoza  <b>Teléfono:</b> +54 261 4295857-4293674-154712056  <b>E-mail:</b> secretariabiogen@gmail.com</p>
<p><b>POTT GODOY HNOS S.A.</b></p>	<p>Dir: T. Benegas 938, Capital - Mendoza  <b>Teléfono:</b>  <b>E-mail:</b> Tel.</p>





Laboratorio ubicado en Buenos Aires que cuenta con extractorios en la Provincia de Mendoza, a través de los siguientes Laboratorios locales:

- **Analisis Clinicos Castillo Oscar:**
  - **Dir:** Patricias Mendocinas 1057, Ciudad, Mendoza.
  - **Teléfono:** +54 261 4295050
  - **E-mail:** no informado
- **Analisis Clinicos y Alta Complejidad Dr. Gustavo Yapur:**
  - **Dir:** Lisandro de la Torre 205, 205, IEL, Lisandro De la Torre, Ciudad, Mendoza.
  - **Teléfono:** +54 261 4240060
  - **E-mail:** no informado
- **Laboratorio Rauek:**
  - **Dir:** Rioja 1354, Ciudad. Mendoza.
  - **Teléfono:** +54 261 4256248
  - **E-mail:** no informado
- **Laboratorio de Analisis Clínico Dra. Stella Batalla:**
  - **Dir:** Chile 1443, planta baja, Ciudad, Mendoza.
  - **Teléfono:** +54 261 4259579
  - **E-mail:** no informado

**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA**

<b>ESTUDIOS DE CARIOTIPO</b>							
<b>Código de Practica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Prestador Convenido</b>	<b>Valor OSEP</b>	<b>Valor a/c Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>66-003430-00</b>	Cariotipo con Bando	Citogenética	204	Biogenotec Dra. Castellanos	\$ 6.732	\$ 1.224	\$ 7.956
<b>66-003427-00</b>	Cariotipo con Bando - Alta Resolución (Alta Sensibilidad)	Citogenética	230	Biogenotec Dra. Castellanos Biogen	\$ 7.590	\$ 1.380	\$ 8.970
<b>66-003435-00</b>	Cariotipo de liquido amniótico	Citogenética	350	N/C	\$ 11.550	\$ 2.100	\$ 13.650
<b>66-003440-00</b>	Cariotipo de material de aborto	Citogenética	350	Biogen	\$ 11.550	\$ 2.100	\$ 13.650
<b>66-003443-00</b>	Cariotipo de médula ósea (Citogenético)	Citogenética	204,5	Biogenotec Dra. Castellanos Biogen	\$ 6.749	\$ 1.227	\$ 7.976
<b>66-003443-01</b>	Cariotipo de sangre periférica (Citogenético)	Citogenética	204,5	Biogenotec Dra. Castellanos Biogen	\$ 6.749	\$ 1.227	\$ 7.976
<b>66-003446-00</b>	Cariotipo de vellosidades coriónicas	Citogenética	350	N/C	\$ 11.550	\$ 2.100	\$ 13.650
<b>67-003446-01</b>	Cariotipo Molecular (Microarray cromosómico)	Citogenética	2500	Biogenotec	\$ 82.500	\$ 15.000	\$ 97.500

**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA**

**ENFERMEDADES CONGÉNITAS Y HEREDITARIAS**

<b>ESTUDIOS DE ALTERACIONES CROMOSÓMICAS GENERALES</b>						
<b>Código de Practica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>66-010026-00</b>	Alteraciones en regiones subteloméricas (MLPA P070) - Cantidad de sondas: 47 - Región genómica: 41 regiones subteloméricas	MLPA	1250	\$ 41.250	\$ 7.500	\$ 48.750
<b>66-010027-00</b>	Aneuploidia X e Y (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 12 - Región genómica: cromosoma X: 8 sondas, cromosoma Y:4 sondas	MLPA	1250	\$ 41.250	\$ 7.500	\$ 48.750
<b>66-004160-00</b>	Cromosoma X	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-10102-00</b>	Cromosoma Y	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-10103-00</b>	Cromosomas, Alteraciones del (cada uno)	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-004165-00</b>	Deleciones del cromosoma Y		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>66-004143-00</b>	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma 13	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-004144-00</b>	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma 17-P53	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990

<b>66-004145-00</b>	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma 6 MYB	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-004146-00</b>	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma C11 ATM- 5q-7Q-gen ATM	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-004147-00</b>	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Trisomía 12-Centrómero 12	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-010106-00</b>	Fragilidad del cromosoma X con análisis de patrón de metilación	PCR y análisis de fragmentos	590	\$ 19.470	\$ 3.540	\$ 23.010
<b>66-004155-00</b>	Fragilidad del cromosoma X, detección de normales, premutados y mutados. PCR -Amplidex FMR1 Asuragen	PCR	250	\$ 8.250	\$ 1.500	\$ 9.750
<b>66-007153-00</b>	Gen SRY para disgenesia gonadal		100	\$ 3.300	\$ 600	\$ 3.900
<b>67-010111-00</b>	Chequeo de mutación puntual	PCR-SEC	300	\$ 9.900	\$ 1.800	\$ 11.700

<b>ESTUDIOS DE ALTERACIONES CROMOSOMICAS PATOLOGIA ESPECÍFICA</b>				<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>Código de Practica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>			
<b>A crear</b>	Acondroplasia, mutación G380R		150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>A crear</b>	Hipocondroplasia N540K		150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-010042-00</b>	Retardo mental ligado al X no X- Frágil (MLPA P106)	MLPA	318	\$ 10.494	\$ 1.908	\$ 12.402
<b>66-010044-00</b>	Síndrome de microdelección 21q22.13-q22.2		136	\$ 4.488	\$ 816	\$ 5.304

<b>66-010046-00</b>	Síndrome de Alagille (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 2 - Región genómica: 20p12.2 JAG1 gene	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010047-00</b>	Síndrome de Beckwith-Wiedemann/Russell Silver (MS-MLPA ME030): - Cantidad de sondas: 26 sondas para alteración numérica y 10 sondas para alteración de imprinting - Región genómica: 11q15	MS-MLPA	1450	\$ 47.850	\$ 8.700	\$ 56.550
<b>66-010023-00</b>	Secuencia 11p15.5-Pter (Síndrome Beckwith-Wiedemann)		193	\$ 6.369	\$ 1.158	\$ 7.527
<b>66-010048-00</b>	Síndrome de Cri du Chat (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 6 - Región genómica: 5p15 telomeric region	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010049-00</b>	Síndrome de Di George/Síndrome Cat Eye- Región/ Síndrome Velo-Cardio-Cacial (VCF) - (MLPA P250) - Cantidad de sondas: 48 - Región genómica: 22q11:30 sondas, 22q13:2 sondas, 4q34-qter:2 sondas, 8p23:3 sondas, 10p15:5 sondas, 17p13.3:4 sondas.	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010050-00</b>	Síndrome de Down (trisomía 21) (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: cromosoma 21	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900

<b>66-010051-00</b>	Síndrome de Edwards (trisomía 18) (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: cromosoma 18	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010052-00</b>	Síndrome de Kabuki (MLPA P389) - Cantidad de sondas: 27 - Región genómica: gen MLL2	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010053-00</b>	Síndrome de Langer-Giedon (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 6 - Región genómica: 8q24 telomeric region	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010025-00</b>	Síndrome de microdelección 19qter (MLPA)	MLPA	193	\$ 6.369	\$ 1.158	\$ 7.527
<b>66-010054-00</b>	Síndrome de Miller-Dieker (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 7 - Región genómica: 17p13.3	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010055-00</b>	Síndrome de Patau (trisomía 13) (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: cromosoma 13	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010056-00</b>	Síndrome de Phelan-McDermid (secuencia 22q13)		136	\$ 4.488	\$ 816	\$ 5.304
<b>66-010057-00</b>	Síndrome de Prader Willi/Angelman (MS-MLPA ME028): - Cantidad de sondas: 31 sondas para alteración numérica y 5 sondas para alteración de imprinting - Región genómica: 15q11	MS-MLPA	1400	\$ 46.200	\$ 8.400	\$ 54.600
<b>66-010037-00</b>	Síndrome de Prader Willi/Angelman (Microsatélites región 15q Madre- Hijo-Padre)	PCR 3 STRs- electroforesis Capilar	181	\$ 5.973	\$ 1.086	\$ 7.059
<b>66-010059-00</b>	Síndrome de Rett MECP2	PCR-SEC	1000	\$ 33.000	\$ 6.000	\$ 39.000

<b>66-010060-00</b>	Síndrome de Rubinstein-Taybi (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 4 - Región genómica: CREBB gene	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010061-00</b>	Síndrome de Saethre-Chotzen (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 2 - Región genómica: TWIST gene:1 sonda, TWISTNB gene: 1 sonda	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010062-00</b>	Síndrome de Smith-Magenis (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 6 - Región genómica: 17p11.2	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010064-00</b>	Síndrome de WAGR (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: 11p13-14 region	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>VERIFICAR</b>	Síndrome de Williams (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 7 - Región genómica: 7q11.23	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010065-00</b>	Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 16 - Región genómica: 4p telomeric region	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-010066-00</b>	Síndrome del 1p36 (MLPA P064) - Cantidad de Sondas: 7 - Región genómica: 1p36 región telomérica	MLPA	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900
<b>66-006632-00</b>	HLA B27 asociado a espondiloartropatías		150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-010067-00</b>	Tipificación locus HLA DQ completa		136	\$ 4.488	\$ 816	\$ 5.304
<b>VERIFICAR</b>	Translocación, varias-cualitativas (cada una)		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580

	\$ 0	
	\$ 0	

<b>PANEL GENÉTICA MÉDICA</b>						
<b>Código de Práctica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
66-010106-00	Panel Completo de Anomías Esqueléticas	NGS 300x	1950	\$ 64.350	\$ 11.700	\$ 76.050
66-010107-00	Panel de Craneosinostosis ALPL, ALX3, ALX4, BMP4,	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010108-00	Panel de Braquidactilia/Sindactilia	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010109-00	Panel de Artrogriposis ACTA1, AGRN, BIN1, CASK,	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010110-00	Panel de Macrocefalia ABCC6, AKT1, AKT3, ASPA,	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010111-00	Panel de Microcefalia e Hipoplasia Pontocerebelosa	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010112-00	Panel de Enfermedades Hereditarias Frecuentes	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010113-00	Panel de Enfermedades Hereditarias	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010114-00	Panel Ampliado de Enfermedades Hereditarias	NGS 300x	1996	\$ 65.852	\$ 11.973	\$ 77.825
66-010063-00	Síndrome de Sotos (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 3	MLPA	581	\$ 19.173	\$ 3.486	\$ 22.659
66-010115-00	Panel de Síndrome de Sotos ACTA2, AGTR1, AKT1, AKT2,	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455



## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

### ESTUDIOS DE FARMACOGENÉTICA

Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Prestador Convenido	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
<b>66-010002-00</b>	DPYD (Enzima DPD)	PCR-SEC	172	Biogenotec	\$ 5.676	\$ 1.032	\$ 6.708
<b>66-006281-00</b>	HIV resistencia a retrovirales	RT-Nested PCR + SEC	400	Biogenotec	\$ 13.200	\$ 2.400	\$ 15.600
<b>66-006337-00</b>	HLA-B 5701 Genotipo, Abacavir Hipersensibilidad, sangre	SSP - PCR LUMINEX	200	Biogenotec	\$ 6.600	\$ 1.200	\$ 7.800
<b>66-008450-00</b>	Polimorfismo gen IL28B	PCR-RT	172	Biogenotec	\$ 5.676	\$ 1.032	\$ 6.708

**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**

<b>ESTUDIOS DE FERTILIDAD</b>							
<b>Código de Practica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Prestador Convenido</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>66-010003-00</b>	AZF - microdeleciones cromosoma Y	PCR	240	Biogenotec Biogen	\$ 9.360	\$ 0	\$ 9.360
<b>66-004964-00</b>	Fragmentación de ADN, Test de (Halosperm/Test de Tunel)		110	Dr. Martinez	\$ 4.290	\$ 0	\$ 4.290
<b>67-10188-00</b>	<b>Panel de Infertilidad Femenina</b> BMP15, DIAPH2, DMC1, ESR1, FGFR1, FIGLA, FOXL2, FOXO3, FSHB, FSHR, GALT, GDF9, HFM1, KISS1R, LHB, LHCGR, LHX8, MCM8, MCM9, MSH4, NANOS3, NOBOX, NR5A1, PGRMC1, POF1B, PSMC3IP, REC8, SMC1B, SOHLH1, STAG3, SYCE1, AMH, AMHR2, CAPN10, DENND1A, FSHR, GDF9, LHCGR, SULT2A1, THADA, TUBB8, ZP1, PADI6, TLE6, F2, F5, MTHFR, PROC, PROS1, SERPINC1, SYCP3	NGS 300x	1909	Biogenotec	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
<b>67-10189-00</b>	<b>Panel de Infertilidad Masculina</b> AR, FHSR, LHCGR, CATSPER1 CATSPER2, DNAH1, DNAH5, DNAI1, GALNTL5, SEPT12, SLC26A8, SUN5, ADGRG2, CFTR, PLCZ1, AZF, FGFR1, FSHB, HSF2, KAL1, KISS1R, KLHL10, LHB, NANOS1, NR5A1, SYCE1, SYCP3, TAF4B, TEX11, TEX15, USP9Y, ZMYND15, AURKC, DPY19L2, PICK1, SEPT12, SPATA16, SUN5, ZBPB	NGS 300x	1909	Biogenotec	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

# NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES DE BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

## ESTUDIOS MICROBIOLÓGICOS

Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-002009-00	Acanthamoeba	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-002446-00	Adenovirus	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-002743-00	Antígenos virales - Panel de diarreicos	PCR	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
66-002745-00	Antígenos Virales - Panel de respiratorio básico (Influenza A- B/Parainfluenza 1-2-3 /Sincicial respiratorio A-B/ Adenovirus).	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-002749-00	Antígenos Virales - Panel de respiratorio extendido (Sincicial respiratorio A-B/ Adenovirus/Rinovirus Humanos/Mycoplasma pneumoniae/Metapneumovirus humano / Bocavirus humano /).	PCR	180	\$ 5.940	\$ 1.080	\$ 7.020
66-002739-00	Antigenos-Panel Ginecologico Chamydia trachomatis/ Mycoplasma hominis/ Mycoplasma genitalium/ Ureaplasma urealyticum/ Neisseria gonorrhoeae).	PCR	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
66-003120-00	Bordetella pertusis	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-003581-00	Chagas	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-003582-00	Chikunguya, virus	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-003591-00	Chlamydia pneumoniae	PCR	90	\$ 0	\$ 0	\$ 0
66-003609-00	Chlamydia psitacci	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-003649-00	Chlamydia trachomatis	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-003720-00	Citomegalovirus, DNA Carga Viral (CMV-DNA carga viral)	PCR-RT	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
66-003722-01	Citomegalovirus, DNA por PCR (CMV-DNA po	PCR	70	\$ 2.310	\$ 420	\$ 2.730

<b>66-004369-00</b>	Dengue	PCR	110	\$ 3.630	\$ 660	\$ 4.290
<b>66-010001-00</b>	Determinación Viroológica en taco de parafina	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-004691-00</b>	Enterovirus	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-004717-00</b>	Epstein Baar, detección cuantitativa	PCR-RT	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-004728-00</b>	Epstein Baar	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-004738-00</b>	Escherichia coli - Enteropatógena	PCR	95	\$ 3.135	\$ 570	\$ 3.705
<b>66-005931-00</b>	Hepatitis B, DNA viral (HBV-DNA) (PCR - Cua)	PCR	80	\$ 2.640	\$ 480	\$ 3.120
<b>66-003720-00</b>	Hepatitis B, Carga viral	PCR-RT	185	\$ 6.105	\$ 1.110	\$ 7.215
<b>66-005956-00</b>	Hepatitis C, Carga viral	PCR-RT	185	\$ 6.105	\$ 1.110	\$ 7.215
<b>66-005965-00</b>	Hepatitis C, Genotipificación	PCR-RT LIPA	135	\$ 4.455	\$ 810	\$ 5.265
<b>66-006011-00</b>	Hepatitis E	PCR	125	\$ 4.125	\$ 750	\$ 4.875
<b>66-006037-00</b>	Herpes Simplex, 1 / 2	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-006038-00</b>	Herpes Simplex, 1 / 2 – Tipificación	PCR-RT	130	\$ 4.290	\$ 780	\$ 5.070
<b>66-006120-00</b>	Herpes Virus 8	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>67-001105-00</b>	HIV, Carga viral	PCR-RT	160	\$ 5.280	\$ 960	\$ 6.240
<b>66-006572-00</b>	Identificación microbiológica por PCR	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-006728-00</b>	Influenza A, Antígenos (Ags) -Material hisopado nasal/faringeo/aspirados	PCR	95	\$ 3.135	\$ 570	\$ 3.705
<b>66-006978-00</b>	Leishmania	PCR	95	\$ 3.135	\$ 570	\$ 3.705
<b>66-007242-00</b>	Listeria	PCR	80	\$ 2.640	\$ 480	\$ 3.120
<b>66-007440-00</b>	Metapneumovirus Humano, Ag (hMPV)	PCR	95	\$ 3.135	\$ 570	\$ 3.705
<b>66-007648-00</b>	Mycobacterium Complex	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-007660-00</b>	Mycobacteria atípica	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-007669-00</b>	Mycobacteria tuberculosis, DNA	PCR	70	\$ 2.310	\$ 420	\$ 2.730
<b>66-007736-00</b>	Mycoplasma pneumoniae	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
<b>66-008009-00</b>	Papiloma Virus Humano HPV (carga viral)	PCR	160	\$ 5.280	\$ 960	\$ 6.240
<b>66-008011-00</b>	Papiloma Virus Humano HPV (genotipificación)	PCR-RT	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-008241-00</b>	Parvovirus B19	PCR	131	\$ 4.323	\$ 786	\$ 5.109
<b>66-008463-00</b>	Poliomavirus BK, Carga viral - sangre u orina	PCR-RT	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-008466-00</b>	Poliomavirus JC, Carga viral -sangre u orina	PCR-RT	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850

<b>66-008467-00</b>	Poliomavirus JC, LCR	PCR	106	\$ 3.498	\$ 636	\$ 4.134
<b>66-009591-00</b>	Toxoplasmosis	PCR	70	\$ 2.310	\$ 420	\$ 2.730
<b>66-009834-00</b>	Varicela zoster, DNA	PCR	70	\$ 2.310	\$ 420	\$ 2.730
<b>66-006100-00</b>	Virus Herpes 6 Humano, Carga viral	PCR-RT	150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-009978-00</b>	Zika, virus	PCR	100	\$ 3.300	\$ 600	\$ 3.900

**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**

**ONCOLOGÍA**

**ESTUDIOS ONCOLOGICOS (NO HEMATOLÓGICOS)**

Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-010068-00	APC, MUTYH para Poliposis Adenomatosa Familiar	NGS	1204	\$ 39.732	\$ 7.224	\$ 46.956
66-010116-00	ALK	F.I.S.H	320	\$ 10.560	\$ 1.920	\$ 12.480
66-010006-00	ATM	F.I.S.H	410,00	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
66-010070-00	BRAF (V600)	PCR-RT	381	\$ 12.573	\$ 2.286 \$ 0	\$ 14.859
66-003143-00	BRCA 1 BRCA 2, Secuenciación completa por Illumina y corroboración por Sanger	Secuenciación Illumina + Sanger	1386	\$ 45.738	\$ 8.316	\$ 54.054
66-010071-00	BRCA1 (Ca de mama hereditario) (MLPA P002) - Cantidad de sondas: 35 - Región genómica: 24 exones del gen BRCA1	MLPA	1280	\$ 42.240	\$ 7.680	\$ 49.920
66-003147-00	BRCA1/BRCA2 (Panel de Ashkenazi-Sefaradi)	Secuenciación por Sanger	450	\$ 14.850	\$ 2.700	\$ 17.550
66-003145-00	BRCA1/BRCA2 Screening (Panel de Ashkenazi)	Secuenciación por Sanger	375	\$ 12.375	\$ 2.250	\$ 14.625
66-010072-00	Cancer de Colon - Inestabilidad de microsatélites (MSI) PCR multiples de 8 microsatélites: D2S123, D5S346, D17S250, NR-21, NR-24, BAT-25, BAT-26, Mono-27.	Electroforesis capilar	159	\$ 5.247	\$ 954	\$ 6.201
66-010117-00	Cancer de Colon - Inestabilidad de microsatélites (Síndrome de Lynch)	PCR	1100	\$ 36.300	\$ 6.600	\$ 42.900

<b>66-010075-00</b>	Cancer de colon (MLPA ME011) Metilación en los genes MLH1 y MSH2	MLPA	159	\$ 5.247	\$ 954	\$ 6.201
<b>66-010073-00</b>	Cancer de colon hereditario:FAP (MLPA P043) - Cantidad de sondas: 39 - Región Genómica: gene APC	MLPA	1150	\$ 37.950	\$ 6.900	\$ 44.850
<b>66-010074-00</b>	Cancer de colon hereditario:HNPCC (MLPA P003) - Cantidad de sondas: 46 - Región Genómica: genes MSH1 y MSH2	MLPA	1150	\$ 37.950	\$ 6.900	\$ 44.850
<b>66-010076-00</b>	Cancer de Colon, Detecciones de deleciones/duplicaciones en genes MMR (MLPA P003)	MLPA	227	\$ 7.491	\$ 1.362	\$ 8.853
<b>66-010095-00</b>	Cancer de colon (Detección de cambio en número de copias y metilación aberrante) - Región Genómica:mlh1, msh2, msh3, pms2, mgmt, mlh4	MS-MLPA	1300	\$ 42.900	\$ 7.800	\$ 50.700
<b>66-010077-00</b>	CDH1 (exón 2 al 16)	PCR-SEC	1272	\$ 41.976	\$ 7.632	\$ 49.608
<b>66-010078-00</b>	CDH1 (mutación familiar)	PCR-SEC	636	\$ 20.988	\$ 3.816	\$ 24.804
<b>66-010079-00</b>	CDKN2A (P16)	PCR-SEC	1136	\$ 37.488	\$ 6.816	\$ 44.304
<b>66-010080-00</b>	CH1 (exón 2 al 16)	PCR-SEC	1272	\$ 41.976	\$ 7.632	\$ 49.608
<b>66-010081-00</b>	CHEK 2 (CHECK*1100delC)	PCR-SEC	181	\$ 5.973	\$ 1.086	\$ 7.059
<b>66-010118-00</b>	CKIT (exónes 9,11,13 y 17)	PCR-SEC	650	\$ 21.450	\$ 3.900	\$ 25.350
<b>66-010083-00</b>	C-MYC t(8;14)	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-010054-00</b>	N-MYC (2p23-24)		193	\$ 6.369	\$ 1.158	\$ 7.527
<b>66-010119-00</b>	Deleción 1p/19q	PCR	827,25	\$ 27.299	\$ 4.964	\$ 32.263
<b>66-010084-00</b>	EGFR (exón 19 y 20)	PCR-SEC	501	\$ 16.533	\$ 3.006	\$ 19.539
<b>67-010211-00</b>	ErbB2 (HER 2) (exón 20)	PCR-SEC	250	\$ 8.250	\$ 1.500	\$ 9.750
<b>66-006028-00</b>	ErbB2 (HER 2) (exón 19 y 20)	PCR-SEC	418	\$ 13.794	\$ 2.508	\$ 16.302
<b>66-010120-00</b>	IDH 1/2, exón 4	Secuenciación por Sanger	581	\$ 19.173	\$ 3.486	\$ 22.659
<b>66-010086-00</b>	KRAS (exones 2 , 3 y 4)	PCR-SEC	350	\$ 11.550	\$ 2.100 \$ 0	\$ 13.650
<b>66-010087-00</b>	MEN2A (Cancer medular de tiroides) (PCR/RFLP) - Región genómica: Exón 11 protoncogén ret	PCR-RFLP	581	\$ 19.173	\$ 3.486	\$ 22.659

<b>66-010121-00</b>	Metilación del promotor del gen MGMT	PCR	1063	\$ 35.079	\$ 6.378	\$ 41.457
<b>66-010088-00</b>	Neuroblastoma PHOX2B	220	22	\$ 726	\$ 132	\$ 858
<b>66-010088-00</b>	NRAS (exones 2 , 3 y 4)	PCR-SEC	477	\$ 15.741	\$ 2.862	\$ 18.603
<b>66-010100-00</b>	<b>Panel de 16 genes para Cáncer Hereditario.</b> <b>Incluye:</b> APC, MUTYH, BRCA1, BRCA2, CDH1, EPCAM, PMS2, MLH1, MSH2, MSH6, MEN1, PTEN, RB1, RET, TP53, VHL.	NGS	1204	\$ 39.732	\$ 7.224	\$ 46.956
<b>66-010101-00</b>	<b>Panel de 69 genes para Cáncer Hereditario.</b> <b>Incluye:</b> TP53, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH, PMS2, PTEN, BRCA1, BRCA2, ATM, APC, CDH1, CHEK2, MUTYH, NBN, PALB2, STK11, VHL, CDK4, CDKN2A, NF1, POLD1, BAP1, BARD1, BMPR1A, BRIP1, HOXB13, MITF, POLE, RAD51C, RED51D, RB1, SMAD4, , TSC1, TSC2, FH, FLCN, MEN1, MET, RET, SDHB, SDHC, SDHC, ALK, DICER1, FANCC, GREM1, MRE11A, NF2, POT1, PTCH1, RAD50, SMARCA4, AIP, AXIN2, BLM,GALNT12, MAX, NTHL1, PHOX2B, PRKAR1A, RECQL, SCG5/GREM1, SDHA, SDHAF2, SMARCB1, SUFU, TMEM127, WT1.	NGS	1477	\$ 48.741	\$ 8.862	\$ 57.603



<b>66-010122-00</b>	<b>Panel de 88 genes para Cáncer Hereditario.</b> ABL1, BRCA2, EGFR, FANCA, FOXL2, JAK3, MTOR, PIK3CA, SMAD4, AKT1, CCND1, ERBB2, FANCC, GNA11, KDR, MYC, PIK3R1, SMARCB1, AKT3, CDH1, ERBB3, FANCF, GNAQ, KIT, MYCN, PPARG, SMO, ALK, CDK4, ERBB4, FANCG, GNAS, KRAS, NOTCH1, PTEN, SRC, APC, CDK6, ERG, FBXW7, HNF1A, MAP2K1, NPM1, PTPN11, STK11, AR, CDKN2A, ESR1, FGFR1, HRAS, MAP2K2, < NRAS, RAF1, TP53, ATM, CEBPA, ETV1, FGFR2, IDH1, MAP2K4, NTRK1, RB1, VHL, AXL, CSF1R, ETV4, FGFR3, IDH2, MET, NTRK2, RET, WT1, BRAF, CTNNB1, ETV5, FGFR4, JAK1, MLH1, NTRK3, ROS1, BRCA1, DDR2, EZH2, FLT3, JAK2, MPL, PDGFRA, RUNX1.	NGS	1727	\$ 56.991	\$ 10.362	\$ 67.353
<b>66-010123-00</b>	<b>Panel de 409 genes para Cáncer Hereditario.</b> ABL1 ABL2 ACVR2A ADAMTS20 AFF1 AFF3 AKAP9 AKT1 AKT2 AKT3 ALK APC AR ARID1A ARID2 ARNT ASXL1 ATF1 ATM ATR ATRX AURKA AURKB AURKC AXL BAI3 BAP1 BCL10 BCL11A BCL11B BCL2 BCL2L1 BCL2L2 BCL3 BCL6 BCL9 BCR BIRC2 BIRC3 BIRC5 BLM BLNK BMPR1A BRAF BRD3 BRIP1 BTK BUB1B CARD11 CASC5 CBL CCND1	NGS	2377	\$ 78.441	\$ 14.262 \$ 0	\$ 92.703
<b>66-010124-00</b>	<b>Panel para estudio de GIST</b> Incluye: - Ckit - PDGFRA	PCR-SEC	700	\$ 23.100	\$ 4.200	\$ 27.300
<b>66-010125-00</b>	PDGFR (exones 12,14,18)	Secuenciación de Sanger	1204	\$ 39.732	\$ 7.224	\$ 46.956
<b>66-010089-00</b>	PDGFR-Alfa (estudio de eosinofilias)	PCR-SEC	309	\$ 10.197	\$ 1.854	\$ 12.051
<b>66-010090-00</b>	PDGFR-Beta (estudio de leucemias mielomonocíticas crónicas)	PCR-SEC	309	\$ 10.197	\$ 1.854	\$ 12.051
<b>66-010091-00</b>	PTEN (Ca Escamoso)	PCR-SEC	1250	\$ 41.250	\$ 7.500	\$ 48.750
<b>66-010092-00</b>	Reordenamiento del gen P53 (17P13.1)	F.I.S.H	363	\$ 11.979	\$ 2.178	\$ 14.157

<b>66-010043-00</b>	Reordenamiento del gen RB1-13 (Q14)	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-010093-00</b>	RET (8,10,11,13 al 16)	PCR-SEC	727	\$ 23.991	\$ 4.362	\$ 28.353
<b>66-010094-00</b>	TP53 (secuenciación gen completo)	NGS	1204	\$ 39.732	\$ 7.224	\$ 46.956
<b>66-010126-00</b>	TP53 (exón 4,5,6,7,8)	PCR-SEC	568,2	\$ 18.751	\$ 3.409	\$ 22.160
<b>A CREAR</b>	Translocación PAX3 de Radomiosarcoma		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>A CREAR</b>	Translocación PAX7 de Radomiosarcoma		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>A CREAR</b>	Translocación EWS-FLI1 de Sarcoma de Ewing		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>A CREAR</b>	Translocación EWS-ERG de Sarcoma de Ewing		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

### ONCOLOGÍA

ESTUDIOS ONCO-HEMATOLOGÍA						
Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-010008-00	ALK t(2;5) (p23.q35)		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
66-010009-00	Amplificación/delección Isocromosoma 17q		410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
66-010010-00	BCR/ABL p230		192	\$ 6.336	\$ 1.152	\$ 7.488
66-010011-00	CAL-R mutación tipo I y tipo II	Secuenciación	300	\$ 9.900	\$ 1.800	\$ 11.700
66-004150-00	Cromosoma , alteraciones Filadelfia -LMC	PCR	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
66-010012-00	Cromosoma Filadelfia, Traslocación Fidadelfia -BCR/ABL menor p190 cuantitativo.	PCR-RT	360	\$ 11.880	\$ 2.160	\$ 14.040
66-009642-00	Cromosoma Filadelfia, Traslocación Fidadelfia -BCR/ABL p210, cuantitativo.		360	\$ 11.880	\$ 2.160	\$ 14.040
66-010013-00	Delección cromosoma 7q31.1		410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
66-010014-00	EGR1 (5q31,2)		190	\$ 6.270	\$ 1.140	\$ 7.410
66-010017-00	FLT-3 ITD	PCR	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
66-010018-00	FLT-3 M.835-836		220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
66-010019-00	inv(16)(p13q22) CBFβ/MYH11	PCR	190	\$ 6.270	\$ 1.140	\$ 7.410

<b>66-010020-00</b>	L-T315I	PCR	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>66-010098-00</b>	Myd88nL265P en médula ósea	PCR-SEC	404	\$ 13.332	\$ 2.424	\$ 15.756
<b>66-010021-00</b>	N.P.M	PCR	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>66-010022-00</b>	Oncogent(1;19) EZA-PBX1		219	\$ 7.227	\$ 1.314	\$ 8.541
<b>66-010015-00</b>	<b>Panel F.I.S.H. LLC:</b> - TP53 (17p13) - Mutación IGVH - Deleción 11q23	F.I.S.H	819	\$ 27.027	\$ 4.914	\$ 31.941
<b>66-010016-00</b>	<b>Panel F.I.S.H. para mieloma:</b> - RB1 (13q14) - TP53 (17p13) - CCND1/IGH [t(11;14)(q13;q32) - FGFR3-MMSET/IGH [t(4;14)(p16;q32) - IGH/MAF t(14;16) (q32q23) - IGH/MAFB t(14;20)(q32q11) - Amplificación de 1q y deleción 1p	F.I.S.H	1864	\$ 61.512	\$ 11.184	\$ 72.696
<b>66-008780-00</b>	Rearreglo de IGH/FGFR3	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-008783-00</b>	Rearreglo de IGH/MAF	F.I.S.H	410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-009637-00</b>	Reordenamiento PML/RAR t(15;17)	PCR-RT	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>66-010024-00</b>	Secuencia oncogen NMYC (2p23-24)		193	\$ 6.369	\$ 1.158	\$ 7.527
<b>66-009102-00</b>	Síndrome mieloproliferativos - Fenotipificación - Jack 2 (Janus quinasa 2) mutación V617F	PCR-SEC	300	\$ 9.900	\$ 1.800	\$ 11.700
<b>66-009103-00</b>	Síndrome mieloproliferativos - Fenotipificación- Jack 2 (Janus quinasa 2) -secuenciación exon 12.	PCR-SEC	300	\$ 9.900	\$ 1.800	\$ 11.700
<b>66-009104-00</b>	Síndrome mieloproliferativos - Fenotipificación- MPL cada mutación	PCR	300	\$ 9.900	\$ 1.800	\$ 11.700
<b>66-009637-01</b>	Translocación (9,22) rearreglo BCR/ABL LLA	PCR	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580

<b>66-009637-02</b>	Translocación (9,22) rearreglo BCR/ABL LMC	PCR	220	\$ 7.260	\$ 1.320	\$ 8.580
<b>66-009637-03</b>	Translocación 14;18 (BCL-2/jh mayor y minor)		138	\$ 4.554	\$ 828	\$ 5.382
<b>66-009637-04</b>	Translocación 14;18 (BCL-6)	F.I.S.H	363,6	\$ 11.999	\$ 2.182	\$ 14.180
<b>66-009637-05</b>	Translocación t(11q23) MLL	F.I.S.H	363,6	\$ 11.999	\$ 2.182	\$ 14.180
<b>66-009637-06</b>	Traslocación MLL/AF4, t(4,11)		186	\$ 6.138	\$ 1.116	\$ 7.254
<b>66-009637-07</b>	Traslocación t(8,21) - AML1/ETO		190	\$ 6.270	\$ 1.140	\$ 7.410
<b>66-009637-08</b>	Traslocación TEL/AML t(12;21)		186	\$ 6.138	\$ 1.116	\$ 7.254

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

### PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

CARDIOLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-002815-00	Apolipoproteína E, Genotipo (Alelos riesgo vascular)	PCR-SEC	176	\$ 5.808	\$ 1.056	\$ 6.864
66-010127-00	<b>Panel de Arritmias</b> ABCC9, ACTN2, ANK2, CACNA1C, CACNB2, CALM1, CALM3, CASQ2, CAV3, DES, DSC2, DSG2, DSP, EMD, HCN4, JUP, KCNE1, KCNH2, KCNJ2, KCNQ1, LMNA, NKX2-5, PKP2, PLN, PRKAG2, RBM20, RYR2, SCN5A, TGFB3, TMEM43, TNNI3, TNNT2, TRDN, AKAP9, ANKRD1, CACNA2D1, CTNNA3, GJA5, KCND3, KCNE3, KCNE5, KCNJ5, KCNJ8, KCNK3, LDB3, NPPA, PDLIM3, RANGRF, SCN10A, SCN1B, SCN3B, SCN4B, SLMAP, SNTA1, TGFB3, TRPM4.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010128-00	<b>Panel de Cardiomiopatías</b> ABCC9, ACTC1, ACTN2, AGL, ANKRD1, BAG3, CACNA1C, CALR3, CAV3, CHRM2, CRYAB, CSRP3, CTF1, CTNNA3, DES, DMD, DOLK, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, EMD, EYA4, FHL1, FHL2, FKRP, FKTN, FLNC, GAA, GATA4, GATA6, GATAD1, GLA, HCN4, ILK, JUP, JPH2, LAMA4, LAMP2, LDB3, LMNA, LRRC10, MED12, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYOM1, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NKX2-5, NPPA, PDLIM3, PKP2, PLEKHM2, PLN, PRDM16, PRKAG2, RAF1, RBM20, RYR2, SCN5A, SGCD, SLC22A5, TAZ, TCAP, TGFB3, TMEM43, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTN, TTR, TXNRD2, VCL.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

66-010129-00	<b>Panel Combinado de Cardiomiopatías/Enfermedad Muscular Esquelética</b> ABCC9, ACTA1, ACTC1, ACTN2, AGL, ANO5, ATP2A1, B3GALNT2, BAG3, BIN1, CACNA1C, CAPN3, CAV3, CCDC78, CFL2, CHKB, CNTN1, COL12A1, COL6A1, COL6A2, COL6A3, CPT2, CRYAB, CSRP3, DAG1, DES, DMD, DNM2, DOLK, DPM1, DPM2, DPM3, DSC2, DSG2, DSP, DYSF, EMD, EYA4, FHL1, FKBP14, FKRP, FKTN, FLNC, GAA, GLA, GMPPB, GNE, HCN4, ISPD, ITGA7, JUP, KBTBD13, KLHL40, KLHL41, LAMA2, LAMP2, LMNA , LMOD3, MEGF10, MTM1, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, MYOT, MYPN, NEB, PKP2 , PLEC, PLN , PNPLA2, POMGNT1, POMGNT2, POMK, POMT1, POMT2, PRKAG2 , RAF1, RBM20 , RYR1, RYR2 , SCN5A , SGCA, SGCB, SGCD, SGCG, SLC22A5, STAC3, STIM1, TAZ, TCAP, TIA1, TMEM43, TMEM5, TNNC1, TNNI3, TNNT1, TNNT2, TNPO3, TOR1AIP1, TPM1, TPM2, TPM3, TRAPPC11, TRIM32, TTN, TTR, VCL, VCP.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010130-00	<b>Panel para Aortopatías</b> ACTA2, CBS, COL3A1, COL5A1, COL5A2, EFEMP2, FBN1, FBN2, FLNA, MAT2A, MED12, MYH11, MYLK, NOTCH1, PLOD1, PRKG1, SKI, SLC2A10, SMAD3, SMAD4, SMAD6, TGFB2, TGFB3, TGFB1, TGFB2	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010131-00	<b>Panel de Hipercolesterolemia Familiar e Hiperlipidemia</b> ABCA1, ABCG5, ABCG8, ALMS1, APOA1, APOA5, APOB, APOC2, APOC3, APOE, CREB3L3, GPIHBP1, LDLR, LDLRAP1, LIPA, LMF1, LPL, PCSK9	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010132-00	<b>Panel de Hipertensión Pulmonar</b> ACVRL1, BMPR2, BMPR1B, CAV1, EIF2AK4, ENG, FOXF1, GDF2, KCNA5, KCNK3, SMAD9, TBX4	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010133-00	<b>Panel de Cardiopatía Congénita</b> A2ML1, ACTC1, ACVR2B, ALMS1, BCOR, BRAF, CBL, CHD7, CRELD1, ELN, FOXH1, GATA4, GATA6, GDF1, GJA1, GPC3, HAND1, HRAS, JAG1, KRAS, LEFTY2, MAP2K1, MAP2K2, MED13L, MEIS2, MYH6, NKX2-5 , NKX2-6, NODAL, NOTCH1, NR2F2, NRAS, NSD1, RAF1, RASA1, RIT1, RRAS, SHOC2, SMAD6, SOS1, SOS2, SPRED1, TBX1, TBX5, ZFPM2, ZIC3.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

### PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

ENDOCRINOLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-010134-00	<b>Panel de Neoplasias Endócrinas Múltiples</b> APC, ATM, BARD1, BLM, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK4, CDKN2A, CHEK2, EGFR, EPCAM, FANCC, MEN1, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MUTYH, NBN, NF1, NF2, PALB2, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, RAD51C, RAD51D, RB1, RECQL, RET, STK11, TP53, WT1.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010135-00	<b>Panel de Diabetes Monogénica</b> ABCC8, BLK, CEL, EIF2AK3, GCK, HNF1A, HNF1B, HNF4A, INS, KCNJ11, KLF11, NEUROD1, NEUROG3, PAX4, PDX1, PTF1A, RFX6, SH2B1, SLC19A2, SLC2A2, WFS1, ZFP57.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010136-00	<b>Panel de Baja Estatura</b> ACAN, ADAMTS10, ANKRD11, ATR, BRAF, CBL, CCDC8, CDC6, CDT1, CENPJ, CEP152, CEP63, CHD7, COL10A1, COL2A1, COL9A1, COMP, CREBBP, CUL7, FBN1, FGF8, FGFR1, FGFR3, GH1, GHR, GHRHR, GLI2, GLI3, GNAS, HESX1, HRAS, IGF1, IGF2, IGFALS, IHH, KRAS, LHX3, LHX4, MAP2K1, NPPC, NPR2, NRAS, OBSL1, ORC1, ORC4, ORC6, OTX2, PAPSS2, PCNT, PITX2, POU1F1, PRKAR1A, PROP1, PTH1R, RAF1, RBBP8, SHOC2, SOS1, SOX3, SOX9, SRCAP, STAT5B, XRCC4.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455



<b>66-010137-00</b>	<b>Panel de Obesidad Monogénica</b> ALMS1, ARL6, BBS1, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, BBS10, BBS12, CEP290, CRT1, CUL4B, DYRK1B, GNAS, LEP, LEPR, MAGEL2, MC3R, MC4R, MKKS, MKS1, NR0B2, NTRK2, PCSK1, PHF6, POMC, PPARG, SDCCAG8, SIM1, TRIM32, TTC8, UCP3, VPS13B, WDPCP.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
<b>66-010138-00</b>	<b>Panel de Síndrome de Kallmann</b> CHD7, DUSP6, FEZF1, FGF17, FGF8, FGFR1, FLRT3, FSHB, GNRH1, GNRHR, HESX1, HS6ST1, IL17RD, KISS1, KISS1R, NSMF, NR0B1, PROK2, PROKR2, SEMA3A, SPRY4, TAC3, TACR3, WDR11.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
<b>66-010139-00</b>	<b>Panel de Desarrollo Sexual/Genitales Ambiguos</b> AR, ATRX, CHD7, DHH, FGFR1, HESX1, MAP3K1, NR0B1, NR5A1, SRD5A2, SRY, WT1.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

GASTROENTEROLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-006445-00	Tipificación DQ2 DQ8 DQA05 (Enfermedad Celíaca)		160	\$ 5.280	\$ 960	\$ 6.240
66-010140-00	<b>Panel de Colestasis</b> ATP8B1, ABCB11, ABCB4, ABCC2, CFTR, CYP7B1, DGUOK, EPCAM, FAH, JAG1, LCT, MKS1, MYO5B, NEUROG3, NOTCH2, NPC1, NPC2, NPHP1, NPHP3, NPHP4, SERPINA1, SLC25A13, SLC26A3, SMPD1, SPINT2, TJP2, TMEM216, TRMU, TTC37, UGT1A1, VPS33B.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010141-00	<b>Panel de Diarrea Congénita</b> ATP8B1, ABCB11, ABCB4, ABCC2, CFTR, CYP7B1, DGUOK, EPCAM, FAH, JAG1, LCT, MKS1.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010142-00	<b>Panel de Fibrosis Hepática Congénita</b> AHI1, ARL6, ARL13B, BBS1, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, BBS10, BBS12, CC2D2A, CEP290, INVS, IQCB1, MKKS, MKS1, NPHP1, NPHP3, NPHP4, OFD1, PKD2, PKHD1, RPGRIP1L, TMEM57, TRIM32, TTC8, TTC21B, WDR35.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-10143-00	<b>Panel de Pancreatitis</b> CFTR, CPA1, CTRC, PRSS1, SPINK1.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010144-00	<b>Panel de Enfermedad Poliúística Hepática</b> LRP5, PKD2, PRKCSH, SEC63.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

<b>66-010145-00</b>	<b>Panel de Hirschsprung y Atresia Intestinal</b> CHD7, FANCB, FANCC, EDN3, EDNRB, GLI3, MID1, MITF, NRG1, PAX3, RET, SOX10, SOX2, TTC7A, ZEB2.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
---------------------	--	----------	------	-----------	-----------	-----------

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

### PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

#### INMUNOLOGÍA

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	A/c Osep	A/c Afil	Valor Total
66-010151-00	Estudio de secuenciación gen PLCG2 (asociado a Síndrome PLAID/APLAID).	PCR-SEC	250	\$ 8.250	\$ 1.500	\$ 9.750
66-010152-00	<b>Panel de Enfermedades Autoinflamatorias:</b> ACP5, ADAM17, ADAR1, ADGRE2, AGBL3, AP1S3, CARD14, CECR1, COPA, DDX58, DNASE2, HOIL1L, IFIH1, IL10RA, IL10RB, IL1RN, IL36RN, LPIN2, MEFV, MVK, NCSTN, NLRC4, NLRP1, NLRP12, NLRP3, NLRP7, NOD2, OTULIN, OSMR, PLCG2, POLA1, POMP, PSMA3, PSMB4, PSMB8 PSMB9, PSTPIP1, RBCK1, RIG1, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, RNF31, SAMHD1, SHARPIN, SH3BP2, SLC29A3, TMEM173, TNFAIP3, TNFRSF1A, TNFRSF11A, TREX1, USP18, WDR1.	NGS 300x	1909,1	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010153-00	<b>Panel de Deficiencia del Sistema de Complemento</b> ADIPOQ, ADIPOR1, ADIPOR2, ARMC4, C1QA, C1QB, C1QBP, C1QC, C1R, C1S, C2, C3, C3AR1, C4A, C4B, C4BPA, C4BPB, C5, C5AR1, C5AR2, C6, C7, C8A, C8B, C8G, C9, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCDC103, CCDC114, CCNO, CD16, CD55, CD59, CD93, CFB, CFD, CFH, CFI, CFP, CLU, COLEC11, CR1, CR2, CRP, DGKE, DNAAF1, DNAAF2, DNAAF3, DNAH5, DNAH11, DNAAI1, DNAAI2, DNAL1, DRC1, DYX1C1, FCN2, FCN3, HYDIN, LRRC6, MASP1, MASP2, MAT2A, NME8, OFD1, PIGA, PTX3, RPGR, RSPH1, RSPH4A, RSPH9, SERPING1, SPAG1, THBD, VSIG4, VTN.	NGS 300x	1909,1	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

<p><b>66-010154-00</b></p>	<p><b>Panel de Disregulación Inmune</b>  ACP5, ADA2, ADAR, AICDA, AIRE, AP3B1, BLOC1S6, BTK, CASP10, CASP8, CD27, CD40LG, CR2, CTLA4, CYBA, CYBB, DOCK8, FADD, FAS, FASLG, FOXP3, ICOS, IFIH1, IL10RA, IL10RB, IL21, IL21R, IL2RA, ITCH, LRBA, LYST, NCF2, NCF4, NFKBIA, ORAI1, PIK3CD, PIK3R1, PLCG2, PNP, PRF1, PRKCD, RAB27A, RAC2, RFX5, RFXANK, RFXAP, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, SAMHD1, SH2D1A, SLC7A7, STAT1, STAT3, STAT5B, STIM1, STX11, STXBP2, TBX1, TMEM173, TNFRSF13B, TNFRSF13C, TNFSF12, TPP2, TREX1, UNC13D, UNG, WAS, XIAP.</p>	<p>NGS 300x</p>	<p>1909,1</p>	<p>\$ 63.000</p>	<p>\$ 11.455</p>	<p>\$ 74.455</p>
<p><b>66-010155-00</b></p>	<p><b>Panel de Inmunodeficiencias Primarias:</b>  ACD, ACP5, ADA, ADA2, ADAM17, ADARAICDA, AIRE, AK2, AP3B1, ATM, B2M, BCL10, BLNK, BLOC1S6, BTK, CARD11, CARD14, CARD9, CASP10, CASP8, CD247, CD27, CD3E, CD3G, CD40LG, CD79A, CD79B, CD8A, CEBPE, CHD7, CIITA, CLPB, COPA, CORO1A, CR2, CSF3R, CTC1, CTLA4, CTPS1, CTSC, CXCR4, CYBA, CYBB, DCLRE1B, DCLRE1, CDKC1, DNMT3B, DOCK2, DOCK8, ELANE, EPG5, FADD, FAS, FASLG, FERMT3, FOXP3, FPR1, G6PC3, GATA2, GFI1, HAX1, ICOS, IFIH1, IFNGR1, IFNGR2, IGLL1, IKBKB, IL10RA, IL10RB, IL12B, IL12RB1, IL17F, IL17RA, IL17RC, IL1RN, IL21, IL21R, IL2RA, IL2RG, IL36RN, IL7R, IRAK4, IRF7, IRF8, ISG15, ITCH, ITGB2, ITK, JAGN1, JAK3, LAMTOR2, LCK, LIG4, LPIN2, LRBA, LYST, MAGT1, MALT1, MAP3K14MEFV, MOGS, MVK, MYD88, NBN, NCF2, NCF4, NFAT5, NFKB2, NFKBIA, NHEJ1, NHP2, NLRC4, NLRP12, NLRP3, NOD2, NOP10, ORAI1, PARN, PGM3, PIK3CD, PIK3R1, PLCG2, PMS2, PNP, POLE, PRF1, PRKCD, PSMB8, PST, PIP1, PTPRC, RAB27A, RAC2, RAG1, RAG2, RBCK1, RFX5, RFXANK, RFXAP, RHOH, RMRP, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, ROR IKBKE IKZF1 IL2 IL21R IL6ST IL7R ING4 IRF4 IRS2 ITGA10 ITGA9 ITGB2 ITGB3 JAK1 JAK2 JAK3 JUN KAT6A KAT6B KDM5C KDM6A KDR KEAP1 KIT KLF6 KRAS LAMP1 LCK LIFR LPHN3 POT1 LPP LRP1B LTF LTK MAF MAFB MAGEA1 MAGI1 MALT1 MAML2 MAP2K1 MAP2K2 MAP2K4 MAP3K7 MAPK1 MAPK8 MARK1 MARK4 MBD1 MCL1 MDM2 MDM4 MEN1 MET MITF MLH1 MLL MLL2 MLL3 MLLT10 MMP2 MN1 MPL MRE11A MSH2 MSH6 MTOR MTR MTRR MUC1 MUTYH MYB MYC MYCL1 MYCN MYD88 MYH11 M</p>	<p>NGS 300x</p>	<p>1909,1</p>	<p>\$ 63.000</p>	<p>\$ 11.455</p>	<p>\$ 74.455</p>

66-010156-00	<p><b>Panel de Inmunodeficiencias y Enfermedades Inmunes</b></p> <p>A2ML1, ABCD4, ACD, ACP5, ADA, ADAM17, ADNP, AGA, AICDA, AIRE, AK2, ALG1, ALG12, AP3B1, ARMC4, ARPC1B, ATM, B2M, BCL10, BCL11B, BLM, BLNK, BRCA1, BRCA2, BRIP1, BTK, BUB1B, C11ORF70, C1QA, C1QB, C1QC, C1R, C1S, C2, C21ORF59, C3, C5, C6, C7, C8A, C8B, C8ORF37, CARD11, CARD9, CASP10, CASP8, CCBE1, CCDC103, CCDC114, CCDC151, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCNO, CD19, CD247, CD27, CD3E, CD3G, CD40LG, CD55, CD59, CD79A, CD79B, CD81, CD8A, CDCA7, CDSN, CEBPE, CECR1, CFB, CFD, CFH, CFI, CFP, CHAMP1, CHD1, CHD7, CIITA, CLEC7A, CLPB, COG6, COG7, CORO1A, CPN1, CR2, CREBBP, CRIPT, CSF3R, CTC1, CTLA4, CTPS1, CXCR4, CYBA, CYBB, DCLRE1C, DEAF1, DKC1, DNAAF1, DNAAF2, DNAAF3, DNAH1, DNAH11, DNAH5, DNAI1, DNAI2, DNAJC21, DNAL1, DNASE1L3, DNMT3B, DOCK2, DOCK8, DRC1, DSG1, DDX1, DDX1C1, EGFR, ELANE, EPG5, ERCC2, ERCC4, ERCC6L2, ETV6, EXTL3, F12, FADD, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, FAS, FASLG, FAT4, FBXL4, FCGR2C, FCGR3A, FCN3, FERMT3, FMO3, FOXN1, FOXP3, G6PC3, GALNS, GAS8, GATA1, GATA2, GFII, GSS, HAX1, HELLS, HGSNAT, HYDIN, ICOS, IFIH1, IFNGR1, IFNGR2, IGHM, IGKC, IGLL1, IKBKAP, IKBKB, IKZF1, IL10RA, IL10RB, IL12B, IL12RB1, IL17F, IL17RA, IL17RC, IL1RN, IL21, IL21R, IL2RA, IL2RG, IL36RN, IL7R, IRAK4, IRF2BP2, IRF7, IRF8, ISG15, ITCH, ITGB2, ITK, IVD, JAGN1, JAK3, KMT2D, KRAS, LAMTOR2, LAT, LCK, LEP, LIG4, LPIN2, LRBA, LRRC6, LRRC8A, LYST, MAD2L2, MAGT1, MALT1, MAN2B1, MANBA, MC2R, MCM4, MEFV, MGP, MMAA, MMAB, MMACHC, MOGS, MPL, MPO, MS4A1, MTHFD1, MUT, MVK, MYD88, NBN, NCF1, NCF2, NCF4, NFASC, NFE2L2, NFKB1, NFKB2, NFKBIA, NGF, NHEJ1, NHP2, NLR4, NLRP12, NLRP3, NME8, NOD2, NOP10, NRAS, ORAI1, OXCT1, PALB2, PARN, PCCA, PCCB, PEPD, PGM3, PIH1D3, PIK3CD, PIK3R1, PLCG2, PMM2, PNP, POLE, PPP1R21, PRF1, PRKCD, PSTPIP1, PTPRC, PTRF, RAB27A, RAC2, RAD50, RAD51, RAD51C, RAG1, RAG2, RASGRP1, RBCK1, RBM8A, RELB, RFWD3, RFX5, RFXANK, RFXAP, RNF113A, RNF31, RORC, RPL11, RPL15, RPL18, RPS10, RPS17, RPS19, RPS24, RPS26, RSPH1, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, RTEL1, SAMD9, SAMD9L, SAMHD1, SBDS, SCNN1B, SCNN1G, SDCCAG8, SEMA3E, SERAC1, SERPING1, SGPL1, SH2D1A, SKIV2L, SLC35A1, SLC35A2, SLC35C1, SLC37A4, SLC39A4, SLC39A8, SLC46A1, SLK, SLX4, SMARCAL1, SMARCD2, SNAI2, SP110, SPAG1, SPATA5, SPINK5, SRP72, STAT1, STAT2, STAT3, STAT5B, STIM1, STK4, STX11, STXBP2, TALDO1, TAP1, TAP2, TAPBP, TAZ, TBCE, TBX1, TBXAS1, TCN2, TERC, TERT, TGFB3, TINF2, TMEM173, TNFAIP3, TNFRSF13B, TNFRSF13C, TNFRSF1A, TRAC, TRAF3IP2, TRNT1, TRPS1, TSR2, TTC25, TTC37, TTC7A, TYK2, UBE2T, UMPS, UNC119, UNC13D, UNG, USB1, VIPAS39, VPS13B, VPS33B, VPS45, WAS, WIPF1, WRAP53, XIAP, XRCC2, ZAP70, ZBTB24, ZMYND10</p>	NGS 300x	1995,5	\$ 65.852	\$ 11.973	\$ 77.825
--------------	---	----------	--------	-----------	-----------	-----------

<b>66-010157-00</b>	<b>Panel de Enfermdad Inflamatoria Intestinal</b> ABCB1, ABCB1, ADA, ADAM17, AICDA, AIRE, AMACR,	NGS 300x	1959	\$ 64.647	\$ 11.754	\$ 76.401
---------------------	--	----------	------	-----------	-----------	-----------

**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA****HEMATOLOGÍA****ESTUDIOS DE TROMBOFILIA**

Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-002803-00	Anti-trombina III funcional		25	\$ 825	\$ 150	\$ 975
66-005102-00	Factor V Leiden	PCR-SEC	75	\$ 2.475	\$ 450	\$ 2.925
66-006452-00	Homocisteína		30	\$ 990	\$ 180	\$ 1.170
66-007460-00	Metilentetrahidrofolatoredutasa (MTHFR)	PCR	75	\$ 2.475	\$ 450	\$ 2.925
66-008387-00	Plasminógeno, inhibidor del activador tisular del (PAI - AIP) (Molecular) : PAI 4G/5G	PCR	141	\$ 4.653	\$ 846	\$ 5.499
66-008614-00	Resistencia a la Proteina C funcional		45	\$ 1.485	\$ 270	\$ 1.755
66-010146-00	<b>Panel de Trombofilias</b> F2, F5, F9, PROC, PROS1, SERPINC1	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-008640-00	Proteina S total		45	\$ 1.485	\$ 270	\$ 1.755
66-008691-00	Protombina 20210A	PCR-SEC	75	\$ 2.475	\$ 450	\$ 2.925



**ESTUDIOS DE OTRAS PATOLÓGICAS HEMATOLÓGICAS**

<b>Código de Practica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>67-010191-00</b>	Anemia Falciforme		150	\$ 4.950	\$ 900	\$ 5.850
<b>66-010005-00</b>	ADAMTS13 exoma	PCR-SEC	1909	\$ 62.997	\$ 11.454	\$ 74.451
<b>66-010006-00</b>	ADAMTS13 actividad	FRET	372	\$ 12.276	\$ 2.232	\$ 14.508
<b>66-010007-00</b>	Alfa-Talasemia	PCR-GAP	263	\$ 8.679	\$ 1.578	\$ 10.257
<b>66-009281-00</b>	Beta-Talasemia	PCR-SEC	354	\$ 11.682	\$ 2.124	\$ 13.806
<b>67-010192-00</b>	Déficit de Glucosa 6 fosfato deshidrogenada mutaciones A373, A202 y mediterranea.		200	\$ 6.600	\$ 1.200	\$ 7.800
<b>66-005785-00</b>	Hemocromatosis, Gen HH - (hemocromatosis hereditaria - HFE-Cromosoma 6)	PCR	80	\$ 2.640	\$ 480	\$ 3.120
<b>66-005787-00</b>	Hemocromatosis, mutación Gen C282Y	PCR-RT	80	\$ 2.640	\$ 480	\$ 3.120
<b>66-010036-00</b>	Hemocromatosis, mutación Gen C282Y +H63D	PCR	117	\$ 3.861	\$ 702	\$ 4.563
<b>66-005789-00</b>	Hemocromatosis, mutación Gen H63D	PCR-RT	45	\$ 1.485	\$ 270	\$ 1.755
<b>66-005791-00</b>	Hemocromatosis, mutación Gen S65C	PCR-RT	80	\$ 2.640	\$ 480	\$ 3.120
<b>66-010147-00</b>	<b>Panel de Síndromes de Falla de Médula Ósea</b> BRCA2, BRIP1, CTC1, DKC1, ELANE, ERCC4, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, GATA1, GATA2, MPL, NHP2, NOP10, PALB2, RAD51C, RPL11, RPS10, RPS19, RPS24, RPS26, RUNX1, SLX4, TERC, TERT, TINF2, WAS, XRCC2.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

<b>66-010148-00</b>	<b>Panel de Hemocromatosis</b> HFE, HFE2, HAMP, SLC40A1, TFR2	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
<b>66-010149-00</b>	<b>Panel de Anemias Hereditarias</b> ABCB7, ADAMTS13, ALAS2, AMN, ANK1, ATM, ATR, ATRX, BLM, BRCA2, BRIP1, C15ORF41, CDAN1, CUBN, EPB42, ERCC4, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, G6PD, GATA1, GPI, GSS, HBA1, HBA2, HBB, HFE, KLF1, LPIN2, MTR, NBN, PALB2, PC, PDHA1, PDHX, PKLR, PUS1, RAD51C, RPL11, RPL15, RPS10, RPS17, RPS19, RPS24, RPS26, SBDS, SEC23B, SLC4A1, SLC10A2, SLX4, SPTA1, SPTB, THBD, TMPRSS6, XRCC2, YARS2	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
<b>66-010150-00</b>	<b>Panel de Coagulopatías Hemorrágicas</b> F8, F9, FGA, GGCX, GP6, ITGA2B, ITGB3, MPL, P2RY12, VWF	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

### PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

#### DESÓRDENES METABÓLICOS

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	A/c OSEP	A/c Afil.	Valor Total
<b>66-010034-00</b>	<b>Enfermedad mitocondrial (MLPA P125)</b> - Cantidad de sondas: 37 - Región genómica: ADN mitocondrial	MLPA	581	\$ 19.173	\$ 3.486	\$ 22.659
<b>66-000402-00</b>	Galactosemias	PCR-SEC	400	\$ 13.200	\$ 2.400	\$ 15.600
<b>66-010158-00</b>	<b>Panel Completo de Metabolismo</b> ABCD1, ABCD4, ACAD8, ACADM, ACADS, ACADSB, ACADVL, ACAT1, ACSF3, AHCY, ALDH4A1, ARG1, ASL, AUH, BCKDHA, BCKDHB, BTB, CBS, CD320, CFTR, CPS1, CPT1A, CPT2, DBT, DECR1, DNAJC19, ETFA, ETFB, ETFDH, ETHE1, FAH, FTCD, G6PD, GAA, GALE, GALK1, GALT, GCDH, GCH1, GLA, GNMT, GSS, HADH, HADHA, HADHB, HCFC1, HLCS, HMGCL, HPD, HSD17B10, IDUA, IVD, LMBRD1, MAT1A, MCCC1, MCCC2, MCEE, MLYCD, MMAA, MMAB, MMACHC, MMADHC, MTR, MTRR, MUT, NADK2, NAGS, OAT, OPA3, OTC, PCBD1, PCCA, PCCB, PPM1K, PRODH, PTS, QDPR, SERAC1, SLC22A5, SLC25A13, SLC25A15, SLC25A20, SMPD1, SPR, SUCLA2, SUCLG1, TAT, TAZ, TMEM70.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

66-010159-00	<b>Panel de Enfermedades Lisosomales, peroximales y mucopolisacaridosis</b> ABCD1, ACOX1, PEX7, PHYH, AGPS, GNPAT, ACOX1, AMACR, HSD17B4, PEX1, PEX10, PEX12, PEX13, PEX14, PEX16, PEX19, PEX2, PEX26, PEX3, PEX5, PEX6, HSD17B4, ABCC8, ACY1, ADAMTSL2, ADSL, AGA, ALDH5A1, ALDH7A1, AMT, ANTXR2, ARG1, ARSA, ARSB, ASAH1, ASPA, ATP13A2, BTB, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, COL2A1, COL11A2, CTNS, CTSA, CTSC, CTSD, CTSK, DHCR7, DPYD, DYM, ETFA, ETFB, ETFDH, FH, FOLR1, FUCA1, GAA, GALC, GALNS, GAMT, GBA, GCDH, GLA, GLB1, GNE, GNPTAB, GNPTG, GNS, GPC3, GUSB, HEXA, HEXB, HGSNAT, HPD, HRAS, HYAL1, IDS, IDUA, L2HGDH, LAMA2, LDB3, LIPA, MAN1B1, MANBA, MCOLN1, MFSD8, MOCS1, MOCS2, MYOT, NAGLU, NEU1, NPC1, NPC2, PGK1, PHYH, PPT1, PRODH, PSAP, QDPR, RAI1, SGSH, SLC17A5, SLC25A15, SLC46A1, SMPD1, SUMF1, SUOX, TCF4, TPP1.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010160-00	<b>Panel de Enfermedades de Oxidación de Ácidos Grasos</b> ACADM, ACADS, ACADSB, ACADVL, ACAT1, CPT1A, CPT2, ETFA, ETFB, ETFDH, DECR1, HADH, HADHA, HADHB, HMGCL, HMGCS2, MLYCD, NADK2, OXCT1, SLC22A5, SLC25A20, SLC52A1, SLC52A2, SLC52A3.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010161-00	<b>Panel de Hiperamonemia y Trastornos del ciclo de la Urea</b> ALDH18A1, ARG1, ASL, CA5A, CPS1, GLUD1, NAGS, OAT, OTC, SLC25A13, SLC25A15, SLC7A7, UMPS.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

### PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

NEFROLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	A/c OSEP	A/c Afil.	Valor Total
66-008490-00	Poliquistosis Renal	PCR	90	\$ 2.970	\$ 540	\$ 3.510
66-010162-00	<b>Panel de Enfermedades Poliquistica Renal</b> DZIP1L, GANAB, PKD2, PKHD1, NOTCH2	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010163-00	<b>Panel de Síndrome Urémico Hemolítico</b> ADAMTS13, C3, CFB, CFH, CFI, CFHR5, DGKE, THBD	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010164-00	<b>Panel de Disfunción Renal</b> AQP2, ATP6V0A4, ATP6V1B1, AVPR2, BSND, CLCNKB, CLDN16, CLDN19, CNNM2, CTNS, GLA, KCNJ1, SCNN1B, SCNN1G, SLC12A1, SLC12A3, SLC4A4, TRPM6.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
66-010165-00	<b>Panel de Síndrome Nefrótico</b> ACTN4, APOL1, CD2AP, COL4A3, COL4A4, COL4A5, COQ2, COQ6, FN1, IFIH1, INF2, ITGA3, LAMB2, LMX1B, MYH9, MYO1E, NPHS1, NPHS2, PAX2, PDSS2, PLCE1, PMM2, PTPRO, SCARB2, SLC17A5, SMARCAL1, TRPC6, WT1.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

66-010166-00	<b>Panel de Anomalías Congénitas del Riñon y el Tracto Urinario</b> ACE, ACTG2, ACTA2, AGT, AGTR1, CHD7, DSTYK, EYA1, FOXC1, FRAS1, FREM1, FREM2, GATA3, GLI3, GREB1L, GRIP1, HAAO, HNF1B, HPSE2, ITGA8, LRIG2, NPHP3, PAX2, PBX1, REN, RPGRIP1L, RRM2B, SALL1, SIX5, TBX18, TRAP1, VPS33B, ACTA2, BICC1, BMP4, BSND, CHD1L, CHRM3, COX10, DACT1, DLG3, FGF20, GDNF, GREM1, HCN3, KIT, MUC1, MYH11, NEK8, OCRL, RET, ROBO2, SHH, SIX1, SLIT2, SMARCA4, SOX17, SPRY1, TNXB, TSHZ3, UMOD, UPK2, VIPAS39.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010166-00	<b>Panel de Ciliopatías</b> AHI1, ANKS6, ARL13B, ARL6, ARMC4, B9D1, B9D, BBS1, BBS10, BBS12, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, C21ORF59, C5ORF42, CC2D2A, CCDC103, CCDC114, CCDC151, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCNO, CEP104, CEP120, CEP164, CEP290, CEP41, CSPP1, DCDC2, DNAAF1, DNAAF2, DNAAF3, DNAH1, DNAH11, DNAH5, DNAH8, DNAI1, DNAI2, DNAL1, DRC1, DYNC2H1, DYX1C1, EVC, EVC2, GAS8, GLIS2, IFT122, IFT140, IFT172, IFT80, INPP5E, INVS, IQCB1, KIAA0586, KIF7, LRRC6, MCIDAS, MKKS, MKS1, NEK1, NEK8, NME8, NPHP1, NPHP3, NPHP4, OFD1, PKD2, PKHD1, RPGR, RPGRIP1L, RSPH1, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, SDCCAG8, TCTN1, TCTN2, TCTN3, TMEM138, TMEM216, TMEM231, TMEM237, TMEM67, TRIM32, TTC21B, TTC8, WDPCP, WDR19, WDR34, WDR35, WDR60, SPAG1, ZMYND10, ZNF423.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

### PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

#### NEUMONOLOGÍA

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	A/c OSEP	A/c Afil.	Valor Total
66-005265-00	Fibrosis Quística, DF508	PCR-SEC	100	\$ 3.300	\$ 600	\$ 3.900
66-005247-00	Fibrosis Quística, 19 mutaciones	PCR	310	\$ 10.230	\$ 1.860	\$ 12.090
66-005255-00	Fibrosis Quística, 29 mutaciones	PCR	450	\$ 14.850	\$ 2.700	\$ 17.550
66-005258-00	Fibrosis Quística, 32 mutaciones	PCR	465	\$ 15.345	\$ 2.790	\$ 18.135
66-010168-00	Fibrosis Quística, 70 mutaciones	PCR-SEC	465	\$ 15.345	\$ 2.790	\$ 18.135

<p><b>66-010169-00</b></p>	<p><b>Panel Completo de Neumología</b>          ABCA3, CCDC39, CCDC40, CFTR, CHAT, CHRNA1, CHRNB1, CHRNE, COLQ, CSF2RB, DKC1, DNAAF1, DNAAF2, DNAH1, DNAH5, DNAH11, DNAI1, DNAI2, DNAL1, EDN3, EFEMP2, ELMOD2, ELN, FBLN5, FLCN, WDPCP, GAS8, GLRA1, HPS1, HPS4, ITGA3, LTBP4, MECP2, NAF1, NF1, NKX2-1, NME8, PARN, PHOX2B, PIH1D3, RAPSN, RET, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, RTEL1, SCN4A, SCNN1A, SCNN1B, SERPINA1, SFTPA1, SFTPA2, SFTPC, SLC6A5, SLC7A7, SLC34A2, STAT3, TERC, TERT, TINF2, TSC1, TSC2, ZEB2.</p>	<p>NGS 300x</p>	<p>1864</p>	<p>\$ 61.499</p>	<p>\$ 11.182</p>	<p>\$ 72.680</p>
----------------------------	--	-----------------	-------------	------------------	------------------	------------------



**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA****PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS**

<b>NEUROLOGÍA</b>						
<b>Código de Práctica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>66-010029-00</b>	Charcot-Marie-Thoot tipo 1A (CMT1A)		410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-003974-00</b>	Corea de Huntington	PCR	500	\$ 16.500	\$ 3.000	\$ 19.500
<b>66-010038-00</b>	Neurofibromatosis tipo I (Detección mutaciones puntuales en exones por secuenciación) - Región genómica: exón con alteración detectada por MLPA	MLPA	513	\$ 16.929	\$ 3.078	\$ 20.007
<b>66-010039-00</b>	Neurofibromatosis tipo I (MLPA P081 y P082) - Cantidad de sondas: 79 - Región genómica: 58 exones del gen NF1	MLPA	904	\$ 29.832	\$ 5.424	\$ 35.256

66-010170-00	<p><b>Panel de Epilepsia</b>  ADSL, ALDH5A1, ALDH7A1, ALG13, AMT, ARHGEF9, ARX, ATP13A2, ATP1A2, ATP1A3, ATP6AP2, ATRX, BRAF, BRAT1, C12ORF57, CACNA1A, CASK, CDKL5, CES1, CHD2, CHRNA4, CHRNA7, CHRNB2, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CNTNAP2, CSTB, CTSD, DEPDC5, DNM1, DYRK1A, EEF1A2, EFHC1, EHMT1, EPM2A, FOLR1, FOXG1, FRRS1L, GABRA1, GABRB2, GABRB3, GABRG2, GAMT, GBA, GATM, GLRA1, GLDC, GNAO1, GOSR2, GRIN1, GRIN2A, GRIN2B, GRN, HCN1, HNRNPU, IER3IP1, IQSEC2, ITPA, KANSL1, KCNA2, KCNB1, KCNC1, KCNH2, KCNJ10, KCNQ2, KCNQ3, KCNT1, KCTD7, LGI1, LIAS, MAGI2, MBD5, MECP2, MEF2C, MFSD8, MOCS1, MOCS2, NEXMIF, NGLY1, NHLRC1, NR2F1, NRXN1, PACS1, PCDH19, PIGA, PIGN, PIGO, PIGV, PLCB1, PNKD, PNKP, PNPO, POLG, PPT1, PRICKLE1, PRRT2, PURA, QARS, RBFOX1, ROGDI, SATB2, SCARB2, SCN1A, SCN1B, SCN2A, SCN3A, SCN8A, SCN9A, SERPINI1, SGCE, SLC13A5, SLC19A3, SLC25A22, SLC2A1, SLC35A2, SLC6A1, SLC6A8, SLC9A6, SMC1A, SMS, SNX27, SPATA5, SPTAN1, STX1B, STXBP1, SUOX, SYN1, SYNGAP1, SYNJ1, SZT2, TBC1D24, TCF4, TPP1(CLN2), TSC1, TSC2, UBE3A, WDR45, WWOX, ZD3, G6PC3, G</p>	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010040-00	<p><b>Panel de Ataxias 1</b>  sca1, sca2, sca3, sca6, sca7</p>	PCR-TP	1727	\$ 56.991	\$ 10.362	\$ 67.353
66-010171-00	<p><b>Panel de Ataxia 2</b>  Este panel no aplica para cuadros de expansiones (sca1, sca2, sca3, sca6, sca7 y otras):  ABHD12, ACO2, ADCK3, AFG3L2, ANO10, APOB, APTX, ATCAY, ATM, ATP8A2, BEAN1, C10ORF2, CACNA1A, CACNA1G, CACNB4, CCDC88C, CLCN2, CLN5, COQ2, CYP27A1, DNMT1, ELOVL4, FGF14, FLVCR1, FXN, GOSR2, GRM1, ITPR1, KCNA1, KCNC3, KCND3, KCNJ10, LAMA1, MRE11A, MTPP, PDSS1, PDSS2, PDYN, PEX7, PHYH, PMPCA, PNKP, PNPLA6, POLG, PRKCG, PTF1A, SACS, SCN2A, SETX, SIL1, SLC1A3, SPTBN2, SYNE1, SYT14, TDP1, TGM6, TPP1, TTBK2, TTPA, TXN2, VLDLR, WFS1, WWOX.</p>	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

a crear	<b>Panel de Distroias Musculares, Miopatías y Miastenia</b> ACTA1, AGRN, ANO5, B4GAT1, BAG3, BIN1, CAPN3, CAV3, CFL2, CHAT, CHKB, CHRNA1, CHRN1, CHRN2, CHRN3, CHRN4, CHRN5, CHRN6, CHRN7, COL6A1, COL6A2, COL6A3, COLQ, CRYAB, DAG1, DES, DMD, DNM2, DOK7, DPAGT1, DPM1, DPM3, DYSF, EMD, FHL1, FKRP, FKTN, FLNC, GAA, GFPT1, GNE, IGHMBP2, ISPD, ITGA7, KBTBD13, LAMA2, LDB3, LMNA, MTM1, MUSK, MYH7, MYL2, MYOT, NEB, PLEC, PNPLA2, POMGNT1, POMT1, POMT2, RAPSN, RYR1, SEPNI, SGCA, SGCB, SGCD, SGCG, TCAP, TNNT1, TPM3, TRIM32, TTN, VCP, ALS2, APP, CHCHD10, DCTN1, FUS, GRN, MAPT, OPTN, PFN1, PRNP, PSEN1, PSEN2, SETX, SNCA, SOD1, SPG11, TARDBP, TBK1, TFG, UBQLN2, VAPB, VCP.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
a crear	<b>Panel de Demencias y Parkinson</b> ABCD1, APP, ARSA, ATP13A2, ATP1A3, ATP7B, CHMP2B, CSF1R, CYP27A1, DCTN1, DNAJC6, EIF4G1, FBXO7, FUS, GALC, GBA, GCH1, GFAP, GLA, GRN, HEXA, HTRA2, ITM2B, LRRK2, MAPT, NOTCH3, NPC1, NPC2, PANK2, PARK2, PARK7, PINK1, PLA2G6, PNKD, POLG, PPT1, PRKRA, PRNP, PRRT2, PSAP, PSEN1, PSEN2, SGCE, SLC2A1, SLC6A3, SNCA, SPG11, SPR, SQSTM1, TARDBP, TH, THAP1, TOR1A, TREM2, TTR, TYROBP, UBQLN2, UCHL1, VCP, VPS35.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
a crear	<b>Panel de Distomías</b> ADCY5, ANO3, ARSA, ATM, ATP1A3, ATP7B, CACNA1B, COL6A3, CP, GCDH, GCH1, GNAL, KCNMA1, KCTD17, MRE11A, PANK2, PARK2, PCNA, PLA2G6, PNKD, PRKRA, PRRT2, RELN, SGCE, SLC2A1, SLC6A3, SPR, TAF1, TH, THAP1, TIMM8A, TOR1A, TUBB4A, WDR45.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680
a crear	<b>Panel de Trastorno del Espectro Autista</b> ADNP, ADSL, ARX, ATRX, BCL11A, CACNA1C, CC2D1A, CDKL5, CHD7, CNOT3, CNTN6, CTNND2, DHCR7, EN2, FMR1, FOXP1, GAMT, HDAC8, MECP2, MED12, NIPBL, NLGN3, NLGN4X, NSD1, PKNP, POGZ, PTCHD1, PTEN, RAD21, RAI1, RPL10, SHANK3, SLC2A1, SLC9A6, SMC1A, SMC3, TSC1M, TSC2, TCF4, TCF20, TRIP12, UBE3A, ZEB2.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

**ENFERMEDADES NEURO-MUSCULARES**

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
<b>66-010028-00</b>	Atrofia medular espinal (MLPA P060) - Cantidad de sondas: 37 - Región genómica: genes SMN1 y SMN2	MLPA	581	\$ 19.173	\$ 3.486	\$ 22.659
<b>66-010030-00</b>	Distrofia Fascio-escapulo-Humeral		410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990
<b>66-010031-00</b>	Distrofia Muscular de Duchene/Becker (Detección mutaciones puntuales en exones por secuenciación) - Región genómica: exón con alteración detectada por MLPA	MLPA	513	\$ 16.929	\$ 3.078	\$ 20.007
<b>66-010032-00</b>	Distrofia Muscular de Duchene/Becker (MLPA P034-035): - Cantidad de sondas: 80 - Región genómica: 79 exones gen DYS:79 sondas, exón 1DP427c gen DYS: 1 sonda	MLPA	904	\$ 29.832	\$ 5.424	\$ 35.256
<b>66-010033-00</b>	Distrofia Muscular Oro-Faringea		410	\$ 13.530	\$ 2.460	\$ 15.990

### NEURODEGENERACIÓN

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
<b>66-010172-00</b>	Genotipificación de los polimorfismos en APOE	PCR	136,3	\$ 4.498	\$ 818	\$ 5.316
<b>66-010173-00</b>	Rastreo de mutaciones puntuales en los genes APP, PSEN1 y PSEN2 en enfermedad de Alzheimer hereditaria	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
<b>66-010174-00</b>	Determinación de la expansión G4C2 en el gen C90RF72 en demencia frontotemporal y esclerosis lateral amiotrófica	NGS 300x	841	\$ 27.753	\$ 5.046	\$ 32.799
<b>66-010175-00</b>	Rastreo de mutaciones puntuales en genes PARK2, LRRK2, PINK1, DJ-1 en parkinsonismo	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455

## BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

### PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

OFTALMOLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-10176-00	<b>Panel de Cataratas Congénitas</b> ABCB6, ADAMTSL4, AGK, ALDH18A1, BCOR, BFSP1, BFSP2, CHMP4B, COL2A1, COL4A1, COL11A1, COL18A1, CRYAA, CRYAB, CRYBA1, CRYBA4, CRYBB1, CRYBB2, CRYBB3, CRYGB, CRYGC, CRYGD, CRYGS, EPHA2, ERCC2, ERCC5, ERCC6, ERCC8, EYA1, FAM126A, FOXE3, FTL, FAM126A, FOXC1, FYCO1, FZD4, GALK1, GALT, GCNT2, GJA3, GJA8, HSF4, LIM2, MAF, MIP, MYH9, NDP, NF2, NHS, OCRL, OPA3, PAX6, PITX2, PITX3, RAB3GAP1, RECQL4, SIL1, SLC33A1, TDRD7, TFAP2A, TMEM70, VIM, VSX2, WFS1, WRN.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010177-00	<b>Panel de Glaucoma</b> CNTNAP2, COL4A1, CYP1B1, FOXC1, FOXE3, LMX1B, LTBP2, MAF, MYOC, OPA1, OPA3, OPTN, PAX6, PITX2, TBK1, TMEM126A, WDR36.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

66-010178-00	<b>Panel de Retinopatias</b> ABCA4, ABCC6, ABCD1, ABHD12, ACO2, ADAM9, AHI1, AIPL1, ALMS1, AMACR, ARL13B, ARL6, ATF6, B9D1, B9D2, BBS1, BBS10, BBS12, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, BEST1, C12ORF65, C1QTNF5, C2ORF71, C5ORF42, C8ORF37, CA4, CABP4, CACNA1F, CACNA2D4, CASK, CC2D2A, CDH23, CDH3, CDHR1, CEP290, CEP41, CERKL, CFH, CHM, CIB2, CISD2, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CLRN1, CNGA1, CNGB1, CNGB3, CNNM4, CRB1, CRX, CTSD, CYP4V2, DHDDS, EFEMP1, ELOVL4, EYS, FAM161A, FLVCR1, FRMD7, FSCN2, FZD4, GDF6, GJB2, GJB6, GNAT1, GNAT2, GNPTG, GPR143, GRK1, GRM6, GRN, GUCA1A, GUCA1B, GUCY2D, GUCY2D, HARS, HGSNAT, HMCN1, HMX1, IDH3B, IFT140, IMPG2, IQCB1, ITM2B, KCNJ13, KCNV2, KCTD7, KIF7, KLHL7, LAMA1, LCA5, LRAT, LRP5, LZTFL1, MAK, MERTK, MFN2, MFRP, MFSD8, MKKS, MKS1, MMACHC, MVK, MYO7A, NDP, NEUROD1, NPHP1, NPHP3, NPHP4, NR2F1, NRL, NYX, NYX, OAT, OFD1, OPA1, OPA3, OPN1LW, OTX2, PAX6, PCDH15, PDE6A, PDE6B, PDE6C, PDE6G, PDE6H, PDZD7, PEX1, PEX10, PEX12, PEX13, PEX14, PEX16, PEX19, PEX2, PEX26, PEX3, PEX5, PEX6, PEX7, PHYH, PITPNM3, IKBKE IKZF1 IL2 IL21R IL6ST IL7R ING4 IRF4 IRS2 ITGA10 ITGA9 ITGB2 ITGB3 JAK1 JAK2 JAK3 JUN KAT6A KAT6B KDM5C KDM6A KDR KEAP1 KIT KLF6 KRAS LAMP1 LCK LIFR LPHN3 POT1 LPP LRP1B LTF LTK MAF MAFB MAGEA1 MAGI1 MALT1 MAML2 MAP2K1 MAP2K2 MAP2K4 MAP3K7 MAPK1 MAPK8 MARK1 MARK4 MBD1 MCL1 MDM2 MDM4 MEN1 MET MITF MLH1 MLL MLL2 MLL3 MLLT10 MMP2 MN1 MPL MRE11A MSH2 MSH6 MTOR MTR MTRR MUC1 MUTYH MYB MYC MYCL1 MYCN MYD88 MYH11 MYH9 NBN	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
--------------	---	----------	------	-----------	-----------	-----------

# BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

## PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

OTORRINOLARINGOLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-005955-00	Conexina 26	PCR-SEC	115	\$ 3.795	\$ 690	\$ 4.485
66-003953-00	Conexina 26-Mutaciones 35delG (GJB2) o Cx26-PCR para sordera hereditaria no sindrómica	PCR	77	\$ 2.541	\$ 462	\$ 3.003
A CREAR	Conexina 30 delección 1854 y delección 1830	PCR	200	\$ 6.600	\$ 1.200	\$ 7.800
66-010179-00	<b>Panel Completo de Sordera y Deficiencia Auditiva</b> ACTG1, ATP6V0A4, ATP6V1B1, BCS1L, BSND, CCDC50, CDH23, CEACAM16, CEMIP, CLDN14, CLRN1, COCH, COL11A2, COL9A3, CRYM, DFNB59, DIAPH1, DSPP, ECE1, EDNRA, EDNRB, ERCC2, ERCC3, ESPN, ESRRB, EYA4, FAS, FGF3, FGFR3, FOXI1, GATA3, GIPC3, GJA1, GJB1, GJB2, GJB3, GJB4, GJB6, GPSM2, GRHL2, GRXCR1, HGF, ILDR1, JAG1, KCNE1, KCNJ10, KCNQ1, KCNQ4, LHFPL5, LHX3, LOXHD1, LRTOMT, MITF, MSRB3, MTAP, MYH14, MYH9, MYO15A, MYO3A, MYO6, MYO7A, NDP, NR2F1, OTOA, OTOF, PAX3, PCDH15, PDZD7, PMP22, POU3F4, POU4F3, PRPS1, RDX, SERPINB6, SIX1, SIX5, SLC17A8, SLC26A4, SLC26A5, SLC4A11, SMPX, SNAI2, SOX2, SPINK5, STRC, TECTA, TIMM8A, TJP2, TMC1, TMIE, TMPRSS3, TPRN, TRIOBP, TSPEAR, TYR, USH1C, USH1G, USH2A, VCAN, WFS1.	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455
66-010180-00	<b>Panel Hipoacusias Progresivas</b> ABHD12, CD151, CDH23, COL2A1, COL4A3, COL4A4, COL4A5, COL4A6, COL9A1, COL9A3, COL11A1, COL11A2, CIB2, CLRN1, DFNB31, FOXI1, HARS, KCNJ10, LRP2, MYH9, MYO7A, PCDH15, PDZD7, SLC24A4, USH1C, USH1G, USH2A, VCAN.	NGS 300x	1864	\$ 61.499	\$ 11.182	\$ 72.680

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

DERMATOLOGÍA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-010097-00	Síndrome de Siemens (Queratosis folicular espinulosa). - Estudio molecular MBTPS2	PCR-RT	432	\$ 14.256	\$ 2.592	\$ 16.848
66-010045-00	Secuencia XP22.3 (Síndrome sulfatasa esteroide/Ictiosis ligada X/Síndrome de Kallman)		136	\$ 4.488	\$ 816	\$ 5.304
66-010181-00	<b>Panel de Dermatología</b> ABCA12, ABHD5, ADAMTS2, AGPAT2, ALDH18A1, ALDH3A2, ALOX12B, ALOXE3, AP1S1, ATP6V0A2, ATP7A, B3GALT6, B4GALT7, BLM, BSCL2, CAST, CD151, CHST14, CLDN1, COL17A1, COL1A1, COL1A2, COL3A1, COL5A1, COL5A2, COL7A1, CSTA, CYP4F22, DSP, DST, EDA, EDAR, EDARADD, EFEMP2, ELN, ELOVL4, ERCC2, ERCC4, ERCC5, ERCC6, ERCC8, FBLN5, FERMT1, FKBP14, FLG, FLNA, GJB2, GJB6, GORAB, ITGA3, ITGA6, ITGB4, KRT1, KRT10, KRT14, KRT2, KRT5, LAMA3, LAMB3, LAMC2, LIPN, LMNA, LOR, LTBP3, LTBP4, MSX1, NFKBIA, NIPAL4, PAX9, PLEC, PLOD1, PNPLA1, POMP, PYCR1, RECQL4, RIN2, SLC27A4, SLC2A10, SLC39A13, SNAP29, ST14, STS, TGM1, TGM5, TNXB, TP63, WNT10A, WRN, ZMPSTE24	NGS 300x	1909	\$ 63.000	\$ 11.455	\$ 74.455



**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**

<b>MISCELANEOS</b>						
<b>Código de Práctica</b>	<b>Descripción</b>	<b>Técnica</b>	<b>UB</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afiliado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>66-010099-00</b>	Estudio de secuenciación de exoma humano para genes asociados a cáncer hereditario, genes asociados a abortos espontáneos, genes asociados a infertilidad femenina/masculina, entre otros (MED12, NOTCH13, HTRA1, CYP21A2, CYP17A1, CYP11B1, HSD3B2, POR, MYD88, MBTPS2).	NGS	1909	\$ 62.997	\$ 11.454	\$ 74.451
<b>VER CODIGO</b>	Recuento de CD4	Citometría de Flujo	35	\$ 1.155	\$ 210	\$ 1.365
<b>VER CODIGO</b>	Recuento de CD8	Citometría de Flujo	35	\$ 1.155	\$ 210	\$ 1.365
<b>VER CODIGO</b>	Relación CD4/CD8	Citometría de Flujo	66	\$ 2.178	\$ 396	\$ 2.574

**CROMATOGRAFÍA GASEOSA ACOPLADA  
ESPECTROMETRÍA DE MASAS**

<b>DETERMINACIÓN CUALITATIVA Y SEMICUANTITATIVA DE ÁCIDOS GRASOS ÓRGANICOS EN ORINA</b>							
<b>Código NBU</b>	<b>Descripción</b>	<b>Método</b>	<b>UB</b>	<b>Prestador Convenido</b>	<b>Valor carga OSEP</b>	<b>Valor carga Afilado</b>	<b>Valor Total</b>
<b>66-010096-00</b>	Screening de enfermedades metabólicas (determinación cualitativa y semicuantitativa de ácidos grasos en orina)	Cromatografía	234	Biogenotec	\$ 7.722	\$ 1.404	\$ 9.126



**Obra Social de Empleados Públicos - Mendoza**

2020 - Año del Bicentenario del paso a la inmortalidad del Gral. Manuel Belgrano

**Resolución Honorable Directorio**

**Número:**

Mendoza,

**Referencia:** Expte.Nº1838283-22,Modif. Nomenclador Biología Molecular

---

*Datos Generales*

Nº de Expte: <b>1838283-EE-2022</b>	Asunto: <b>CONVENIOS</b>
-------------------------------------	--------------------------