



GOBIERNO DE MENDOZA

OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS
PÚBLICOS DE MENDOZA

RESOLUCION HD

VISTO: el Expte. N° 2022-01838283-
referenciado: Modificación Nomenclador Biología Molecular, y

CONSIDERANDO:

Que por el referenciado expediente el Departamento de Bioquímica eleva propuesta para la modificación del Nomenclador Único de Prestaciones de Biología Molecular y del valor de la Unidad Bioquímica para algunas de las prácticas convenidas de Biología Molecular con los siguientes prestadores:

Convenio N° 7288-HEMA SAS
Convenio N° 663 Dra. Castellanos
Convenio N° 837 con Biogen
Convenio N° 996 Hnos. Pott Godoy
Convenio N° 1051 Medicina Reproductiva S.A.
Convenio N° 1819 Biomarker

Que se realiza la actualización en el Nomenclador de Biología Molecular, Citogenética y Cromatografía, de las Unidades Bioquímicas (UB) de diferentes prácticas, justificando tal decisión el aumento del costo de las mismas y con vigencia a partir del 01 de Diciembre de 2022.

Que se dan de baja en el Convenio de HEMA SAS, algunas determinaciones por falta de insumos o en algunos casos por encontrarse encierran fuera de uso. Cabe mencionar que aquellas prestaciones que se sigan requiriendo, estarán convenidas con otros prestadores.

Que se cambia la cantidad de Unidades Bioquímicas de algunas determinaciones con metodología MLS y MLPA, de muy baja frecuencia y alto costo.

Que se agrega informe de la Subdirección de Finanzas y Presupuestos sobre el impacto presupuestario de lo peticionado.

Que toma conocimiento de lo actuado la Dirección de Salud y otorga su Visto Bueno con vigencia a partir del 01 de Diciembre de 2022.

Por ello; atento lo dispuesto en el Art.40° del Decreto Ley N° 4373/63 y sus modificatorias.

EL HONORABLE DIRECTORIO DE LA OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS PÚBLICOS RESUELVE:

ARTÍCULO 1° - Aprobar las modificaciones en el Nomenclador Único de Prestaciones de Biología Molecular, según en Anexo I, que forma parte integrante de la presente norma legal y la actualización del valor de la Unidad Bioquímica (UB), quedando establecido en \$55,00.-, con vigencia a partir del 01 de Diciembre de 2022.



GOBIERNO DE MENDOZA

OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS
PÚBLICOS DE MENDOZA

ARTICULO 2º - Dar de baja a partir del 01 de Diciembre de 2022, del Convenio suscripto con HEMA SAS de la Lic. Denita Silvina las determinaciones que se detallan a continuación:

Cód.	Descripción
66-001015-00	RECuento DE CD8 - SUB POBLACIÓN LINFOCITARIA
66-003145-00	BRCA 1/2 SCREENING
66-003443-00	CARIOTIPO - MÉDULA ÓSEA (CITOGÉNÉTICO DE MO)
66-003446-00	CARIOTIPO - VELLOSIDADES CORIÓNICAS
66-003649-00	CHLAMYDIA TRACHOMATIS, AG. PCR
66-004369-00	DENGUE - PCR
66-005931-00	HEPATITIS B, DNA VIRAL (HBV-DNA) (PCR - CUALITATIVO)
66-009591-00	TOXOPLASMOSIS - PCR
66-003120-00	BORDETELLA PERTUSIS - PCR
66-002446-00	ADENOVIRUS - PCR
66-003582-00	CHIKUNGUYA, VIRUS (PCR)
66-003591-00	CHLAMYDIA PNEUMONIAE, PCR
66-007736-00	MYCOPLASMA PNEUMONIAE - PCR
66-008241-00	PARVOVIRUS B19 - PCR
66-009978-00	ZIKA, VIRUS PCR
66-003147-00	BRCA1/BRCA2 (PANEL DE ASHKENAZI-SEFARADI)
67-010006-00	ADAMTS13 ACTIVIDAD
67-010008-00	ALK T(2;5) (P23. Q35)
67-010009-00	AMPLIFICACION/DELECIION ISOCROMOSOMA 17Q
67-010015-00	ESTUDIO F.I.S.H. LLC: TP53(17 P 13) - MUTACION IGVH - DELECIION 11Q23
67-010016-00	ESTUDIO F.I.S.H. PARA MIELOMA-RB1 (13 Q14)-TP53 (17P13)-CCND1/IGH (T(11;14)(Q13;Q32)-FGFR3-MMSET/IGH (T(14;14)(P16;Q32)-IGH/MAF T (14;16)(Q32Q23)-IGH/MAFB T(14;20)(Q32 Q11)-AMPLIFICACION DE 1Q Y DELECIION 1P
67-010021-00	N . P . M1
67-010038-00	NUROFIBROMATOSIS TIPO I(DETECCION MUTACIONES PUNTUALES EN EXONES POR SECUENCIACION), REGION GENOMICA:EXON CON ALTERACION DETECTAA POR MLPA
67-010043-00	REORDENAMIENTO DEL GEN RB1 13 (Q14)
67-010039-00	NEUROFIBROMATOSIS TIPO I (MLPA P081 Y P082). CANTIDAD DE SONDAS: 79, REGION GENOMICA: 58 EXONES DEL GEN NF1
67-010029-00	CHARCOT-MARIE-THOOT TIPO 1A (CMT1A)
67-010068-00	APC, MUTYH
67-010069-00	A . T . M .
67-010031-00	DISTROFIA MUSCULAR DE DUCHENE/BECKER (DETECCION MUTACIONES PUNTUALES EN EXONES POR SECUENCIACION)



GOBIERNO DE MENDOZA

OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS
PÚBLICOS DE MENDOZA

67-010077-00	CDH1 (EXON 2 AL 16)
67-010079-00	CDKN2A (P16)
67-010080-00	CH1(EXON 2 AL 16)
67-010083-00	C-MYC T(8;14)
67-010087-00	MEN2A (CANCER MEDULAR DE TIROIDES)(PCR/RFLP) REGION GENOMICA: EXON 11 PROTOCOGEN RET
67-010089-00	PDGFR - ALFA (ESTUDIO DE EOSINOFILIAS)
67-010090-00	PDGFR - BETTA (ESTUDIO DE LEUCEMIAS MIELOMONOCITICAS CRONICAS)
67-010091-00	PTEN (CA ESCAMOSO)
67-010092-00	RECORDAMIENTO DEL GEN P53 (17P 13.1)
67-010093-00	RET (8,10,11,13 AL 16)
67-010094-00	TP 53 (SECUENCIACION GEN COMPLETO)
67-010095-00	TUMORE DE COLON (DETECCION DE CAMBIO EN NUMERO DE COPIAS Y METILACION ABERRANTE PO MS - MLPA) - REGION GENOMICA: MLH1, MSH2,MSH3, PMS2, MDMT, MLH4
67-010096-00	CROMATOGRAFIA GASEOSA ACOPLADA A ESPECTOMETRIA DE MASAS PARA SCREENING DE ENFERMEDADES METABOLICAS (DETRMINACION CUALITATIVA Y SEMICUANTITATIVA DE ACIDOS ORGANICOS EN ORINA)
67-010100-00	ESTUDIO DE 16 GENES PARA CANCER HEREDITARIO, INCLUYE APC,MUTYH,BRCA2,CDH1,EPCAM,PMS2MLH1,MSH2, MSH6,MEN1,PTEN,RB1,RET,TP53,VHL
66-001011-00	RECUENTO DE CD4 - SUB POBLACIÓN LINFOCITARIA
67-010116-00	A . L . K .
67-010118-00	CKIT (EXÓNES 9,11,13 Y 17)
67-010119-00	DELECIÓN 1P/19Q
67-010121-00	METILACIÓN DEL PROMOTOR DEL GEN MGMT
67-010126-00	TP53 (EXÓN 4,5,6,7,8)
67-010151-00	ESTUDIO DE SECUENCIACIÓN GEN PLCG2 (ASOCIADO A SINDROME PLAID/APLAID).
67-010173-00	RASTREO DE MUTACIONES PUNTUALES EN LOS GENES APP, PSEN1 Y PSEN2 EN ENFERMEDAD DE ALZHEIMER HEREDITARIA
67-010174-00	DETERMINACIÓN DE LA EXPANSIÓN G4C2 EN EL GEN C90RF72 EN DEMENCIA FRONTOTEMPORAL Y ESCLEROSIS LATERAL AMIOTRÓFICA
67-010175-00	RASTREO DE MUTACIONES PUNTUALES EN GENES PARK2, LRRK2, PINK1, DJ-1 EN PARKINSONISMO



GOBIERNO DE MENDOZA

OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS
PÚBLICOS DE MENDOZA

ARTICULO 3º - Encomendar al Departamento de Convenios arbitre los actos útiles y necesarios para la implementación de lo dispuesto en la presente norma legal.

ARTICULO 4º - Ordenar su comunicación correspondiente.

APROBADO POR ACTA N° 45 - SESIÓN ORDINARIA DE FECHA: 01-12-2022.
m.m.



GOBIERNO DE MENDOZA

OBRA SOCIAL DE EMPLEADOS
PÚBLICOS DE MENDOZA

ANEXO I

Nomenclador Único de Prestaciones

Biología molecular, citogenética y cromatográfica

Versión 2.0
OSEP - Convenios Directos



ÍNDICE

Instructivo INSTRUCTIVO

Prestadores PRESTADORES

Capítulo I CARIOTIPOS

Capítulo II ENFERMEDADES CONGÉNITAS Y HEREDITARIAS

Capítulo III FARMACOGENÉTICA

Capítulo IV FERTILIDAD

Capítulo V MICROBIOLOGÍA

Capítulo VI ONCOLOGÍA GENERAL

Capítulo VII ONCO-HEMATOLOGÍA

Capítulo VIII PATOLOGÍA EPECÍFICA

Capítulo VIII
Sección I CARDIOLOGÍA

Capítulo VIII
Sección II ENDOCRINOPATÍAS

Capítulo VIII
Sección III GASTROENTEROLOGÍA

Capítulo VIII
Sección IV HEMATOLOGÍA

Capítulo VIII
Sección V INMUNOLOGÍA

Capítulo VIII
Sección VI METABOLOPATÍAS

Capítulo VIII
Sección VII NEFROLOGÍA

Capítulo VIII
Sección VIII NEUMOLOGÍA

Capítulo VIII
Sección IX NEUROLOGÍA

Capítulo VIII
Sección X OFTALMOLOGÍA

Capítulo VIII
Sección XI O.R.L.

Capítulo VIII
Sección XII PIEL

Capítulo IX MISCELANEOS

Capítulo X CROMATOGRFÍA GASEOSA

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES

- EDICIÓN MARZO 2019 -

INTRODUCCIÓN

El Nomenclador Único de Prestaciones es el instrumento que utiliza la OSEP para codificar las prestaciones que se realizan en los distintos Efectores no propios, tanto del Sistema Público como Privado, sólo para pacientes afiliados a la Obra Social.

El motivo de su actualización es la adecuación a los frecuentes cambios en la actividad médica, las nuevas tecnologías incorporadas y los mayores costos que éstas infieren.

Esta edición modifica a la anterior:

- Incorpora nuevas prácticas.
- Mejora la descripción de las prácticas.
- Se crean paneles por patología específica.
- Clasifica las prestaciones como Microbiología, Farmacogenética, Fertilidad, Hematología, Oncología, Enfermedades Congenitas y hereditarias, miscelaneas y cromatografía.
- Codifica las prácticas según Nomenclador Bioquímico Único (N.B.U.) actualización XII.2016 de uso obligatorio para todos los bioquímicos de la República Argentina. En caso de prácticas no nombradas, OSEP los creará siguiendo la lógica del en el N.B.U.
- Modifica unidades bioquímicas de dicho nomenclador ajustado a valores de convenidos con los prestadores directos.
- Omite deliberadamente algunas prácticas del Nomenclador Único Bioquímico (N.B.U.) debido a que han sido incluidas y/o reubicadas en otros códigos.

GLOSARIO

Las definiciones mencionadas a continuación permitirán a las diferentes auditorías y a los prescriptores, el entendimiento de estas técnicas de alta complejidad y baja frecuencia con el fin de disminuir los errores de autorización.

DEFINICIONES DE TÉCNICAS

• PCR:	PCR o Reacción en Cadena de la Polimerasa, Es una técnica de biología molecular, cuyo objetivo es obtener un gran número de copias de un fragmento de ADN de interés, partiendo de un mínimo. Se realiza en un termociclador y utiliza una enzima termoestable, la Taq Polimerasa.
• PCR-RT	También denominada PCR cuantitativa o en inglés, quantitative polymerase chain reaction; qPCR o Q-PCR; es una variante de PCR utilizada para amplificar y simultáneamente cuantificar de forma absoluta el producto de la amplificación de ADN.
• PCR-RT LIPA	Técnica de PCR-RT combinada con ensayo de sonda de línea de hibridación inversa, en inglés LIPA (reverse hybridization line probe assay) que permite la detección específica e identificación de especies.

- PCR-SEC

Son aquellas prestaciones que se realizan con fines diagnósticos y/o terapéuticos con existencia de disrupción de tejidos mediante incisiones o procedimientos similares. Requieren internación que dependiendo del procedimiento podrá ser abreviada o no.

- Secuenciación:

Son conocer la secuencia concreta de los nucleótidos que componen cualquier ácido nucleico, por lo que, con las técnicas disponibles de hoy en día, es posible saber la secuencia exacta de tanto ADN como ARN. Es cierto, que existen muchas estrategias con diferentes características, precios y, por supuesto, tasas de error, pero nada de lo que conocemos actualmente hubiera sido posible sin el esfuerzo de los investigadores de finales del siglo pasado que idearon diversas formas de hacer de la secuenciación del genoma una realidad palpable.

- Secuenciación de Sanger

Esta estrategia se basa en sintetizar, de forma secuencial, una hebra de ADN complementaria a una hebra de cadena simple (que se utiliza como molde), en presencia de ADN polimerasa, los cuatro 2'-deoxinucleótidos que componen la secuencia del ADN (dATP, dGTP, dCTP y dTTP) y cuatro dideoxinucleótidos (ddATP, ddGTP, ddCTP y ddTTP). Estos últimos nucleótidos "especiales" o nucleótidos de parada, están diseñados para que carezcan del grupo 3'-OH, que permite la adición del nucleótido consecutivo, de forma que cuando uno de ellos es incorporado por la polimerasa se interrumpe la síntesis de la nueva hebra. Esto lleva a que se obtengan fragmentos secuenciados de diferente tamaño, según dónde se incorporen los dideoxinucleótidos. De este modo, y tras una simple electroforesis, se va a poder dilucidar la secuencia.

- Cariotipo:

Se basa en el cultivo de células capaces de crecer y dividirse en cultivo (linfocitos, médula ósea, ganglios, etc.).

La muestra se anticoagula con heparina. Se cultivan en tubos estériles con medio de cultivo tisular, estimulante para que se dividan (según corresponda), suero bovino fetal y antibiótico. Tras unos días de cultivo en estufa a 37°, las células en división se detienen en metafase con colchicina (inhibe la formación del huso mitótico). Se recogen y se tratan con una solución hipotónica. Se fijan con una solución de metanol:acético, se extienden en un portaobjetos, se bandean con tripsina, se tiñen con colorante Wright o Giemsa y se analizan al microscopio óptico controlando aberraciones cromosómicas numéricas y/o estructurales.

- F.I.S.H.:

Se basa en la unión específica entre las sondas de ADN marcadas con un fluorocromo y las secuencias de ADN localizadas en lugares concretos del genoma, bien en los cromosomas (metafase) o en los núcleos celulares (interfase).

Se debe desnaturalizar el ADN de las células fijadas en el portaobjetos (previamente obtenidas de cultivo celular). Luego se desnaturaliza la sonda a utilizar según el caso y se coloca sobre la muestra fijada en el portaobjetos. Se introduce en una cámara húmeda en estufa a 37°C durante 18-24hs. Pasado ese tiempo se le realizan una serie de lavados, se tiñen los núcleos con DAPI y se observan al microscopio las señales de fluorescencia que han hibridado.

- MLPA:

MLPA (Amplificación Múltiple de Sondas Dependientes de Ligación) es un método basado en sondas y PCR Multiplex que permite detectar números anómalos de copias en más de 50 secuencias diferentes de ADN genómico. Dependiendo del gen, los cambios en número de copias son de frecuencias variables, que pueden ir desde 10%-70%.

Al ser MLPA un análisis cuantitativo, se lo propone como método de estudio complementario a otros como la secuenciación Sanger, que es cualitativa. La inclusión de MLPA en análisis clínicos puede de esta manera aumentar significativamente la tasa de detección de varios desórdenes genéticos.

• **MS-MLPA:**

Una variante de MLPA es el ensayo Methyl Specific-MLPA (MS-MLPA), que puede ser utilizada tanto para análisis de número de copias, como para análisis del perfil de metilación. Se ha comprobado que MS-MLPA es muy útil para la detección de enfermedades producidas por alteraciones en el patrón de imprinting de ADN y para el análisis de aberraciones de metilación en muestras de tumor.

Para el caso particular de Prader Willi/Angelman y Beckwith Wiedemann/Silver Rusell, MS-MLPA permite detectar si hay una alteración epigenética, y determinar si esta alteración se debe a la ausencia de un cromosoma parental. Si ambos cromosomas están presentes, se concluye que la alteración epigenética se puede deber a una disomía uniparental o a un error de imprinting. MS-MLPA no puede diferenciar entre estas dos condiciones, sugiriéndose en esos casos un análisis de microsatélites.

Para el caso de metilaciones aberrantes en tumores, MS-MLPA permite detectar el porcentaje de alelos metilados en la muestra analizada

• **NEXT GENERATION SECUENCING (NGS)**

Next Generation Sequencing (NGS), o secuenciación de última generación, es un término utilizado para describir a un conjunto de nuevas tecnologías capaces de realizar una secuenciación masiva de ADN. Esto significa que millones de pequeños fragmentos de ADN pueden ser secuenciados al mismo tiempo, creando una gran masa de datos. Esta masa de datos puede alcanzar gigabites en tamaño, que es el equivalente de 1.000 millones de pares de bases de ADN. En comparación, los métodos anteriores podían secuenciar únicamente un fragmento de ADN a la vez, generando entre 500 y 1.000 pares de bases de ADN en una sola reacción.

PROCEDIMIENTOS ADMINISTRATIVOS

• **Afiliación:** El primer paso antes de la utilización de nomenclador es necesario identificar la afiliación. A los efectos de verificar la afiliación del beneficiario, cada Institución comprendida en el convenio debe tener acceso a SISAO mediante una computadora e internet/intranet para consultar en la página de OSEP (www.osep.mendoza.gov.ar/webapp_pri/). Esta búsqueda se realizará por número de afiliado, últimos 4 dígitos de la credencial o D.N.I. al momento de la consulta; siendo este el dato básico para la identificación y registro de cobertura. Se podrá utilizar huella digital en caso de encontrarse esta tecnología incorporada. Una vez identificado el afiliado, cada prestación ambulatoria, de guardia o internación será acompañada con la documentación que permita su apropiada facturación.

• **Utilización:** para normatizar la utilización del Nuevo Nomenclador se propone la búsqueda de la práctica por número o módulo. Aunque la búsqueda por descripción se encuentra habilitada y puede realizarse, el sistema busca con exactitud lo que se tipea, por lo tanto la omisión de acentos, espacios u otros errores ortográficos pueden no arrojar resultados.

• **Aranceles:** los valores mencionados en el actual nomenclador podrán estar sujetos a modificaciones por futuros cambios en el convenio, por lo que puede explicar la diferencias de valor cuando se cargue la practica por sistema.

• **Orden por SISAO:** toda prestación debe presentarse con la orden emitida por SISAO. La misma llevará firma y sello del profesional junto con la firma del afiliado.

CONDICIONES

CONDICIONES GENERALES:

- Las normas del presente nomenclador, los aranceles, las prácticas y módulos como así futuros cambios son establecidos por la OSEP y consensuados con los diferentes prestadores especializados en Biología molecular, citogenética y cromatografía.
- Los aranceles que figuran en este Nomenclador han sido valorizados en pesos.
- El total del arancel de las prestaciones de este Nomenclador presentan co-pagos y carga de la Obra Social.
- Los códigos de prácticas tienen inclusiones y exclusiones perfectamente establecidas que serán consideradas para su facturación.
- Los aranceles no se incrementarán en porcentaje alguno cuando se realicen prestaciones en horario nocturno, y/o días feriados, ni tampoco en caso de atención de urgencia.

CONDICIONES ESPECÍFICAS

- Con el fin de facilitar la auditoría y la conformación de la orden médica por el prescriptor, existen prácticas que han sido agrupadas en paneles en ciertas patologías específicas. Por lo tanto, todas aquellas órdenes médicas que tengan las practicas por separado, la Auditoría Bioquímica indicará la codificación del panel que les corresponda, aún cuando practicas del panel no hayan sido solicitadas.
- Existen prácticas codificadas que detallan en su descripción la investigación precisa de una alteración cromosómica, gen o patógeno , entre otros; por lo que no podrán ser reemplazos por otras codificaciones que describan técnicas o alteraciones generales.
- Existen prácticas de descripción para uso genéricos que podrán ser utilizadas cuando se soliciten prácticas que no se encuentren convenidas. Las mismas serán determinadas por OSEP y en concenso con los prestadores bioquímicos.
- Existen prácticas similares en descripción y técnica, pero solo se autorizará una de ellas por ejemplo Cromosoma Filadelfia, Traslocación Fidadelfia -BCR/ABL p210, cuantitativo vs p 190 vs p 230,

POLÍTICA DE COBERTURA

- OSEP ha definido esta nomenclador y su cobertura, a través de convenio directos con prstadores especializados, **solo cuando el resultado de la prueba otorgara un diagnóstico preciso y una terapéutica clara y beneficiosa para el afiliado.**
- Se excluye de la política, la cobertura de estas pruebas para fines de investigación y simplemente por curiosidad científica.

AUTORIZACIÓN GENERAL

- Todas las prácticas contempladas en el actual nomenclador cuentan con **autorización previa sin excepción**, por lo que todas las órdenes médicas deben ser autorizadas por Ventanilla Única de OSEP en calle Vicente Zapata.

- El **responsable de la autorización es la Auditoría Bioquímica de OSEP**, pudiendo ésta solicitar a las diferentes áreas de la Obra Social intervención para su autorización:

- Departamento de Infecología, Prevención y Control de Infecciones, para prácticas de microbiología y farmacogenética.

- Comisión de Fertilidad, para prácticas de fertilidad.

- Genetista de OSEP, prácticas de enfermedades congénitas y cromatografía.

- Asesoría Técnica de la Dirección de Atención de la Salud, cualquier práctica que requiera su intervención.

- Las prácticas de oncología general, onco-hematología y asesoramiento genético serán autorizadas exclusivamente por la Comisión de Tumores y Asesoramiento genético perteneciente al Departamento de Oncología de OSEP ubicado en edificio de calle Salta, planta baja.

- Es potestad de OSEP solicitar cuando lo necesite resumen de historia clínica u otra documentación necesaria durante el proceso de auditoría.

- Los prestadores bioquímicos no podrán recibir muestras de afiliados sin previa orden autorizada por OSEP.

- En los casos de **afiliados interprovinciales** en tránsito en la Provincia de Mendoza, internados o ambulatorios, que requieran de las prestaciones de dichos servicios; será requisito indispensable la autorización previa por el Departamento del Servicio Asistenciales Interprovinciales (S.A.I) de OSEP, y en todos los casos, la autorización emitida por la Auditoría Bioquímica de OSEP.

- En **pacientes trasplantados** y según convenio vigente de trasplante de órgano sólido, las PCR cualitativas para CMV, carga viral para hepatitis C y carga viral para BK virus, se encuentran incluidas en los diferentes módulos convenidos. Por lo tanto, no deberán autorizarse al menos que nuevo convenio las excluya.

AUTORIZACIÓN EN PACIENTES INTERNADOS EN EFECTORES NO PROPIOS

- Las prácticas solicitadas en estos pacientes y que no se encuentren incluida en el módulo de internación, el prestador confeccionará orden médica y cumplirá el mismo circuito de autorización que las prácticas ambulatorias.

- Las órdenes médicas en esta instancia deben estar firmadas por el Evaluador del Proceso Asistencial (EPA) de OSEP.

AUTORIZACIÓN DESDE EFECTORES HOSPITALARIOS

- Los efectores Hospitalarios de OSEP podrán autorizar y derivar muestras a prestadores directos de la libre elección **solo en pacientes internados**. Esto evitará que el familiar del afiliado deba dirigirse a Ventanilla única para su autorización. Se entiende que las prácticas a derivar son de categoría de urgencia y que ésta definirá diagnóstico y/o tratamiento durante su internación. Todas las muestras derivadas desde los efectores hospitalarios propios **NO** contarán con co-pago.

- Aquellos prestadores bioquímicos que presten Servicio de logística sin cargo en el retiro de las muestras en los efectores propios hospitalario y que lo declare al momento de firmar su convenio directo, se les dará prioridad para la realización de la práctica. La entrega de los informes podrá realizarse mediante el envío del mismo en formato pdf al mail de referencia que otorgue el Laboratorio Central de OSEP.

- Cuando la práctica se solicite por ambulatorio, debe ser firmada primeramente por la auditoría interna del Efecto, la Dirección Médica Asistencial y luego enviar a Auditoría Bioquímica en OSEP Central




CO-PAGO

- Los aranceles totales de cada práctica contemplan co-pagos por parte del afiliado, quedando eximidos del mismos en las siguientes situaciones:
 - Afiliados con certificado único de discapacidad (C.U.D) y donde se demuestre que la práctica solicitada se asocia a su discapacidad.
 - Afiliados empadronados a través de la Dirección de Pacientes Complejos tales como H.I.V, Hepatitis, trasplantados y/o ciertas patologías oncológicas.
 - Futuras normas legales que obliguen la cobertura total por parte de la obra social.

POLÍTICA DE COBERTURA

- OSEP ha definido esta nomenclador y su cobertura, a través de convenio directos con prestadores especializados, **solo cuando el resultado de la prueba otorgara un diagnóstico preciso y una terapéutica clara y beneficiosa para el afiliado.**
- Se excluye de la política, la cobertura de estas pruebas para fines de investigación y simplemente por curiosidad científica.

PRESTADORES CONVENIDOS

PRESTADOR	INFORMACIÓN DE LOS PRESTADORES
 <p>BIOGENOTECH LABORATORIO DE ANÁLISIS CLÍNICOS Y GENÉTICOS</p>	<p>Dir.: Beltrán Sur 130 (Entre Lavalle y Salta) Godoy Cruz- Mendoza Teléfono: +54 261 387 7718 Horario de Atención: 9-13.30 / 15-20 hs E-mail: info@biogenotec.com</p>
 <p>(I.A.I)</p>	<p>Dir.: Avenida España 1824, Ciudad - Mendoza Teléfono: +54 261 4294216 E-mail: no informado</p>
	<p>Dir.: Avenida España 1824, Ciudad - Mendoza Teléfono: +54 261 4295857-4293674-154712056 E-mail: secretariabiogen@gmail.com</p>
<p>POTT GODOY HNOS S.A.</p>	<p>Dir: T. Benegas 938, Capital - Mendoza Teléfono: E-mail: Tel.</p>
 <p>BIOMAKERS[®] MOLECULAR PATHOLOGY & RESEARCH</p>	<p>Laboratorio ubicado en Buenos Aires que cuenta con extractorios en la Provincia de Mendoza, a través de los siguientes Laboratorios locales:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Análisis Clínicos Castillo Oscar: <ul style="list-style-type: none"> - Dir: Patricias Mendocinas 1057, Ciudad, Mendoza. - Teléfono: +54 261 4295050 - E-mail: no informado • Análisis Clínicos y Alta Complejidad Dr. Gustavo Yapur: <ul style="list-style-type: none"> - Dir: Lisandro de la Torre 205, 205, IEL, Lisandro De la Torre, Ciudad, Mendoza. - Teléfono: +54 261 4240060 - E-mail: no informado • Laboratorio Rauek: <ul style="list-style-type: none"> - Dir: Rioja 1354, Ciudad. Mendoza. - Teléfono: +54 261 4256248 - E-mail: no informado • Laboratorio de Análisis Clínico Dra. Stella Batalla: <ul style="list-style-type: none"> - Dir: Chile 1443, planta baja, Ciudad, Mendoza. - Teléfono: +54 261 4259579 - E-mail: no informado

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA**ESTUDIOS DE CARIOTIPO**

DICIEMBRE 2022 UB \$55,00

Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Prestador Convenido	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-003430-00	Cariotipo con Bando	Citogenética	204	Biogenotec Dra. Castellanos	\$ 9.537	\$ 1.683	\$ 11.220
66-003427-00	Cariotipo con Bando - Alta Resolución (Alta Sensibilidad)	Citogenética	230	Biogenotec Dra. Castellanos Biogen	\$ 10.753	\$ 1.898	\$ 12.650
66-003435-00	Cariotipo de liquido anmiótico	Citogenética	350	N/C	\$ 16.363	\$ 2.888	\$ 19.250
66-003440-00	Cariotipo de material de aborto	Citogenética	350	Biogen	\$ 16.363	\$ 2.888	\$ 19.250
66-003443-00	Cariotipo de médula ósea (Citogenético)	Citogenética	204,5	Biogenotec Dra. Castellanos Biogen	\$ 9.560	\$ 1.687	\$ 11.248
67-003443-01	Cariotipo de sangre periférica (Citogenético)	Citogenética	204,5	Biogenotec Dra. Castellanos Biogen	\$ 9.560	\$ 1.687	\$ 11.248
66-003446-00	Cariotipo de vellosidades coriónicas	Citogenética	350	N/C	\$ 16.363	\$ 2.888	\$ 19.250
67-003446-01	Cariotipo Molecular (Microarray cromosómico)	Citogenética	2800	Biogenotec	\$ 130.900	\$ 23.100	\$ 154.000

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

ENFERMEDADES CONGÉNITAS Y HEREDITARIAS

ESTUDIOS DE ALTERACIONES CROMOSÓMICAS GENERALES

				DICIEMBRE 2022 UB \$55		
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010026-00	Alteraciones en regiones subteloméricas (MLPA P070) - Cantidad de sondas: 47 - Región genómica: 41 regiones subteloméricas	MLPA	1250	\$58.437,50	\$10.312,50	\$68.750,00
67-010027-00	Aneuploidia X e Y (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 12 - Región genómica: cromosoma X: 8 sondas, cromosoma Y: 4 sondas	MLPA	1250	\$58.437,50	\$10.312,50	\$68.750,00
66-004160-00	Cromosoma X	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
67-10102-00	Cromosoma Y	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
67-10103-00	Cromosomas, Alteraciones del (cada uno)	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
66-004165-00	Deleciones del cromosoma Y		220	\$10.285,00	\$1.815,00	\$12.100,00
66-004143-00	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma 13	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
66-004144-00	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma 17-P53	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
66-004145-00	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma 6 MYB	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
66-004146-00	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Delección Cromosoma C11 ATM-5q-7Q-gen ATM	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
66-004147-00	Cromosoma , alteraciones del (c/u) Trisomía 12-Centrómero 12	F.I.S.H	410	\$19.167,50	\$3.382,50	\$22.550,00
67-010106-00	Fragilidad del cromosoma X con análisis de patrón de metilación	PCR y analisis de fragmentos	590	\$27.582,50	\$4.867,50	\$32.450,00
66-004155-00	Fragilidad del cromosoma X, detección de normales, premutados y mutados. PCR -Amplidex FMR1 Asuragen	PCR	250	\$11.687,50	\$2.062,50	\$13.750,00
66-007153-00	Gen SRY para disgenesia gonadal		100	\$4.675,00	\$825,00	\$5.500,00
67-010111-00	Chequeo de mutación puntual	PCR-SEC	500	\$23.375,00	\$4.125,00	\$27.500,00

ESTUDIOS DE ALTERACIONES CROMOSÓMICAS PATOLOGÍA ESPECÍFICA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	DICIEMBRE 2022 UB \$55		
				Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010186-00	Acondroplasia, mutación G380R		150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
67-010187-00	Hipocondroplasia N540K		150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
67-010042-00	Retardo mental ligado al X no X- Frágil (MLPA P106)	MLPA	318	\$14.867	\$2.624	\$17.490
67-010044-00	Síndrome de microdelección 21q22.13-q22.2		136	\$6.358	\$1.122	\$7.480
67-010046-00	Síndrome de Alagille (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 2 - Región genómica: 20p12.2 JAG1 gene	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010047-00	Síndrome de Beckwith-Wiedemann/Russell Silver (MS-MLPA ME030): - Cantidad de sondas: 26 sondas para alteración numérica y 10 sondas para alteración de imprinting - Región genómica: 11q15	MS-MLPA	1450	\$67.788	\$11.963	\$79.750
67-010023-00	Secuencia 11p15.5-Pter (Síndrome Beckwith-Wiedemann)		193	\$9.023	\$1.592	\$10.615
67-010048-00	Síndrome de Cri du Chat (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 6 - Región genómica: 5p15 telomeric region	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010049-00	Síndrome de Di George/Síndrome Cat Eye- Región/ Síndrome Velo-Cardio-Cacial (VCF) - (MLPA P250) - Cantidad de sondas: 48 - Región genómica: 22q11:30 sondas, 22q13:2 sondas, 4q34-qter:2 sondas, 8p23:3 sondas, 10p15:5 sondas, 17p13.3:4 sondas.	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010050-00	Síndrome de Down (trisomía 21) (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: cromosoma 21	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010051-00	Síndrome de Edwards (trisomía 18) (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: cromosoma 18	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010052-00	Síndrome de Kabuki (MLPA P389) - Cantidad de sondas: 27 - Región genómica: gen MLL2	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010053-00	Síndrome de Langer-Giedon (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 6 - Región genómica: 8q24 telomeric region	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010025-00	Síndrome de microdelección 19qter (MLPA)	MLPA	193	\$9.023	\$1.592	\$10.615

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010054-00	Síndrome de Miller-Dieker (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 7 - Región genómica: 17p13.3	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010055-00	Síndrome de Patau (trisomía 13) (MLPA P095) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: cromosoma 13	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010056-00	Síndrome de Phelan-McDermid (secuencia 22q13)		136	\$6.358	\$1.122	\$7.480
67-010057-00	Síndrome de Prader Willi/Angelman (MS-MLPA MEU28): - Cantidad de sondas: 31 sondas para alteración numérica y 5 sondas para alteración de imprinting - Región genómica: 15q11	MS-MLPA	1400	\$65.450	\$11.550	\$77.000
67-010037-00	Síndrome de Prader Willi/Angelman (Microsatélites región 15q Madre-Hijo-Padre)	PCR 3 STRS- electroforesis Capilar	181	\$8.462	\$1.493	\$9.955
67-010059-00	Síndrome de Rett MECP2	PCR-SEC	1000	\$46.750	\$8.250	\$55.000
67-010060-00	Síndrome de Rubinstein-Taybi (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 4 - Región genómica: CREBB gene	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010061-00	Síndrome de Saethre-Chotzen (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 2 - Región genómica: TWIST gene:1 sonda, TWISTNB gene: 1 sonda	MLPA	1450	\$67.788	\$11.963	\$79.750
67-010062-00	Síndrome de Smith-Magenis (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 6 - Región genómica: 17p11.2	MLPA	1450	\$67.788	\$11.963	\$79.750
67-010064-00	Síndrome de WAGR (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 8 - Región genómica: 11p13-14 region	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010209-00	Síndrome de Williams (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 7 - Región genómica: 7q11.23	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010065-00	Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA P096) - Cantidad de sondas: 16 - Región genómica: 4p telomeric region	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010066-00	Síndrome del 1p36 (MLPA P064) - Cantidad de Sondas: 7 - Región genómica: 1p36 región telomérica	MLPA	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
66-006332-00	HLA B27 asociado a espondiloartropatías		150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
67-010067-00	Tipificación locus HLA DQ completa		136	\$6.358	\$1.122	\$7.480
67-010210-00	Translocación, varias-cualitativas (cada una)		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100

PANEL GENÉTICA MÉDICA						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	DICIEMBRE 2022 UB \$55		
				Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010185-00	Panel Completo de Anomías Esqueléticas ABCC6, ACAN, ACTA1, ACP5, ACTB, ACTG1, ACVR1, ADAMTS2, ADAMTS10, ADAMTSL2, AGA, AGPS, AGRN, AKT1, AKT3, ALPL, ALX3, ALX4, AMER1, ANKH, ANO5, ARSB, ARSE, ARX, ASPA, ASPM, ASXL1, ATP6VOA2, ATR, B3GALNT2, B3GALT6, B4GALT7, BMP1, BMPER, BMPR1B, CA2, CANT1, CASR, CDC6, CDT1, CLCN5, CLCN7, COG1, COL10A1, COL11A1, COL11A2, COL1A1, COL1A2, COL2A1, COL9A1, COL9A3, COMP, CRTAP, CTSA, CTSK, CUL7, DDR2, DHCR24, DLL3, DLX3, DMP1, DYM, DYNC2H1, EBP, EIF2AK3, ENPP1, EVC, EVC2, FAM20C, FBN1, FERMT3, FGF23, FGF2, FGF3, FIG4, FKBP10, GALNS, GDF5, GDF6, GJA1, GLB1, GNPTAB, GNPTG, GNS, GORAB, GPC6, GUSB, HES7, HGSNAT, HPGD, HSPG2, IDS, IDUA, IFITM5, IFT122, IFT140, IFT80, IHH, KIF22, LBR, LEMD3, LFNG, LIFR, LRP5, MAN2B1, MATN3, MESP2, MMP13, MMP9, MNX1, MSX2, NAGLU, NEK1, NEU1, NKX3-2, NPR2, NSDHL, OBSL1, ORC1, ORC4, ORC6, OSTM1, PCNT, PDE4D, PEX7, PHEX, PLEKHM1, PLOD2, PPIB, PRKAR1A, PTH1R, PYCR1, RASGRP2, RBBP8, ROR2, RUNX2, SBDS, SERPINH1, SGSH, SHOX, SLC17A5, SLC34A3, SLC35D1, SLC39A13, SMARCAL1, SOST, SOX9, SP7, SULF1, SUMF1, TBCE, TBXAS1, TCIRG1, TGFB1, TNFRSF11A, TNFRSF11B, TNFSF11, TRAPPC2, TRIP11, TRPS1, TRPV4, TTC21B, WDR19, WDR35, XRCC4, XYLT1.	NGS 300x	1950	\$91.163	\$16.088	\$107.250
67-010107-00	Panel de Craneosinostosis ALPL, ALX3, ALX4, BMP4, EDN3, EDNRB, EFN1, ESCO2, FBN1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FLNB, FREM1, GDF5, GLI3, IFT122, IFT140, MASP1, MITF, MSX2, NOG, PAX3, POR, RECQL4, RET, SKI, SOX10, TCF12, TGFB1, TGFB2, TTR, TWIST1, WDR19, WDR35.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010108-00	Panel de Braquidactilia/Sindactilia BMPR1B, ESCO2, GDF5, GNAS, HOXA13, HOXD13, IHH, NOG, RECQL4, ROR2, SOX9, TP63	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010109-00	<p>Panel de Artrogriposis ACTA1, AGRN, BIN1, CASK, CFL2, CHAT, CHRNA1, CHRN1, CHRND, CHRNE, CHRNG, CHST14, COL5A2, DHCR24, DOK7, DPAGT1, ECEL1, EGR2, ERCC5, ERCC6, EXOSC3, FBN2, FHL1, FKTN, GBA, GBE1, GFPT1, GLE1, KAT6B, KLHL40, MPZ, MTM1, MUSK, MYBPC1, MYH2, MYH3, NALCN, NEB, PIEZO2, PLOD2, PMM2, RAPS1, RARS2, SCO2, TGFB3, TK2, TNNT2, TNNT1, TPM2, TPM3, TRPV4, TSEN2, TSEN54, VPS33B, VRR1, ZBTB42.</p>	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010110-00	<p>Panel de Macrocefalia ABCG6, AKT1, AKT3, ASPA, BRWD3, CDKN1C, CUL4B, DHCR24, DIS3L2, DNMT3A, EIF2B5, GFAP, GLI3, GPC3, GPM2, GRIA3, HEPACAM, HUWE1, KIAA0196, KIF7, L1CAM, MED12, MLC1, NFIX, OFD1, PIGA, PIK3CA, PTCH1, PTEN, RAB39B, SYN1, TSC1, TSC2.</p>	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010247-00	<p>Panel de Microcefalia e Hipoplasia Pontocerebelosa AKT3, ATR, CASK, CDK5RAP2, CENPF, CEP63, CEP152, CEP164, DYNC1H1, DYRK1A, EFTUD2, EXOSC3, KIF11, LIG4, MBD5, MCPH1, MRE11A, NDE1, OPHN1, PCNT, PQBP1, RARS2, STIL, TSEN2, TSEN54, VRR1, WDR62.</p>	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010112-00	<p>Panel de Enfermedades Hereditarias Frecuentes ARMC5, CFTR, CYP11A1, CYP11B1, CYP17A1, CYP21A2, DUOX2, DUOX2A, FOXE1, GALE, GALK1, GALT, GNAS, HSD3B2, HESX1, IGSF1, NKX2-1, NKX2-5, PAH, PAX8, POU1F1, POR, PRKAR1A, PROP1, SECISBP2, SLC5A5, SLC16A2, SLC26A4, STAR, TG, THRA, THRB, TPO, TSHB, TSHR</p>	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

67-010113-00	<p>Panel de Enfermedades Hereditarias ACADM, ACADS, ACADSB, ACADVL, ACAT1, ADA, ADA, AGA, AK2, ALDH18A1, ARG1, ARMC5, ARSA, ARSB, ARSH, ASAH1, ASL, ATM, ATP13A2, BCL11B, BLM, BTB, CA5A, CARD11, CD247, CD27, CD3E, CD3G, CD40LG, CD8A, CFTR, CHIT1, CIITA, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CORO1A, CP2, CPS1, CPT1A, CPT2, CTNS, CTSA, CTSD, CTSF, CTSK, CYP11A1, CYP11B1, CYP17A1, CYP21A2, DCLRE1C, DECR1, DNMT3B, DOCK8, DUOX2, DUOXA2, EPG5, ETFA, ETFB, ETFDH, FOXE1, FOXN1, FUCA1, GAA, GALC, GALE, GALK1, GALNS, GALT, GBA, GFAP, GLA, GLB1, GLUD1, GM2A, GNAS, GNPTAB, GNPTG, GNS, GRN, GUSB, HADH, HADHA, HADHB, HBB, HESX1, HEXA, HEXB, HGSNAT, HMGCL, HMGCS2, HSD3B2, HYAL1, IDS, IDUA, IFNGR1, IGSF1, IKBKB, IL12RB1, IL2RA, IL2RG, IL7R, IRF8, ITGB2, ITK, JAK3, KCTD7, LAMP2, LAT, LCK, LIG4, LIPA, LRBA, MAGT1, MALT1, MAN2B1, MANBA, MAP3K14, MCOLN1, MFSD8, MLYCD, NADK2, NAGA, NAGLU, NAGS, NEU1, NHEJ1, NKX2-1, NKX2-5 , NPC1, NPC2, NSMCE3, OAT, ORAI1, OTC, OXCT1, PAH, PANK2, PARN, PAX8, PGM3, PIK3CD, PMS2, PNP, POLE, POLE2, POR, POU1F1, PPT1, PRKAR1A, PROP1, PSAP, PTPRC, RAG1, RAG1, RAG2, RAG2, RFX5, RFXANK, RFXAP, RHOH, RMRP, RTEL1, SECISBP2, SGSH, SH2D1A, SLC16A2, SLC17A5, SLC22A5, SLC25A13, SLC25A15, SLC25A20, SLC26A4, SLC52A1, SLC52A2, SLC52A3, SLC5A5, SLC7A7, SMARCAL1, SMPD1, SP110, SPINK5, STAR, STAT1, STAT2, STAT3, STAT5B, STIM1, STK4, SUMF1, TAP1, TAP2, TAPBP, TBX1, TG, THRA, THRB, TNFRSF4, TPO, TPP1, TSHB, TSHR, TYK2, UMPS, UNC119, WAS.</p>	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

67-010114-00	<p>Panel Ampliado de Enfermedades Hereditarias AAAS, ABCA12, ABCA3, ABCA4, ABCB11, ABCB4, ABCC2, ABCC8, ABCC9, ABCD1, ACAD9, ACADL, ACADM, ACADS, ACADVL, ACAT1, ACOX1, ACSL4, ACTA2, ACTC1, ACTN2, ADA, ADAMTS13, ADAMTS2, ADAMTS2L, ADCK3, AGL, AGPS, AGTR2, AHI1, AIPL1, AIRE, AKAP9, AKAP9, ALDH3A2, ALDH5A1, ALDH7A1, ALDOB, ALG1, ALG12, ALG2, ALG3, ALG6, ALG8, ALG9, ALMS1, ALPL, ALS2, AMACR, AMT, ANK1, ANK2, ANTXR2, AP3B1, APC, APP, APTX, AR, ARHGEF6, ARHGEF9, ARL6, ARSA, ARSB, ARSE, ARX, ASL, ASPA, ATLL1, ATM, ANK1, ANK2, ANTXR2, ATP2A2, ATP6VOA2, ATP7A, ATP7B, ATP8B1, ATR, ATRX, ATXN2, AUH, B4GALT1, BAG3, BCKDHA, BCKDHA, BCKDHB, BCOR, BCS1L, BEST1, BLM, BMPR1A, BRWD3, BSND, BTB, BTK, C10ORF2, CA2, CA4, CACNA1C, CACNB2, CALR3, CAPN3, CASK, CASP10, CASQ2, CAV3, CBS, CCDC39, CCDC40, CD19, CD247, CD3E, CD3G, CD40LG, CDH23, CDKL5, CEP290, CERKL, CFP, CFTR, CHAT, CHD7, CHEK2, CHM, CHRNA1, CHRNB1, CHRND, CHRNE, CHRNG, CLCN1, CLCN5, CLCN7, CLDN1, CLDN19, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CLRN1, CNGB1, COG1, COG7, COG8, COL11A1, COL11A2, COL17A1, COL1A1, COL1A2, COL2A1, COL3A1, COL4A1, COL4A3, COL4A4, COL4A5, COL5A1, COL5A2, COL6A1, COL6A2, COL6A3, COL7A1, COL9A1, COQ2, COQ9, COX10, COX15, COX6B1, CPS1, CPT1A, CPT2, CRB1, CRLF1, CRTAP, CRX, CSTB, CTNS, CTSB, CTSK, CUL4B, CYP11A1, CYP11B1, CYP17A1, CYP21A2, CYP27A1, CYP27B1, DBT, DCLRE1C, DCX, DDB2, DDC, DES, DFNBS9, DGUOK, DHCR24, DHCR7, DKC1, DLD, DLG3, DLL3, DMD, DMP1, DNAH11, DNAH5, DNAH9, DNAI1, DNAI2, DNM2, DNMT3B, DOCK8, DOK7, DOLK, DPAGT1, DPM1, DPYD, DSC2, DSP, DYNC2H1, DYSF, EDA, EDN3, EDNRB, EFEMP2, EFN1, EGR2, EIF2AK3, ELN, EMD, ENG, ENPP1, EPB42, EPM2A, ERBB3, ERCC2, ERCC3, ERCC4, ERCC5, ERCC6, ERCC8, ESCO2, ETFA, ETFB, ETFDH, ETHE1, EVC, EVC2, EXT1, EYA1, EYS, F11, F2, F8, F9, FAH, FAM126A, FAM20C, FANCA, FANCC, FANCF, FANCG, FAS, FASLG, FASTKD2, FBLN5, FBN1, FBXO7, FERMT3, FGA, FGD1, FGD4, FGFR1, FGFR3, FH, FKR, FKTN, FMO3, FOLR1, FOXG1, FOXL2, FOXN1, FOXP3, FRAS1, FREM2, FRG1, FRMD7, FSCN2, FTS1, FUCA1, FXN, G6PC, G6PC3, G6PD, GAA, GALT, GALK1, GALT, GAMT, GATA4, GBA, GBE1, GCDH, GCK, GDAP1, GDF5, GD11, GFM1, GJB2, GJB3, GJB6, GJC2, GLA, GLB1, GLDC, GLE1, GNE, GNPTAB, GNPTG, GNRHR, GPC3, GPR143, GPR98, GRIK2, GSS, GUCY2D, GUSB, HADH, HADHA, HADHB, HAMP, HAX1, HBA1, HBA2, HBB, HCN4, HESX1, HEXA, HEXB, HFE, HFE2, HGSNAT, HIBCH, HLCS, HMBS, HMGCL, HPD, HPT1, HR, HSD11B2, HSD17B10, HSD17B3, HSD17B4, HSD3B2, HSPG2, HUWE1, ICOS, IDS, IDUA, IFNGR1, IFNGR2, IFT80, IGHMBP2, IKBKAP, IL12B, IL12RB1, IL1RAPL1, IL1RN, IL2RG, INSR, INVS, IQCB1, ITGA6, ITGB4, IVD, JAG1, JAK3, JUP, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNH2, KCNJ1, KCNJ2, KCNQ1, KCNQ4, KDM5C, KIAA0196, KLHL7, KLKB1, KRAS, KRT14, KRT5, L1CAM, LAMA2, LAMA3, LAMB2, LAMB3, LAMC2, LARGE, LBR, LDB3, LEPRE1, LHCG, LHX3, LIFR, LIG4, LMNA, LMNA, LPL, LRAT, LRP2, LRPPRC, LRRK2, LYST, MAN2B1, MAPRE2, MAPT, MBTPS2, MC1R, MCCC1, MCCC2, MCOLN1, MECP2, MED12, MEFV, MEN1, MERTK, MFN2, MFS2D, MGAT2, MID1, MKS1, MLC1, MLH1, MMAP, MMAB, MMACHC, MOCS1, MOCS2,</p> <p>MOGS,MPDU1, MPI, MPL, MPV17, MPZ, MRPS16, MRPS22, MSH2, MTM1, MTRR, MUT, MVK, MYBPC3, MYD88, MYH11, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK, MYO5A, MYO7A, MYOZ2, NAGLU, NAGS, NBN, NDP, NDUFA1, NDUFA7, NDUFS3, NDUFS4, NDUFS5, NDUFS6, NDUFS7, NDUFS8, NDUFV1, NEB, NEU1, NEUROG3, NF1, NF2, NHEJ1, NHLRC1, NHS, NIPBL, NKX2-5, NLGN4X, NPC1, NPC2, NPHP1, NPHP3, NPHP4, NPHS1, NPHS2, NR2E3, NR5A1, NRAS, NSD1, NSUN2, NTRK1, NUDT19, NUP62, NXF5, OCA2, OCL, OFD1, OPA3, OPHN1, ORAI1, OSTM1, OTC, OXCT1, PAFAH1B1, PAH, PAK3, PANK2, PAX3, PAX6, PC, PCCA, PCCB, PCDH15, PCDH19, PDHA1, PDHX, PDP1, PDSS1, PDSS2, PEX1, PEX10, PEX12, PEX13, PEX14, PEX19, PEX26, PEX3, PEX5, PEX7, PINK1, PKD2, PKHD1, PKLR, PKP2, PLA2G6, PLCE1, PLDN, PLEC, PLEKHG5, PLG, PLOD1, PLP1, PMM2, PMP22, PNPO, POLG, POMGNT1, POMT1, POMT2, POR, POU1F1, PPT1, PQBP1, PRCD, PRF1, PRKAG2, PROM1, PROP1, PRPF31, PRPF8, PRPH2, PRPS1, PRSS12, PRX, PSAP, PSEN1, PSEN2, PTCH1, PTEN, PTH1R, PYGM, RAB23, RAB27A, RAB39B, RAB39C, RAB39D, RAB39E, RAB39F, RAB39G, RAB39H, RAB39I, RAB39J, RAB39K, RAB39L, RAB39M, RAB39N, RAB39O, RAB39P, RAB39Q, RAB39R, RAB39S, RAB39T, RAB39U, RAB39V, RAB39W, RAB39X, RAB39Y, RAB39Z, RAB39AA, RAB39AB, RAB39AC, RAB39AD, RAB39AE, RAB39AF, RAB39AG, RAB39AH, RAB39AI, RAB39AJ, RAB39AK, RAB39AL, RAB39AM, RAB39AN, RAB39AO, RAB39AP, RAB39AQ, RAB39AR, RAB39AS, RAB39AT, RAB39AU, RAB39AV, RAB39AW, RAB39AX, RAB39AY, RAB39AZ, RAB39BA, RAB39BB, RAB39BC, RAB39BD, RAB39BE, RAB39BF, RAB39BG, RAB39BH, RAB39BI, RAB39BJ, RAB39BK, RAB39BL, RAB39BM, RAB39BN, RAB39BO, RAB39BP, RAB39BQ, RAB39BR, RAB39BS, RAB39BT, RAB39BU, RAB39BV, RAB39BW, RAB39BX, RAB39BY, RAB39BZ, RAB39CA, RAB39CB, RAB39CC, RAB39CD, RAB39CE, RAB39CF, RAB39CG, RAB39CH, RAB39CI, RAB39CJ, RAB39CK, RAB39CL, RAB39CM, RAB39CN, RAB39CO, RAB39CP, RAB39CQ, RAB39CR, RAB39CS, RAB39CT, RAB39CU, RAB39CV, RAB39CW, RAB39CX, RAB39CY, RAB39CZ, RAB39DA, RAB39DB, RAB39DC, RAB39DD, RAB39DE, RAB39DF, RAB39DG, RAB39DH, RAB39DI, RAB39DJ, RAB39DK, RAB39DL, RAB39DM, RAB39DN, RAB39DO, RAB39DP, RAB39DQ, RAB39DR, RAB39DS, RAB39DT, RAB39DU, RAB39DV, RAB39DW, RAB39DX, RAB39DY, RAB39DZ, RAB39EA, RAB39EB, RAB39EC, RAB39ED, RAB39EE, RAB39EF, RAB39EG, RAB39EH, RAB39EI, RAB39EJ, RAB39EK, RAB39EL, RAB39EM, RAB39EN, RAB39EO, RAB39EP, RAB39EQ, RAB39ER, RAB39ES, RAB39ET, RAB39EU, RAB39EV, RAB39EW, RAB39EX, RAB39EY, RAB39EZ, RAB39FA, RAB39FB, RAB39FC, RAB39FD, RAB39FE, RAB39FF, RAB39FG, RAB39FH, RAB39FI, RAB39FJ, RAB39FK, RAB39FL, RAB39FM, RAB39FN, RAB39FO, RAB39FP, RAB39FQ, RAB39FR, RAB39FS, RAB39FT, RAB39FU, RAB39FV, RAB39FW, RAB39FX, RAB39FY, RAB39FZ, RAB39GA, RAB39GB, RAB39GC, RAB39GD, RAB39GE, RAB39GF, RAB39GG, RAB39GH, RAB39GI, RAB39GJ, RAB39GK, RAB39GL, RAB39GM, RAB39GN, RAB39GO, RAB39GP, RAB39GQ, RAB39GR, RAB39GS, RAB39GT, RAB39GU, RAB39GV, RAB39GW, RAB39GX, RAB39GY, RAB39GZ, RAB39HA, RAB39HB, RAB39HC, RAB39HD, RAB39HE, RAB39HF, RAB39HG, RAB39HH, RAB39HI, RAB39HJ, RAB39HK, RAB39HL, RAB39HM, RAB39HN, RAB39HO, RAB39HP, RAB39HQ, RAB39HR, RAB39HS, RAB39HT, RAB39HU, RAB39HV, RAB39HW, RAB39HX, RAB39HY, RAB39HZ, RAB39IA, RAB39IB, RAB39IC, RAB39ID, RAB39IE, RAB39IF, RAB39IG, RAB39IH, RAB39II, RAB39IJ, RAB39IK, RAB39IL, RAB39IM, RAB39IN, RAB39IO, RAB39IP, RAB39IQ, RAB39IR, RAB39IS, RAB39IT, RAB39IU, RAB39IV, RAB39IW, RAB39IX, RAB39IY, RAB39IZ, RAB39JA, RAB39JB, RAB39JC, RAB39JD, RAB39JE, RAB39JF, RAB39JG, RAB39JH, RAB39JI, RAB39JJ, RAB39JK, RAB39JL, RAB39JM, RAB39JN, RAB39JO, RAB39JP, RAB39JQ, RAB39JR, RAB39JS, RAB39JT, RAB39JU, RAB39JV, RAB39JW, RAB39JX, RAB39JY, RAB39JZ, RAB39KA, RAB39KB, RAB39KC, RAB39KD, RAB39KE, RAB39KF, RAB39KG, RAB39KH, RAB39KI, RAB39KJ, RAB39KK, RAB39KL, RAB39KM, RAB39KN, RAB39KO, RAB39KP, RAB39KQ, RAB39KR, RAB39KS, RAB39KT, RAB39KU, RAB39KV, RAB39KW, RAB39KX, RAB39KY, RAB39KZ, RAB39LA, RAB39LB, RAB39LC, RAB39LD, RAB39LE, RAB39LF, RAB39LG, RAB39LH, RAB39LI, RAB39LJ, RAB39LK, RAB39LL, RAB39LM, RAB39LN, RAB39LO, RAB39LP, RAB39LQ, RAB39LR, RAB39LS, RAB39LT, RAB39LU, RAB39LV, RAB39LW, RAB39LX, RAB39LY, RAB39LZ, RAB39MA, RAB39MB, RAB39MC, RAB39MD, RAB39ME, RAB39MF, RAB39MG, RAB39MH, RAB39MI, RAB39MJ, RAB39MK, RAB39ML, RAB39MM, RAB39MN, RAB39MO, RAB39MP, RAB39MQ, RAB39MR, RAB39MS, RAB39MT, RAB39MU, RAB39MV, RAB39MW, RAB39MX, RAB39MY, RAB39MZ, RAB39NA, RAB39NB, RAB39NC, RAB39ND, RAB39NE, RAB39NF, RAB39NG, RAB39NH, RAB39NI, RAB39NJ, RAB39NK, RAB39NL, RAB39NM, RAB39NO, RAB39NP, RAB39NQ, RAB39NR, RAB39NS, RAB39NT, RAB39NU, RAB39NV, RAB39NW, RAB39NX, RAB39NY, RAB39NZ, RAB39OA, RAB39OB, RAB39OC, RAB39OD, RAB39OE, RAB39OF, RAB39OG, RAB39OH, RAB39OI, RAB39OJ, RAB39OK, RAB39OL, RAB39OM, RAB39ON, RAB39OO, RAB39OP, RAB39OQ, RAB39OR, RAB39OS, RAB39OT, RAB39OU, RAB39OV, RAB39OW, RAB39OX, RAB39OY, RAB39OZ, RAB39PA, RAB39PB, RAB39PC, RAB39PD, RAB39PE, RAB39PF, RAB39PG, RAB39PH, RAB39PI, RAB39PJ, RAB39PK, RAB39PL, RAB39PM, RAB39PN, RAB39PO, RAB39PP, RAB39PQ, RAB39PR, RAB39PS, RAB39PT, RAB39PU, RAB39PV, RAB39PW, RAB39PX, RAB39PY, RAB39PZ, RAB39QA, RAB39QB, RAB39QC, RAB39QD, RAB39QE, RAB39QF, RAB39QG, RAB39QH, RAB39QI, RAB39QJ, RAB39QK, RAB39QL, RAB39QM, RAB39QN, RAB39QO, RAB39QP, RAB39QQ, RAB39QR, RAB39QS, RAB39QT, RAB39QU, RAB39QV, RAB39QW, RAB39QX, RAB39QY, RAB39QZ, RAB39RA, RAB39RB, RAB39RC, RAB39RD, RAB39RE, RAB39RF, RAB39RG, RAB39RH, RAB39RI, RAB39RJ, RAB39RK, RAB39RL, RAB39RM, RAB39RN, RAB39RO, RAB39RP, RAB39RQ, RAB39RR, RAB39RS, RAB39RT, RAB39RU, RAB39RV, RAB39RW, RAB39RX, RAB39RY, RAB39RZ, RAB39SA, RAB39SB, RAB39SC, RAB39SD, RAB39SE, RAB39SF, RAB39SG, RAB39SH, RAB39SI, RAB39SJ, RAB39SK, RAB39SL, RAB39SM, RAB39SN, RAB39SO, RAB39SP, RAB39SQ, RAB39SR, RAB39SS, RAB39ST, RAB39SU, RAB39SV, RAB39SW, RAB39SX, RAB39SY, RAB39SZ, RAB39TA, RAB39TB, RAB39TC, RAB39TD, RAB39TE, RAB39TF, RAB39TG, RAB39TH, RAB39TI, RAB39TJ, RAB39TK, RAB39TL, RAB39TM, RAB39TN, RAB39TO, RAB39TP, RAB39TQ, RAB39TR, RAB39TS, RAB39TT, RAB39TU, RAB39TV, RAB39TW, RAB39TX, RAB39TY, RAB39TZ, RAB39UA, RAB39UB, RAB39UC, RAB39UD, RAB39UE, RAB39UF, RAB39UG, RAB39UH, RAB39UI, RAB39UJ, RAB39UK, RAB39UL, RAB39UM, RAB39UN, RAB39UO, RAB39UP, RAB39UQ, RAB39UR, RAB39US, RAB39UT, RAB39UU, RAB39UV, RAB39UW, RAB39UX, RAB39UY, RAB39UZ, RAB39VA, RAB39VB, RAB39VC, RAB39VD, RAB39VE, RAB39VF, RAB39VG, RAB39VH, RAB39VI, RAB39VJ, RAB39VK, RAB39VL, RAB39VM, RAB39VN, RAB39VO, RAB39VP, RAB39VQ, RAB39VR, RAB39VS, RAB39VT, RAB39VU, RAB39VV, RAB39VW, RAB39VX, RAB39VY, RAB39VZ, RAB39WA, RAB39WB, RAB39WC, RAB39WD, RAB39WE, RAB39WF, RAB39WG, RAB39WH, RAB39WI, RAB39WJ, RAB39WK, RAB39WL, RAB39WM, RAB39WN, RAB39WO, RAB39WP, RAB39WQ, RAB39WR, RAB39WS, RAB39WT, RAB39WU, RAB39WV, RAB39WY, RAB39WZ, RAB39XA, RAB39XB, RAB39XC, RAB39XD, RAB39XE, RAB39XF, RAB39XG, RAB39XH, RAB39XI, RAB39XJ, RAB39XK, RAB39XL, RAB39XM, RAB39XN, RAB39XO, RAB39XP, RAB39XQ, RAB39XR, RAB39XS, RAB39XT, RAB39XU, RAB39XV, RAB39XW, RAB39XX, RAB39XY, RAB39XZ, RAB39YA, RAB39YB, RAB39YC, RAB39YD, RAB39YE, RAB39YF, RAB39YG, RAB39YH, RAB39YI, RAB39YJ, RAB39YK, RAB39YL, RAB39YM, RAB39YN, RAB39YO, RAB39YP, RAB39YQ, RAB39YR, RAB39YS, RAB39YT, RAB39YU, RAB39YV, RAB39YW, RAB39YX, RAB39YY, RAB39YZ, RAB39ZA, RAB39ZB, RAB39ZC, RAB39ZD, RAB39ZE, RAB39ZF, RAB39ZG, RAB39ZH, RAB39ZI, RAB39ZJ, RAB39ZK, RAB39ZL, RAB39ZM, RAB39ZN, RAB39ZO, RAB39ZP, RAB39ZQ, RAB39ZR, RAB39ZS, RAB39ZT, RAB39ZU, RAB39ZV, RAB39ZW, RAB39ZX, RAB39ZY, RAB39ZZ, ZNF41, ZNF469, ZNF674, ZNF711.</p>	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
--------------	--	----------	------	-----------	----------	-----------

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010063-00	Síndrome de Sotos (MLPA P064) - Cantidad de sondas: 3 - Región genómica: 5q35.3 NSD1 gene	MLPA	581	\$27.162	\$4.793	\$31.955
67-010115-00	Panel de Síndrome de Sotos ACTA2, AGTR1, AKT1, AKT2, AKT3, APC2, APC2, ASPA, B4GALT7, BMP6, CBS, CDKN1C, COL1A2, CTTNBP2, CUL4B, DCN, DHCR24, DIS3L2, DNMT3A, DPH1, EED, ELN, EZH1, EZH2, FBN1, FBN2, GCDH, GLI3, GNAQ, GPC3, GPC4, H19, HEPACAM, HERC1, IGFBP3, KCNJ6, KCNQ1 OT1, KPTN, KRAS, LTBP2, MED12, MMP2, MTOR, NF1, NFIA, NFIX, NFIX, NPR2, NRAS, NRK, NSD1, NUP98, OFD1, PDGFRB, PHF6, PHF6, PIGA, PIGN, PIK3CA, PIK3R2, PLXDC2, PNPLA8, PTCH1, PTEN, RAB39B, RIN2, RNF125, RNF135, SETD2, SETD2, SLC17A5, SPRED1, TBC1D7, TGFB1, TGFB1, TGFB2, UPF3B, UPF3B, WHSC1, WHSC1L1, XYLT2, ZFP36L1, ZNF496.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

ESTUDIOS DE FARMACOGENÉTICA

DICIEMBRE 2022 UB \$55,00						
Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010002-00	DPYD (Enzima DPD)	PCR-SEC	172	\$8.041	\$1.419	\$9.460
66-006281-00	HIV resistencia a retrovirales	RT-Nested PCR + SEC	400	\$22.000	\$0	\$0
66-006337-00	HLA-B 5701 Genotipo, Abacavir Hipersensibilidad, sangre	SSP - PCR LUMINEX	200	\$9.350	\$1.650	\$11.000
66-008450-00	Polimorfismo gen IL28B	PCR-RT	172	\$8.041	\$1.419	\$9.460

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

ESTUDIOS DE FERTILIDAD

DICIEMBRE 2022 UB \$55,00

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010003-00	AZF - microdeleciones cromosoma Y	PCR	240	\$11.220	\$1.980	\$13.200
66-004964-00	Fragmentación de ADN, Test de (Halosperm/Test de Tunel)		110	\$5.143	\$908	\$6.050
67-10188-00	Panel de Infertilidad Femenina BMP15, DIAPH2, DMC1, ESR1, FGFR1, FIGLA, FOXL2, FOXO3, FSHB, FSHR, GALT, GDF9, HFM1, KISS1R, LHB, LHCGR, LHX8, MCM8, MCM9, MSH4, NANOS3, NOBOX, NR5A1, PGRMC1, POF1B, PSMC3IP, REC8, SMC1B, SOHLH1, STAG3, SYCE1, AMH, AMHR2, CAPN10, DENND1A, FSHR, GDF9, LHCGR, SULT2A1, THADA, TUBB8, ZP1, PADI6, TLE6, F2, F5, MTHFR, PROC, PROS1, SERPINC1, SYCP3	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-10189-00	Panel de Infertilidad Masculina AR, FHSR, LHCGR, CATSPER1, CATSPER2, DNAH1, DNAH5, DNAI1, GALNTL5, SEPT12, SLC26A8, SUN5, ADGRG2, CFTR, PLCZ1, AZF, FGFR1, FSHB, HSF2, KAL1, KISS1R, KLHL10, LHB, NANOS1, NR5A1, SYCE1, SYCP3, TAF4B, TEX11, TEX15, USP9Y, ZMYND15, AURKC, DPY19L2, PICK1, SEPT12, SPATA16, SUN5, ZPBP	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

ESTUDIOS MICROBIOLÓGICOS

DICIEMBRE UB \$55,00						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-002009-00	Acanthamoeba	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-002446-00	Adenovirus	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-002743-00	Antígenos virales - Panel de diarreicos	PCR	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-002745-00	Antígenos Virales - Panel de respiratorio básico (Influenza A- B/Parainfluenza 1-2-3 /Sincicial respiratorio A-B/ Adenovirus).	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-002749-00	Antígenos Virales - Panel de respiratorio extendido (Sincicial respiratorio A-B/ Adenovirus/Rinovirus Humanos/Mycoplasma pneumoniae/Metapneumovirus humano / Bocavirus humano /).	PCR	180	\$8.415	\$1.485	\$9.900
66-002739-00	Antígenos-Panel Ginecologico Chamydia trachomatis/ Mycoplasma hominis/ Mycoplasma genitalium/ Ureaplasma urealyticum/ Neisseria gonorrhoeae).	PCR	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-003120-00	Bordetella pertusis	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-003581-00	Chagas	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-003582-00	Chikunguya, virus	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-003591-00	Chlamydia pneumoniae	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-003609-00	Chlamydia psitacci	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-003649-00	Chlamydia trachomatis	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-003720-00	Citomegalovirus, DNA Carga Viral (CMV-DNA carga viral)	PCR-RT	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-003722-01	Citomegalovirus, DNA por PCR (CMV-DNA por PCR)	PCR	70	\$3.273	\$578	\$3.850
66-004369-00	Dengue	PCR	110	\$5.143	\$908	\$6.050
67-010001-00	Determinación Viroológica en taco de parafina	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-004691-00	Enterovirus	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-004717-00	Epstein Baar, detección cuantitativa	PCR-RT	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

66-004728-00	Epstein Baar	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-004738-00	Escherichia coli - Enteropatógena	PCR	95	\$4.441	\$784	\$5.225
66-005931-00	Hepatitis B, DNA viral (HBV-DNA) (PCR - Cualitativo)	PCR	80	\$3.740	\$660	\$4.400
66-005914-00	Hepatitis B, Carga viral	PCR-RT	185	\$8.649	\$1.526	\$10.175
66-005956-00	Hepatitis C, Carga viral	PCR-RT	185	\$8.649	\$1.526	\$10.175
66-005965-00	Hepatitis C, Genotipificación	PCR-RT LIPA	135	\$6.311	\$1.114	\$7.425
66-006011-00	Hepatitis E	PCR	125	\$5.844	\$1.031	\$6.875
66-006037-00	Herpes Simplex, 1 / 2	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-006038-00	Herpes Simplex, 1 / 2 – Tipificación	PCR-RT	130	\$6.078	\$1.073	\$7.150
66-006120-00	Herpes Virus 8	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-001105-00	HIV, Carga viral	PCR-RT	160	\$8.800	\$0	\$8.800
66-006572-00	Identificación microbiológica por PCR	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-006728-00	Influenza A, Antígenos (Ags) -Material hisopado nasal/faríngeo/aspirados	PCR	95	\$4.441	\$784	\$5.225
66-006978-00	Leishmania	PCR	95	\$4.441	\$784	\$5.225
66-007242-00	Listeria	PCR	80	\$3.740	\$660	\$4.400
66-007440-00	Metapneumovirus Humano, Ag (hMPV)	PCR	95	\$4.441	\$784	\$5.225
66-007648-00	Mycobacterium Complex	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-007660-00	Mycobacteria atípica	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-007669-00	Mycobacteria tuberculosis, DNA	PCR	70	\$3.273	\$578	\$3.850
66-007736-00	Mycoplasma pneumoniae	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
66-008009-00	Papiloma Virus Humano HPV (carga viral)	PCR	160	\$7.480	\$1.320	\$8.800
66-008011-00	Papiloma Virus Humano HPV (genotipificación)	PCR-RT	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-008241-00	Parvovirus B19	PCR	131	\$6.124	\$1.081	\$7.205
66-008463-00	Poliomavirus BK, Carga viral - sangre u orina	PCR-RT	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-008466-00	Poliomavirus JC, Carga viral -sangre u orina	PCR-RT	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-008467-00	Poliomavirus JC, LCR	PCR	106	\$4.956	\$875	\$5.830
66-009591-00	Toxoplasmosis	PCR	70	\$3.273	\$578	\$3.850
66-009834-00	Varicela zoster, DNA	PCR	70	\$3.273	\$578	\$3.850
66-006100-00	Virus Herpes 6 Humano, Carga viral	PCR-RT	150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
66-009978-00	Zika, virus	PCR	100	\$4.675	\$825	\$5.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA**ONCOLOGÍA****ESTUDIOS ONCOLOGICOS (NO HEMATOLÓGICOS)**

DICIEMBRE UB \$55,00						
Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010068-00	APC, MUTYH para Poliposis Adenomatosa Familiar	NGS	1204	\$56.287	\$9.933	\$66.220
67-010116-00	ALK	F.I.S.H	320	\$14.960	\$2.640	\$17.600
67-010104-00	ATM	F.I.S.H	410,00	\$19.168	\$3.383	\$22.550
67-010070-00	BRAF (V600)	PCR-RT	381	\$17.812	\$3.143	\$20.955
66-003143-00	BRCA 1 BRCA 2, Secuenciación completa por Illumina y corroboración por Sanger	Secuenciación por Illumina + Sanger	1386	\$64.796	\$11.435	\$76.230
67-010071-00	BRCA1 (Ca de mama hereditario) (MLPA P002) - Cantidad de sondas: 35 - Región genómica: 24 exones del gen BRCA1	MLPA	1280	\$59.840	\$10.560	\$70.400
66-003147-00	BRCA1/BRCA2 (Panel de Ashkenazi-Sefaradi)	Secuenciación por Sanger	450	\$21.038	\$3.713	\$24.750
66-003145-00	BRCA1/BRCA2 Screening (Panel de Ashkenazi)	Secuenciación por Sanger	375	\$17.531	\$3.094	\$20.625
67-010072-00	Cancer de Colon - Inestabilidad de microsatélites (MSI) PCR multiples de 8 microsatélites: D2S123, D5S346, D17S250, NR-21, NR-24, BAT-25, BAT-26, Mono-27.	Electroforesis capilar	159	\$7.433	\$1.312	\$8.745
67-010117-00	Cancer de Colon - Inestabilidad de microsatélites (Síndrome de Lynch)	PCR	1100	\$51.425	\$9.075	\$60.500
67-010075-00	Cancer de colon (MLPA ME011) Metilación en los genes MLH1 y MSH2	MLPA	159	\$7.433	\$1.312	\$8.745
67-010073-00	Cancer de colon hereditario:FAP (MLPA P043) - Cantidad de sondas: 39 - Región Genómica: gene APC	MLPA	1450	\$67.788	\$11.963	\$79.750
67-010074-00	Cancer de colon hereditario:HNPCC (MLPA P003) - Cantidad de sondas: 46 - Región Genómica: genes MSH1 y MSH2	MLPA	1450	\$67.788	\$11.963	\$79.750
67-010076-00	Cancer de Colon, Detecciones de delecciones/duplicaciones en genes MMR (MLPA P003)	MLPA	227	\$10.612	\$1.873	\$12.485
67-010095-00	Cancer de colon (Detección de cambio en número de copias y metilación aberrante) - Región Genómica:mlh1, msh2, msh3, pms2, mgmt, mlh4	MS-MLPA	1300	\$60.775	\$10.725	\$71.500
67-010077-00	CDH1 (exón 2 al 16)	PCR-SEC	1272	\$59.466	\$10.494	\$69.960
67-010078-00	CDH1 (mutación familiar)	PCR-SEC	636	\$29.733	\$5.247	\$34.980
67-010079-00	CDKN2A (P16)	PCR-SEC	1136	\$53.108	\$9.372	\$62.480
67-010080-00	CH1 (exón 2 al 16)	PCR-SEC	1272	\$59.466	\$10.494	\$69.960
67-010081-00	CHEK 2 (CHECK*1100delC)	PCR-SEC	181	\$8.462	\$1.493	\$9.955
67-010118-00	CKIT (exónes 9,11,13 y 17)	PCR-SEC	650	\$30.388	\$5.363	\$35.750
67-010083-00	C-MYC t(8;14)	F.I.S.H	410	\$19.168	\$3.383	\$22.550

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010054-00	N-MYC (2p23-24)		193	\$9.023	\$1.592	\$10.615
67-010119-00	Deleción 1p/19q	PCR	827,25	\$38.674	\$6.825	\$45.499
67-010084-00	EGFR (exón 19 y 20)	PCR-SEC	501	\$23.422	\$4.133	\$27.555
67-010211-00	ErbB2 (HER 2) (exón 20)	PCR-SEC	250	\$11.688	\$2.063	\$13.750
66-006028-00	ErbB2 (HER 2) (exón 19 y 20)	PCR-SEC	418	\$19.542	\$3.449	\$22.990
67-010120-00	IDH 1/2, exón 4	Secuenciación por Sanger	581	\$27.162	\$4.793	\$31.955
67-010086-00	KRAS (exones 2 , 3 y 4)	PCR-SEC	350	\$16.363	\$2.888	\$19.250
67-010087-00	MEN2A (Cancer medular de tiroides) (PCR/RFLP) - Región genómica: Exón 11 protoncogén ret	PCR-RFLP	581	\$27.162	\$4.793	\$31.955
67-010121-00	Metilación del promotor del gen MGMT	PCR	1063	\$49.695	\$8.770	\$58.465
67-010167-00	Neuroblastoma PHOX2B		220	\$1.029	\$182	\$1.210
67-010088-00	NRAS (exones 2 , 3 y 4)	PCR-SEC	477	\$22.300	\$3.935	\$26.235
67-010100-00	Panel de 16 genes para Cáncer Hereditario. Incluye: APC, MUTYH, BRCA1, BRCA2, CDH1, EPCAM, PMS2, MLH1, MSH2, MSH6, MEN1, PTEN, RB1, RET, TP53, VHL.	NGS	1204	\$56.287	\$9.933	\$66.220
67-010101-00	Panel de 69 genes para Cáncer Hereditario. Incluye: TP53, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH, PMS2, PTEN, BRCA1, BRCA2, ATM, APC, CDH1, CHEK2, MUTYH, NBN, PALB2, STK11, VHL, CDK4, CDKN2A, NF1, POLD1, BAP1, BARD1, BMPR1A, BRIP1, HOXB13, MITF, POLE, RAD51C, RED51D, RB1, SMAD4, , TSC1, TSC2, FH, FLCN, MEN1, MET, RET, SDHB, SDHC, SDHC, ALK, DICER1, FANCC, GREM1, MRE11A, NF2, POT1, PTCH1, RAD50, SMARCA4, AIP, AXIN2, BLM,GALNT12, MAX, NTHL1, PHOX2B, PRKAR1A, RECQL, SCG5/GREM1, SDHA, SDHAF2, SMARCB1, SUFU, TMEM127, WT1.	NGS	1477	\$69.050	\$12.185	\$81.235
67-010122-00	Panel de 88 genes para Cáncer Hereditario. ABL1, BRCA2, EGFR, FANCA, FOXL2, JAK3, MTOR, PIK3CA, SMAD4, AKT1, CCND1, ERBB2, FANCC, GNA11, KDR, MYC, PIK3R1, SMARCB1, AKT3, CDH1, ERBB3, FANCF, GNAQ, KIT, MYCN, PPARG, SMO, ALK, CDK4, ERBB4, FANCG, GNAS, KRAS, NOTCH1, PTEN, SRC, APC, CDK6, ERG, FBXW7, HNF1A, MAP2K1, NPM1, PTPN11, STK11, AR, CDKN2A, ESR1, FGFR1, HRAS, MAP2K2, < NRAS, RAF1, TP53, ATM, CEBPA, ETV1, FGFR2, IDH1, MAP2K4, NTRK1, RB1, VHL, AXL, CSF1R, ETV4, FGFR3, IDH2, MET, NTRK2, RET, WT1, BRAF, CTNNB1, ETV5, FGFR4, JAK1, MLH1, NTRK3, ROS1, BRCA1, DDR2, EZH2, FLT3, JAK2, MPL, PDGFRA, RUNX1.	NGS	1727	\$80.737	\$14.248	\$94.985
	ABL1 ABL2 ACVR2A ADAMTS20 AFF1 AFF3 AKAP9 AKT1 AKT2 AKT3 ALK APC AR ARID1A ARID2 ARNT ASXL1 ATF1 ATM ATR ATRX AURKA AURKB AURKC AXL BAI3 BAP1 BCL10 BCL11A BCL11B BCL2 BCL2L1 BCL2L2 BCL3 BCL6 BCL9 BCR BIRC2 BIRC3 BIRC5 BLM BLNK BMPR1A BRAF BRIP1 BRIS1 BRIS2 BRIS3 BRIS4 BRIS5 BRIS6 BRIS7 BRIS8 BRIS9 BRIS10 BRIS11 BRIS12 BRIS13 BRIS14 BRIS15 BRIS16 BRIS17 BRIS18 BRIS19 BRIS20 BRIS21 BRIS22 BRIS23 BRIS24 BRIS25 BRIS26 BRIS27 BRIS28 BRIS29 BRIS30 BRIS31 BRIS32 BRIS33 BRIS34 BRIS35 BRIS36 BRIS37 BRIS38 BRIS39 BRIS40 BRIS41 BRIS42 BRIS43 BRIS44 BRIS45 BRIS46 BRIS47 BRIS48 BRIS49 BRIS50 BRIS51 BRIS52 BRIS53 BRIS54 BRIS55 BRIS56 BRIS57 BRIS58 BRIS59 BRIS60 BRIS61 BRIS62 BRIS63 BRIS64 BRIS65 BRIS66 BRIS67 BRIS68 BRIS69 BRIS70 BRIS71 BRIS72 BRIS73 BRIS74 BRIS75 BRIS76 BRIS77 BRIS78 BRIS79 BRIS80 BRIS81 BRIS82 BRIS83 BRIS84 BRIS85 BRIS86 BRIS87 BRIS88 BRIS89 BRIS90 BRIS91 BRIS92 BRIS93 BRIS94 BRIS95 BRIS96 BRIS97 BRIS98 BRIS99 BRIS100 BRIS101 BRIS102 BRIS103 BRIS104 BRIS105 BRIS106 BRIS107 BRIS108 BRIS109 BRIS110 BRIS111 BRIS112 BRIS113 BRIS114 BRIS115 BRIS116 BRIS117 BRIS118 BRIS119 BRIS120 BRIS121 BRIS122 BRIS123 BRIS124 BRIS125 BRIS126 BRIS127 BRIS128 BRIS129 BRIS130 BRIS131 BRIS132 BRIS133 BRIS134 BRIS135 BRIS136 BRIS137 BRIS138 BRIS139 BRIS140 BRIS141 BRIS142 BRIS143 BRIS144 BRIS145 BRIS146 BRIS147 BRIS148 BRIS149 BRIS150 BRIS151 BRIS152 BRIS153 BRIS154 BRIS155 BRIS156 BRIS157 BRIS158 BRIS159 BRIS160 BRIS161 BRIS162 BRIS163 BRIS164 BRIS165 BRIS166 BRIS167 BRIS168 BRIS169 BRIS170 BRIS171 BRIS172 BRIS173 BRIS174 BRIS175 BRIS176 BRIS177 BRIS178 BRIS179 BRIS180 BRIS181 BRIS182 BRIS183 BRIS184 BRIS185 BRIS186 BRIS187 BRIS188 BRIS189 BRIS190 BRIS191 BRIS192 BRIS193 BRIS194 BRIS195 BRIS196 BRIS197 BRIS198 BRIS199 BRIS200 BRIS201 BRIS202 BRIS203 BRIS204 BRIS205 BRIS206 BRIS207 BRIS208 BRIS209 BRIS210 BRIS211 BRIS212 BRIS213 BRIS214 BRIS215 BRIS216 BRIS217 BRIS218 BRIS219 BRIS220 BRIS221 BRIS222 BRIS223 BRIS224 BRIS225 BRIS226 BRIS227 BRIS228 BRIS229 BRIS230 BRIS231 BRIS232 BRIS233 BRIS234 BRIS235 BRIS236 BRIS237 BRIS238 BRIS239 BRIS240 BRIS241 BRIS242 BRIS243 BRIS244 BRIS245 BRIS246 BRIS247 BRIS248 BRIS249 BRIS250 BRIS251 BRIS252 BRIS253 BRIS254 BRIS255 BRIS256 BRIS257 BRIS258 BRIS259 BRIS260 BRIS261 BRIS262 BRIS263 BRIS264 BRIS265 BRIS266 BRIS267 BRIS268 BRIS269 BRIS270 BRIS271 BRIS272 BRIS273 BRIS274 BRIS275 BRIS276 BRIS277 BRIS278 BRIS279 BRIS280 BRIS281 BRIS282 BRIS283 BRIS284 BRIS285 BRIS286 BRIS287 BRIS288 BRIS289 BRIS290 BRIS291 BRIS292 BRIS293 BRIS294 BRIS295 BRIS296 BRIS297 BRIS298 BRIS299 BRIS300 BRIS301 BRIS302 BRIS303 BRIS304 BRIS305 BRIS306 BRIS307 BRIS308 BRIS309 BRIS310 BRIS311 BRIS312 BRIS313 BRIS314 BRIS315 BRIS316 BRIS317 BRIS318 BRIS319 BRIS320 BRIS321 BRIS322 BRIS323 BRIS324 BRIS325 BRIS326 BRIS327 BRIS328 BRIS329 BRIS330 BRIS331 BRIS332 BRIS333 BRIS334 BRIS335 BRIS336 BRIS337 BRIS338 BRIS339 BRIS340 BRIS341 BRIS342 BRIS343 BRIS344 BRIS345 BRIS346 BRIS347 BRIS348 BRIS349 BRIS350 BRIS351 BRIS352 BRIS353 BRIS354 BRIS355 BRIS356 BRIS357 BRIS358 BRIS359 BRIS360 BRIS361 BRIS362 BRIS363 BRIS364 BRIS365 BRIS366 BRIS367 BRIS368 BRIS369 BRIS370 BRIS371 BRIS372 BRIS373 BRIS374 BRIS375 BRIS376 BRIS377 BRIS378 BRIS379 BRIS380 BRIS381 BRIS382 BRIS383 BRIS384 BRIS385 BRIS386 BRIS387 BRIS388 BRIS389 BRIS390 BRIS391 BRIS392 BRIS393 BRIS394 BRIS395 BRIS396 BRIS397 BRIS398 BRIS399 BRIS400 BRIS401 BRIS402 BRIS403 BRIS404 BRIS405 BRIS406 BRIS407 BRIS408 BRIS409 BRIS410 BRIS411 BRIS412 BRIS413 BRIS414 BRIS415 BRIS416 BRIS417 BRIS418 BRIS419 BRIS420 BRIS421 BRIS422 BRIS423 BRIS424 BRIS425 BRIS426 BRIS427 BRIS428 BRIS429 BRIS430 BRIS431 BRIS432 BRIS433 BRIS434 BRIS435 BRIS436 BRIS437 BRIS438 BRIS439 BRIS440 BRIS441 BRIS442 BRIS443 BRIS444 BRIS445 BRIS446 BRIS447 BRIS448 BRIS449 BRIS450 BRIS451 BRIS452 BRIS453 BRIS454 BRIS455 BRIS456 BRIS457 BRIS458 BRIS459 BRIS460 BRIS461 BRIS462 BRIS463 BRIS464 BRIS465 BRIS466 BRIS467 BRIS468 BRIS469 BRIS470 BRIS471 BRIS472 BRIS473 BRIS474 BRIS475 BRIS476 BRIS477 BRIS478 BRIS479 BRIS480 BRIS481 BRIS482 BRIS483 BRIS484 BRIS485 BRIS486 BRIS487 BRIS488 BRIS489 BRIS490 BRIS491 BRIS492 BRIS493 BRIS494 BRIS495 BRIS496 BRIS497 BRIS498 BRIS499 BRIS500 BRIS501 BRIS502 BRIS503 BRIS504 BRIS505 BRIS506 BRIS507 BRIS508 BRIS509 BRIS510 BRIS511 BRIS512 BRIS513 BRIS514 BRIS515 BRIS516 BRIS517 BRIS518 BRIS519 BRIS520 BRIS521 BRIS522 BRIS523 BRIS524 BRIS525 BRIS526 BRIS527 BRIS528 BRIS529 BRIS530 BRIS531 BRIS532 BRIS533 BRIS534 BRIS535 BRIS536 BRIS537 BRIS538 BRIS539 BRIS540 BRIS541 BRIS542 BRIS543 BRIS544 BRIS545 BRIS546 BRIS547 BRIS548 BRIS549 BRIS550 BRIS551 BRIS552 BRIS553 BRIS554 BRIS555 BRIS556 BRIS557 BRIS558 BRIS559 BRIS560 BRIS561 BRIS562 BRIS563 BRIS564 BRIS565 BRIS566 BRIS567 BRIS568 BRIS569 BRIS570 BRIS571 BRIS572 BRIS573 BRIS574 BRIS575 BRIS576 BRIS577 BRIS578 BRIS579 BRIS580 BRIS581 BRIS582 BRIS583 BRIS584 BRIS585 BRIS586 BRIS587 BRIS588 BRIS589 BRIS590 BRIS591 BRIS592 BRIS593 BRIS594 BRIS595 BRIS596 BRIS597 BRIS598 BRIS599 BRIS600 BRIS601 BRIS602 BRIS603 BRIS604 BRIS605 BRIS606 BRIS607 BRIS608 BRIS609 BRIS610 BRIS611 BRIS612 BRIS613 BRIS614 BRIS615 BRIS616 BRIS617 BRIS618 BRIS619 BRIS620 BRIS621 BRIS622 BRIS623 BRIS624 BRIS625 BRIS626 BRIS627 BRIS628 BRIS629 BRIS630 BRIS631 BRIS632 BRIS633 BRIS634 BRIS635 BRIS636 BRIS637 BRIS638 BRIS639 BRIS640 BRIS641 BRIS642 BRIS643 BRIS644 BRIS645 BRIS646 BRIS647 BRIS648 BRIS649 BRIS650 BRIS651 BRIS652 BRIS653 BRIS654 BRIS655 BRIS656 BRIS657 BRIS658 BRIS659 BRIS660 BRIS661 BRIS662 BRIS663 BRIS664 BRIS665 BRIS666 BRIS667 BRIS668 BRIS669 BRIS670 BRIS671 BRIS672 BRIS673 BRIS674 BRIS675 BRIS676 BRIS677 BRIS678 BRIS679 BRIS680 BRIS681 BRIS682 BRIS683 BRIS684 BRIS685 BRIS686 BRIS687 BRIS688 BRIS689 BRIS690 BRIS691 BRIS692 BRIS693 BRIS694 BRIS695 BRIS696 BRIS697 BRIS698 BRIS699 BRIS700 BRIS701 BRIS702 BRIS703 BRIS704 BRIS705 BRIS706 BRIS707 BRIS708 BRIS709 BRIS710 BRIS711 BRIS712 BRIS713 BRIS714 BRIS715 BRIS716 BRIS717 BRIS718 BRIS719 BRIS720 BRIS721 BRIS722 BRIS723 BRIS724 BRIS725 BRIS726 BRIS727 BRIS728 BRIS729 BRIS730 BRIS731 BRIS732 BRIS733 BRIS734 BRIS735 BRIS736 BRIS737 BRIS738 BRIS739 BRIS740 BRIS741 BRIS742 BRIS743 BRIS744 BRIS745 BRIS746 BRIS747 BRIS748 BRIS749 BRIS750 BRIS751 BRIS752 BRIS753 BRIS754 BRIS755 BRIS756 BRIS757 BRIS758 BRIS759 BRIS760 BRIS761 BRIS762 BRIS763 BRIS764 BRIS765 BRIS766 BRIS767 BRIS768 BRIS769 BRIS770 BRIS771 BRIS772 BRIS773 BRIS774 BRIS775 BRIS776 BRIS777 BRIS778 BRIS779 BRIS780 BRIS781 BRIS782 BRIS783 BRIS784 BRIS785 BRIS786 BRIS787 BRIS788 BRIS789 BRIS790 BRIS791 BRIS792 BRIS793 BRIS794 BRIS795 BRIS796 BRIS797 BRIS798 BRIS799 BRIS800 BRIS801 BRIS802 BRIS803 BRIS804 BRIS805 BRIS806 BRIS807 BRIS808 BRIS809 BRIS810 BRIS811 BRIS812 BRIS813 BRIS814 BRIS815 BRIS816 BRIS817 BRIS818 BRIS819 BRIS820 BRIS821 BRIS822 BRIS823 BRIS824 BRIS825 BRIS826 BRIS827 BRIS828 BRIS829 BRIS830 BRIS831 BRIS832 BRIS833 BRIS834 BRIS835 BRIS836 BRIS837 BRIS838 BRIS839 BRIS840 BRIS841 BRIS842 BRIS843 BRIS844 BRIS845 BRIS846 BRIS847 BRIS848 BRIS849 BRIS850 BRIS851 BRIS852 BRIS853 BRIS854 BRIS855 BRIS856 BRIS857 BRIS858 BRIS859 BRIS860 BRIS861 BRIS862 BRIS863 BRIS864 BRIS865 BRIS866 BRIS867 BRIS868 BRIS869 BRIS870 BRIS871 BRIS872 BRIS873 BRIS874 BRIS875 BRIS876 BRIS877 BRIS878 BRIS879 BRIS880 BRIS881 BRIS882 BRIS883 BRIS884 BRIS885 BRIS886 BRIS887 BRIS888 BRIS889 BRIS890 BRIS891 BRIS892 BRIS893 BRIS894 BRIS895 BRIS896 BRIS897 BRIS898 BRIS899 BRIS900 BRIS901 BRIS902 BRIS903 BRIS904 BRIS905 BRIS906 BRIS907 BRIS908 BRIS909 BRIS910 BRIS911 BRIS912 BRIS913 BRIS914 BRIS915 BRIS916 BRIS917 BRIS918 BRIS919 BRIS920 BRIS921 BRIS922 BRIS923 BRIS924 BRIS925 BRIS926 BRIS927 BRIS928 BRIS929 BRIS930 BRIS931 BRIS932 BRIS933 BRIS934 BRIS935 BRIS936 BRIS937 BRIS938 BRIS939 BRIS940 BRIS941 BRIS942 BRIS943 BRIS944 BRIS945 BRIS946 BRIS947 BRIS948 BRIS949 BRIS950 BRIS951 BRIS952 BRIS953 BRIS954 BRIS955 BRIS956 BRIS957 BRIS958 BRIS959 BRIS960 BRIS961 BRIS962 BRIS963 BRIS964 BRIS965 BRIS966 BRIS967 BRIS968 BRIS969 BRIS970 BRIS971 BRIS972 BRIS973 BRIS974 BRIS975 BRIS976 BRIS977 BRIS978 BRIS979 BRIS980 BRIS981 BRIS982 BRIS983 BRIS984 BRIS985 BRIS986 BRIS987 BRIS988 BRIS989 BRIS990 BRIS991 BRIS992 BRIS993 BRIS994 BRIS995 BRIS996 BRIS997 BRIS998 BRIS999 BRIS1000					

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010123-00	BRK3 BRIP1 BTK BUB1B CARD11 CASCS CBL CCND1 CCND2 CCNE1 CD79A CD79B CDC73 CDH1 CDH11 CDH2 CDH20 CDH5 CDK12 CDK4 CDK6 CDK8 CDKN2A CDKN2B CDKN2C CEBPA CHEK1 CHEK2 CIC CKS1B CMPK1 COL1A1 CRBN CREB1 CREBBP CRKL CRTC1 CSF1R CSMD3 CTNNA1 CTNNB1 CYLD CYP2C19 CYP2D6 DAXX DCC DDB2 DDI3 DDR2 DEK DICER1 DNMT3A DPYD DST EGFR EML4 EP300 EP400 EPHA3 EPHA7 EPHB1 EPHB4 EPHB6 ERBB2 ERBB3 ERBB4 ERCC1 ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERG ESR1 ETS1 ETV1 ETV4 EXT1 EXT2 EZH2 FAM123B FANCA FANCC FANCD2 FANCF FANCG FAS FBXW7 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FGFR4 FH FLCN FLI1 FLT1 FLT3 FLT4 FN1 FOXL2 FOXO1 FOXO3 FOXP1 FOXP4 FZR1 G6PD GATA1 GATA2 GATA3 GDNF GNA11 GNAQ GNAS GPR124 GRM8 GUCY1A2 HCAR1 HIF1A HLF HNF1A HOOK3 HRAS HSP90AA1 HSP90AB1 ICK IDH1 IDH2 IGF1R IGF2 IGF2R IKBKB IKBKE IKZF1 IL2 IL21R IL6ST IL7R ING4 IRF4 IRS2 ITGA10 ITGA9 ITGB2 ITGB3 JAK1 JAK2 JAK3 JUN KAT6A KAT6B KDM5C KDM6A KDR KEAP1 KIT KLF6 KRAS LAMP1 LCK LIFR LPHN3 POT1 LPP LRP1B LTF LTK MAF MAFB MAGEA1 MAGI1 MALT1 MAML2 MAP2K1 MAP2K2 MAP2K4 MAP3K7 MAPK1 MAPK8 MARK1 MARK4 MBD1 MCL1 MDM2 MDM4 MEN1 MET MITF MLH1 MLL MLL2 MLL3 MLLT10 MMP2 MN1 MPL MRE11A MSH2 MSH6 MTOR MTR MTRR MUC1 MUTYH MYB MYC MYCL1 MYCN MYD88 MYH11 MYH9 NBN NCOA1 NCOA2 NCOA4 NF1 NF2 NFE2L2 NFKB1 NFKB2 NIN NKX2-1 NLRP1 NOTCH1 NOTCH2 NOTCH4 NPM1 NRAS NSD1 NTRK1 NTRK3 NUMA1 NUP214 NUP98 PAK3 PALB2 PARP1 PAX3 PAX5 PAX7 PAX8 PBRM1 PBX1 PDE4DIP PDGFB PDGFRA PDGFRB PER1 PGAP3 PHOX2B PIK3C2B PIK3CA PIK3CB PIK3CD PIK3CG PIK3R1 PIK3R2 PIM1 PKHD1 PLAG1 PLCG1 PLEKHG5 PML PMS1 PMS2 POU5F1 PPARG PPP2R1A PRDM1 PRKAR1A PRKDC PSIP1 PTCH1 PTEN PTGS2 PTPN11 PTPRD PTPRT RAD50 RAF1 RALGDS RARA RB1 RECQL4 REL RET RHOH RNASEL RNF2 RNF213 ROS1 RPS6KA2 RRM1 RUNX1 RUNX1T1 SAMD9 SBDS SDHA SDHB SDHC SDHD SEPT9 SETD2 SF3B1 SGK1 SH2D1A SMAD2 SMAD4 SMARCA4 SMARCB1 SMO SMUG1 SOCS1 SOX11 SOX2 SRC SSX1 STK11 STK36 SUFU SYK SYNE1 TAF1 TAF1L TAL1 TBX22 TCF12 TCF3 TCF7L1 TCF7L2 TCL1A TET1 TET2 TFE3 TGFB2 TGM7 THBS1 TIMP3 TLR4 TLX1 TNFAIP3 TNFRSF14 TNK2 TOP1 TP53 TPR TRIM24 TRIM33 TRIP11 TRRAP TSC1 TSC2 TSHR UBR5 UGT1A1 USP9X VHL WAS WHSC1 WRN WT1 XPA XPC	NGS	2377	\$111.125	\$19.610	\$130.735
67-010124-00	Panel para estudio de GIST Incluye: - Ckit - PDGFRA	PCR-SEC	700	\$32.725	\$5.775	\$38.500
67-010125-00	PDGFR (exones 12,14,18)	Secuenciación de Sanger	1204	\$56.287	\$9.933	\$66.220
67-010089-00	PDGFR-Alfa (estudio de eosinoflias)	PCR-SEC	309	\$14.446	\$2.549	\$16.995
67-010090-00	PDGFR-Beta (estudio de leucemias mielomonocíticas crónicas)	PCR-SEC	309	\$14.446	\$2.549	\$16.995
67-010091-00	PTEN (Ca Escamoso)	PCR-SEC	1250	\$58.438	\$10.313	\$68.750
67-010092-00	Reordenamiento del gen P53 (17P13.1)	F.I.S.H	363	\$16.970	\$2.995	\$19.965
67-010043-00	Reordenamiento del gen RB1-13 (Q14)	F.I.S.H	410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
67-010093-00	RET (8,10,11,13 al 16)	PCR-SEC	727	\$33.987	\$5.998	\$39.985
67-010094-00	TP53 (secuenciación gen completo)	NGS	1204	\$56.287	\$9.933	\$66.220
67-010126-00	TP53 (exón 4,5,6,7,8)	PCR-SEC	568,2	\$26.563	\$4.688	\$31.251
67-010212-00	Translocación PAX3 de Radomiosarcoma		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010213-00	Translocación PAX7 de Radomiosarcoma		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010214-00	Translocación EWS-FLI1 de Sarcoma de Ewing		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010215-00	Translocación EWS-ERG de Sarcoma de Ewing		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010208-00	BRCA 1, CHEQUEO DE MUTACIÓN PUNTUAL	PCR-SEC	500	\$23.375	\$4.125	\$27.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

ONCOLOGÍA

ESTUDIOS ONCO-HEMATOLOGÍA

DICIEMBRE UB \$55,00						
Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010008-00	ALK t(2;5) (p23.q35)		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010009-00	Amplificación/delección Isocromosoma 17q		410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
67-010010-00	BCR/ABL p230		192	\$8.976	\$1.584	\$10.560
67-010011-00	CAL-R mutación tipo I y tipo II	Secuenciación	300	\$14.025	\$2.475	\$16.500
66-004150-00	Cromosoma , alteraciones Filadelfia -LMC	PCR	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010012-00	Cromosoma Filadelfia, Traslocación Fidadelfia -BCR/ABL menor p190 cuantitativo.	PCR-RT	360	\$16.830	\$2.289	\$19.119
66-009642-00	Cromosoma Filadelfia, Traslocación Fidadelfia -BCR/ABL p210, cuantitativo.		360	\$16.830	\$2.970	\$19.800
67-010013-00	Delección cromosoma 7q31.1		410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
67-010014-00	EGR1 (5q31,2)		190	\$8.883	\$1.568	\$10.450
67-010017-00	FLT-3 ITD	PCR	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010018-00	FLT-3 M.835-836		220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010019-00	inv(16)(p13q22) CBFβ/MYH11	PCR	190	\$8.883	\$1.568	\$10.450
67-010020-00	L-T315I	PCR	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010098-00	Myd88nL265P en médula ósea	PCR-SEC	404	\$18.887	\$3.333	\$22.220
67-010021-00	N.P.M	PCR	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010022-00	Oncogent(1;19) EZA-PBX1		219	\$10.238	\$1.807	\$12.045
67-010015-00	Panel F.I.S.H. LLC: - TP53 (17p13) - Mutación IGVH - Delección 11q23	F.I.S.H	819	\$38.288	\$6.757	\$45.045

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010016-00	Panel F.I.S.H. para mieloma: - RB1 (13q14) - TP53 (17p13) - CCND1/IGH [t(11;14)(q13;q32) - FGFR3-MMSET/IGH [t(4;14)(p16;q32) - IGH/MAF t(14;16) (q32q23) - IGH/MAFB t(14;20)(q32q11) - Amplificación de 1q y delección 1p	F.I.S.H	1864	\$87.142	\$15.378	\$102.520
66-008780-00	Rearreglo de IGH/FGFR3	F.I.S.H	410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
66-008783-00	Rearreglo de IGH/MAF	F.I.S.H	410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
66-009637-00	Reordenamiento PML/RAR t(15;17)	PCR-RT	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-010024-00	Secuencia oncogen NMYC (2p23-24)		193	\$9.023	\$1.592	\$10.615
66-009102-00	Síndrome mieloproliferativos - Fenotipificación - Jack 2 (Janus quinasa 2) mutación V617F	PCR-SEC	300	\$14.025	\$2.475	\$16.500
66-009103-00	Síndrome mieloproliferativos - Fenotipificación- Jack 2 (Janus quinasa 2) -secuenciación exon 12.	PCR-SEC	300	\$14.025	\$2.475	\$16.500
66-009104-00	Síndrome mieloproliferativos - Fenotipificación- MPL cada mutación	PCR	300	\$14.025	\$2.475	\$16.500
67-009637-01	Translocación (9,22) rearreglo BCR/ABL LLA	PCR	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-009637-02	Translocación (9,22) rearreglo BCR/ABL LMC	PCR	220	\$10.285	\$1.815	\$12.100
67-009637-03	Translocación 14;18 (BCL-2/jh mayor y menor)		138	\$6.452	\$1.139	\$7.590
67-009637-04	Translocación 14;18 (BCL-6)	F.I.S.H	363,6	\$16.998	\$3.000	\$19.998
67-009637-05	Translocación t(11q23) MLL	F.I.S.H	363,6	\$16.998	\$3.000	\$19.998
67-009637-06	Traslocación MLL/AF4, t(4,11)		186	\$8.696	\$1.535	\$10.230
67-009637-07	Traslocación t(8,21) - AML1/ETO		190	\$8.883	\$1.568	\$10.450
67-009637-08	Traslocación TEL/AML t(12;21)		186	\$8.696	\$1.535	\$10.230

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

CARDIOLOGÍA

				DICIEMBRE UB \$55,00		
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-002815-00	Apolipoproteína E, Genotipo (Alelos riesgo vascular)	PCR-SEC	176	\$8.228	\$1.452	\$9.680
67-010127-00	Panel de Arritmias ABCC9, ACTN2, ANK2, CACNA1C, CACNB2, CALM1, CALM3, CASQ2, CAV3, DES, DSC2, DSG2, DSP, EMD, HCN4, JUP, KCNE1, KCNH2, KCNJ2, KCNQ1, LMNA, NKX2-5, PKP2, PLN, PRKAG2, RBM20, RYR2, SCN5A, TGFB3, TMEM43, TNNI3, TNNT2, TRDN, AKAP9, ANKRD1, CACNA2D1, CTNNA3, GJA5, KCND3, KCNE3, KCNE5, KCNJ5, KCNJ8, KCNK3, LDB3, NPPA, PDLIM3, RANGRF, SCN10A, SCN1B, SCN3B, SCN4B, SLMAP, SNTA1, TGFB3, TRPM4.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010128-00	Panel de Cardiomiopatías ABCC9, ACTC1, ACTN2, AGL, ANKRD1, BAG3, CACNA1C, CALR3, CAV3, CHRM2, CRYAB, CSRP3, CTF1, CTNNA3, DES, DMD, DOLK, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, EMD, EYA4, FHL1, FHL2, FKRP, FKTN, FLNC, GAA, GATA4, GATA6, GATAD1, GLA, HCN4, ILK, JUP, JPH2, LAMA4, LAMP2, LDB3, LMNA, LRR10, MED12, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYOM1, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NKX2-5, NPPA, PDLIM3, PKP2, PLEKHM2, PLN, PRDM16, PRKAG2, RAF1, RBM20, RYR2, SCN5A, SGCD, SLC22A5, TAZ, TCAP, TGFB3, TMEM43, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTN, TTR, TXNRD2, VCL.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010129-00	Panel Combinado de Cardiomiopatías/Enfermedad Muscular Esquelética ABCC9, ACTA1, ACTC1, ACTN2, AGL, ANO5, ATP2A1, B3GALNT2, BAG3, BIN1, CACNA1C, CAPN3, CAV3, CCDC78, CFL2, CHKB, CNTN1, COL12A1, COL6A1, COL6A2, COL6A3, CPT2, CRYAB, CSRP3, DAG1, DES, DMD, DNM2, DOLK, DPM1, DPM2, DPM3, DSC2, DSG2, DSP, DYSF, EMD, EYA4, FHL1, FKBP14, FKRP, FKTN, FLNC, GAA, GLA, GMPPB, GNE, HCN4, ISPD, ITGA7, JUP, KBTBD13, KLHL40, KLHL41, LAMA2, LAMP2, LMNA, LMOD3, MEGF10, MTM1, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, MYOT, MYPN, NEB, PKP2, PLEC, PLN, PNPLA2, POMGNT1, POMGNT2, POMK, POMT1, POMT2, PRKAG2, RAF1, RBM20, RYR1, RYR2, SCN5A, SGCA, SGCB, SGCD, SGCG, SLC22A5, STAC3, STIM1, TAZ, TCAP, TIA1, TMEM43, TMEM5, TNNC1, TNNI3, TNNT1, TNNT2, TNPO3, TOR1AIP1, TPM1, TPM2, TPM3, TRAPPC11, TRIM32, TTN, TTR, VCL, VCP.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010130-00	Panel para Aortopatías ACTA2, CBS, COL3A1, COL5A1, COL5A2, EFEMP2, FBN1, FBN2, FLNA, MAT2A, MED12, MYH11, MYLK, NOTCH1, PLOD1, PRKG1, SKI, SLC2A10, SMAD3, SMAD4, SMAD6, TGFB2, TGFB3, TGFB1, TGFB2	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010131-00	Panel de Hipercolesterolemia Familiar e Hiperlipidemia ABCA1, ABCG5, ABCG8, ALMS1, APOA1, APOA5, APOB, APOC2, APOC3, APOE, CREB3L3, GPIHBP1, LDLR, LDLRAP1, LIPA, LMF1, LPL, PCSK9	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010132-00	Panel de Hipertensión Pulmonar ACVRL1, BMPR2, BMPR1B, CAV1, EIF2AK4, ENG, FOXF1, GDF2, KCNA5, KCNK3, SMAD9, TBX4	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010133-00	Panel de Cardiopatía Congénita A2ML1, ACTC1, ACVR2B, ALMS1, BCOR, BRAF, CBL, CHD7, CRELD1, ELN, FOXH1, GATA4, GATA6, GDF1, GJA1, GPC3, HAND1, HRAS, JAG1, KRAS, LEFTY2, MAP2K1, MAP2K2, MED13L, MEIS2, MYH6, NKX2-5 , NKX2-6, NODAL, NOTCH1, NR2F2, NRAS, NSD1, RAF1, RASA1, RIT1, RRAS, SHOC2, SMAD6, SOS1, SOS2, SPRED1, TBX1, TBX5, ZFPM2, ZIC3.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
--------------	---	----------	------	----------	----------	-----------

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS****ENDOCRINOLOGÍA**

DICIEMBRE UB \$55,00

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010134-00	Panel de Neoplasias Endócrinas Múltiples APC, ATM, BARD1, BLM, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK4, CDKN2A, CHEK2, EGFR, EPCAM, FANCC, MEN1, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MUTYH, NBN, NF1, NF2, PALB2, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, RAD51C, RAD51D, RB1, RECQL, RET, STK11, TP53, WT1.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010135-00	Panel de Diabetes Monogénica ABCC8, BLK, CEL, EIF2AK3, GCK, HNF1A, HNF1B, HNF4A, INS, KCNJ11, KLF11, NEUROD1, NEUROG3, PAX4, PDX1, PTF1A, RFX6, SH2B1, SLC19A2, SLC2A2, WFS1, ZFP57.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010136-00	Panel de Baja Estatura ACAN, ADAMTS10, ANKRD11, ATR, BRAF, CBL, CCDC8, CDC6, CDT1, CENPJ, CEP152, CEP63, CHD7, COL10A1, COL2A1, COL9A1, COMP, CREBBP, CUL7, FBN1, FGF8, FGFR1, FGFR3, GH1, GHR, GHRHR, GLI2, GLI3, GNAS, HESX1, HRAS, IGF1, IGF2, IGFALS, IHH, KRAS, LHX3, LHX4, MAP2K1, NPPC, NPR2, NRAS, OBSL1, ORC1, ORC4, ORC6, OTX2, PAPSS2, PCNT, PITX2, POU1F1, PRKAR1A, PROP1, PTH1R, RAF1, RBBP8, SHOC2, SOS1, SOX3, SOX9, SRCAP, STAT5B, XRCC4.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010137-00	Panel de Obesidad Monogénica ALMS1, ARL6, BBS1, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, BBS10, BBS12, CEP290, CRTC1, CUL4B, DYRK1B, GNAS, LEP, LEPR, MAGEL2, MC3R, MC4R, MKKS, MKS1, NROB2, NTRK2, PCSK1, PHF6, POMC, PPARG, SDCCAG8, SIM1, TRIM32, TTC8, UCP3, VPS13B, WDPCP.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010138-00	Panel de Síndrome de Kallmann CHD7, DUSP6, FEZF1, FGF17, FGF8, FGFR1, FLRT3, FSHB, GNRH1, GNRHR, HESX1, HS6ST1, IL17RD, KISS1, KISS1R, NSMF, NROB1, PROK2, PROKR2, SEMA3A, SPRY4, TAC3, TACR3, WDR11.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010139-00	Panel de Desarrollo Sexual/Genitales Ambiguos AR, ATRX, CHD7, DHH, FGFR1, HESX1, MAP3K1, NROB1, NR5A1, SRD5A2, SRY, WT1.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS****GASTROENTEROLOGÍA**

DICIEMBRE UB \$55,00

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-006445-00	Tipificación DQ2 DQ8 DQA05 (Enfermedad Celíaca)		160	\$7.480	\$1.320	\$8.800
67-010140-00	Panel de Colestasis ATP8B1, ABCB11, ABCB4, ABCC2, CFTR, CYP7B1, DGUOK, EPCAM, FAH, JAG1, LCT, MKS1, MYO5B, NEUROG3, NOTCH2, NPC1, NPC2, NPHP1, NPHP3, NPHP4, SERPINA1, SLC25A13, SLC26A3, SMPD1, SPINT2, TJP2, TMEM216, TRMU, TTC37, UGT1A1, VPS33B.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010141-00	Panel de Diarrea Congénita ATP8B1, ABCB11, ABCB4, ABCC2, CFTR, CYP7B1, DGUOK, EPCAM, FAH, JAG1, LCT, MKS1.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010142-00	AHI1, ARL6, ARL13B, BBS1, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, BBS10, BBS12, CC2D2A, CEP290, INVS, IQCB1, MKKS, MKS1, NPHP1, NPHP3, NPHP4, OFD1, PKD2, PKHD1,	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-10143-00	Panel de Pancreatitis CFTR, CPA1, CTRC, PRSS1, SPINK1.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010144-00	Panel de Enfermedad Poliquística Hepática LRP5, PKD2, PRKCSH, SEC63.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010145-00	Panel de Hirschsprung y Atresia Intestinal CHD7, FANCB, FANCC, EDN3, EDNRB, GLI3, MID1, MITF, NRG1, PAX3, RET, SOX10, SOX2, TTC7A, ZEB2.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

INMUNOLOGÍA

Código de Práctica						DICIEMBRE 2022 UB \$55,00
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010151-00	Estudio de secuenciación gen PLCG2 (asociado a Síndrome PLAID/APLAID).	PCR-SEC	250	\$11.687,50	\$2.062,50	\$13.750,00
67-010152-00	Panel de Enfermedades Autoinflamatorias: ACP5, ADAM17, ADAR1, ADGRE2, AGBL3, AP1S3, CARD14, CECR1, COPA, DDX58, DNASE2, HOIL-1L, IFIH1, IL10RA, IL10RB, IL1RN, IL36RN, LPIN2, MEFV, MVK, NCSTN, NLR4, NLRP1, NLRP12, NLRP3, NLRP7, NOD2, OTULIN, OSMR, PLCG2, POLA1, POMP, PSMA3, PSMB4, PSMB8 PSMB9, PSTPIP1, RBCK1, RIG1, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, RNF31, SAMHD1, SHARPIN, SH3BP2, SLC29A3, TMEM173, TNFAIP3, TNFRSF1A, TNFRSF11A, TREX1, USP18, WDR1.	NGS 300x	1909	\$89.250,43	\$15.750,08	\$105.000,50
67-010153-00	Panel de Deficiencia del Sistema de Complemento ADIPOQ, ADIPOR1, ADIPOR2, ARMC4, C1QA, C1QB, C1QBP, C1QC, C1R, C1S, C2, C3, C3AR1, C4A, C4B, C4BPA, C4BPB, C5, C5AR1, C5AR2, C6, C7, C8A, C8B, C8G, C9, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCDC103, CCDC114, CCNO, CD16, CD55, CD59, CD93, CFB, CFD, CFH, CFI, CFP, CLU, COLEC11, CR1, CR2, CRP, DGKE, DAAAF1, DAAAF2, DAAAF3, DNAH5, DNAH11, DNAI1, DNAI2, DNAL1, DRC1, DYX1C1, FCN2, FCN3, HYDIN, LRRC6, MASP1, MASP2, MAT2A, NME8, OFD1, PIGA, PTX3, RPGR, RSPH1, RSPH4A, RSPH9, SERPING1, SPAG1, THBD, VSIG4, VTN.	NGS 300x	1909	\$89.250,43	\$15.750,08	\$105.000,50
67-010154-00	Panel de Disregulación Inmune ACP5, ADA2, ADAR, AICDA, AIRE, AP3B1, BLOC1S6, BTK, CASP10, CASP8, CD27, CD40LG, CR2, CTLA4, CYBA, CYBB, DOCK8, FADD, FAS, FASLG, FOXP3, ICOS, IFIH1, IL10RA, IL10RB, IL21, IL21R, IL2RA, ITCH, LRBA, LYST, NCF2, NCF4, NFKBIA, ORAI1, PIK3CD, PIK3R1, PLCG2, PNP, PRF1, PRKCD, RAB27A, RAC2, RFX5, RFXANK, RFXAP, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, SAMHD1, SH2D1A, SLC7A7, STAT1, STAT3, STAT5B, STIM1, STX11, STXBP2, TBX1, TMEM173, TNFRSF13B, TNFRSF13C, TNFSF12, TPP2, TREX1, UNC13D, UNG, WAS, XIAP.	NGS 300x	1909	\$89.250,43	\$15.750,08	\$105.000,50

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010155-00	<p>Panel de Inmunodeficiencias Primarias: ACD, ACP5, ADA, ADA2, ADAM17, ADARAICDA, AIRE, AK2, AP3B1, ATM, B2M, BCL10, BLNK, BLOC1S6, BTK, CARD11, CARD14, CARD9, CASP10, CASP8, CD247, CD27, CD3E, CD3G, CD40LG, CD79A, CD79B, CD8A, CEBPE, CHD7, CIITA, CLPB, COPA, CORO1A, CR2, CSF3R, CTC1, CTLA4, CTPS1, CTSC, CXCR4, CYBA, CYBB, DCLRE1B, DCLRE1, CDKC1, DNMT3B, DOCK2, DOCK8, ELANE, EPG5, FADD, FAS, FASLG, FERMT3, FOXP1, FOXP3, FPR1, G6PC3, GATA2, GFI1, HAX1, ICOS, IFIH1, IFNGR1, IFNGR2, IGLL1, IKKB, IL10RA, IL10RB, IL12B, IL12RB1, IL17F, IL17RA, IL17RC, IL1RN, IL21, IL21R, IL2RA, IL2RG, IL36RN, IL7R, IRAK4, IRF7, IRF8, ISG15, ITCH, ITGB2, ITK, JAGN1, JAK3, LAMTOR2, LCK, LIG4, LPIN2, LRBA, LYST, MAGT1, MALT1, MAP3K14MEFV, MOGS, MVK, MYD88, NBN, NCF2, NCF4, NFAT5, NFKB2, NFKBIA, NHEJ1, NHP2, NLR4, NLRP12, NLRP3, NOD2, NOP10, ORAI1, PARN, PGM3, PIK3CD, PIK3R1, PLCG2, PMS2, PNP, POLE, PRF1, PRKCD, PSMB8, PST, PIP1, PTPRC, RAB27A, RAC2, RAG1, RAG2, RBCK1, RFX5, RFXANK, RFXAP, RHOH, RMRP, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, RORC, RTEL1, SAMHD1, SEMA3E, SH2D1A, SH3BP2, SLC29A3, SLC35C1, SLC37A4, SLC7A7, SMARCAL1, SP110, SPINK5, STAT1, STAT2, STAT3, STAT5B, STIM1, STK4, STX11, STXBP2, TAP1, TAP2, TAPBP, TAZ, TBK1, TCN2, TERC, TERT, TICAM1, TINF2, TLR3, TMC6, TMC8, TMMEM173, TNFRSF13B, TNFRSF13C, TNFRSF1A, TNFRSF4, TNFSF12, TPP2, TRAF3, TRAF3IP2, TREX1, TRNT1, TTC7A, TYK2, UNC13D, UNC93B1, UNG, VPS13B, VPS45, WAS, WIPF1, XIAP, ZAP70, ZBTB24.</p>	NGS 300x	1909	\$89.250,43	\$15.750,08	\$105.000,50
67-010156-00	<p>A2ML1, ABCD4, ACD, ACP5, ADA, ADAM17, ADNP, AGA, AICDA, AIRE, AK2, ALG1, ALG12, AP3B1, ARMC4, ARPC1B, ATM, B2M, BCL10, BCL11B, BLM, BLNK, BRCA1, BRCA2, BRIP1, BTK, BUB1B, C11ORF70, C1QA, C1QB, C1QC, C1R, C1S, C2, C21ORF59, C3, C5, C6, C7, C8A, C8B, C8ORF37, CARD11, CARD9, CASP10, CASP8, CCB1, CCDC103, CCDC114, CCDC151, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCNO, CD19, CD247, CD27, CD3E, CD3G, CD40LG, CD55, CD59, CD79A, CD79B, CD81, CD8A, CDCA7, CDSN, CEBPE, CECR1, CFB, CFD, CFH, CFI, CFP, CHAMP1, CHD1, CHD7, CIITA, CLEC7A, CLPB, COG6, COG7, CORO1A, CPN1, CR2, CREBBP, CRIPT, CSF3R, CTC1, CTLA4, CTPS1, CXCR4, CYBA, CYBB, DCLRE1C, DEAF1, DKC1, DNAAF1, DNAAF2, DNAAF3, DNAH1, DNAH11, DNAH5, DNAI1, DNAI2, DNAJC21, DNAL1, DNASE1L3, DNMT3B, DOCK2, DOCK8, DRC1, DSG1, DYX1C1, EGFR, ELANE, EPG5, ERCC2, ERCC4, ERCC6L2, ETV6, EXTL3, F12, FADD, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, FAS, FASLG, FAT4, FBXL4, FCGR2C, FCGR3A, FCN3, FERMT3, FMO3, FOXP1, FOXP3, G6PC3, GALNS, GAS8, GATA1, GATA2, GFI1, GSS, HAX1, HELLS, HGSNAT, HYDIN, ICOS, IFIH1, IFNGR1, IFNGR2, IGHM, IGKC, IGLL1, IKBKAP, IKKB, IKZF1, IL10RA, IL10RB, IL12B, IL12RB1, IL17F, IL17RA, IL17RC, IL1RN, IL21, IL21R, IL2RA, IL2RG, IL36RN, IL7R, IRAK4, IRF2BP2, IRF7, IRF8, ISG15, ITCH, ITGB2, ITK, IVD, JAGN1, JAK3, KMT2D, KRAS, LAMTOR2, LAT, LCK, LEP, LIG4, LPIN2, LRBA, LRRC6, LRRC8A, LYST, MAD2L2, MAGT1, MALT1, MAN2B1, MANBA, MC2R, MCM4, MEFV, MGP, MMAA, MMAB, MMACHC, MOGS, MPL, MPO, MS4A1, MTHFD1, MUT,</p> <p>MVK, MYD88, NBN, NCF1, NCF2, NCF4, NFASC, NFE2L2, NFKB1, NFKB2, NFKBIA, NGF, NHEJ1, NHP2, NLR4, NLRP12, NLRP3, NME8, NOD2, NOP10, NRAS, ORAI1, OXCT1, PALB2, PARN, PCCA, PCCB, PEPD, PGM3, PIH1D3, PIK3CD, PIK3R1, PLCG2, PMM2, PNP, POLE, PPP1R21, PRF1, PRKCD, PSTPIP1, PTPRC, PTRF, RAB27A, RAC2, RAD50, RAD51, RAD51C, RAG1, RAG2, RASGRP1, RBCK1, RBM8A, RELB, RFWD3, RFX5, RFXANK, RFXAP, RNF113A, RNF31, RORC, RPL11, RPL15, RPL18, RPS10, RPS17, RPS19, RPS24, RPS26, RSPH1, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, RTEL1, SAMD9, SAMD9L, SAMHD1, SBDS, SCNN1B, SCNN1G, SDCCAG8, SEMA3E, SERAC1, SERPING1, SGPL1, SH2D1A, SKIV2L, SLC35A1, SLC35A2, SLC35C1, SLC37A4, SLC39A4, SLC39A8, SLC46A1, SLK, SLX4, SMARCAL1, SMARCD2, SNAI2, SP110, SPAG1, SPATA5, SPINK5, SRP72, STAT1, STAT2, STAT3, STAT5B, STIM1, STK4, STX11, STXBP2, TALDO1, TAP1, TAP2, TAPBP, TAZ, TBCE, TBX1, TBXAS1, TCN2, TERC, TERT, TGFB3, TINF2, TMMEM173, TNFAIP3, TNFRSF13B, TNFRSF13C, TNFRSF1A, TRAC, TRAF3IP2, TRNT1, TRPS1, TSR2, TTC25, TTC37, TTC7A, TYK2, UBE2T, UMPS, UNC119, UNC13D, UNG, USB1, VIPAS39, VPS13B, VPS33B, VPS45,</p>	NGS 300x	1996	\$93.289,63	\$16.462,88	\$109.752,50

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010157-00	<p>Panel de Enfermedad Inflamatoria Intestinal</p> <p>ABCB1, ABCB1, ADA, ADAM17, AICDA, AIRE, AMACR, ANKRD55, APB13, APC, APOA1, APOB, ATG16L1, ATM, AXIN1, BCL10, BTK, BTNL2, C1S, C2, C3, C4A, C4B, C5, CARD11, CARD9, CARMIL2, CASP8, CASR, CAVIN1, CCDC40, CCL11, CCND1, CD19, CD247, CD3G, CD4, CD40, CD40LG, CD79A, CD81, CDX1, CFB, CFH, CFP, CFTR, CIITA, CLEC7A, COG6, COL17A1, CR2, CTLA4, CTNNA1, CYBA, CYBB, DCLRE1C, DEFB1, DGAT1, DKC1, DOCK2, DOCK8, DSG1, DSP, ECM1, EDNRB, EGFR, ELANE, ENG, RHO, EPCAM, F5, FAS, FASLG, FCGR2C, FCGR3A, FERMT1, FGA, FLG, DSG1,FLT4, FOXP1, FOXP3, FRAS1, FUT2, G6PC3, GATA2, GDNF, GUCY2C, H6PD, HLA-B, HLA-DQA1, HLA-DQB1, HLA-QA1, HLA-QB1, CAVIN1, HPS1, HPS4, HPS6, HSD11B1, HSPA1L, ICOS, IFIH1, IFNG, IFNGR1, IFNGR2, IGF2R,IGHG1, IGHM, IKZF1, IKZF2, IL10, IL10RA, IL10RB, IL12B,IL12RB1, IL15, IL15RA, IL17F, IL17RA, IL1RL1, IL21, IL21R, IL23A, IL23R, IL2RA, IL2RB, IL2RG, IL33, IL4, IL6, IL7R, INPP5D, IRAK4, IRAK1, IRF8, IRGM, ITCH, ITGAM, ITGB2, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, KRT1, LBR, LCK, LCT, LIG4, LPIN2, LRBA, LRRK2, LYST, MALT1, MASP2, MASPS2, MEFV, MET, MGAM, MIF, MPO, MTPP, MUC2, MVK, MYD88, MYD88, MYO5B, NCF1, NCF2, NCF4, NCSTN, NEUROG3, NFAT5, NFKB1, NFKBIA, NLRC4, NLRP3, NOD2, NOS1, NR1H4, NRAS, OL17, OPLAH, P2RX7, PCSK1, PDGFRL, PIK3CA, PIK3CD, PIK3R1, PIK3R1, PLCG2, PNLIP, PRKCD, PRSS1, PSMD1, PSTPIP1, PTEN, PTGER4, PTPN2, PTPN22, PTPRC, RAC2, RAG1, RAG2, RET, RHO, RORC, RPSA, RTEL1, S1, SAG, SAR1B, SCNN1A, SEMA3C, SERPING1, SFTPD, SH2D1A, SKIV2L, SLC10A2, SLC22A4, SLC22A5, SLC23A1, SLC26A3, SLC2A14, SLC2A2, SLC2A5, SLC37A4, SLC39A4, SLC5A1, SLC7A7, SLC3A1, SMAD4, SPINK5, SPINT2, STAT1, STAT3, STAT4, STAT5B, STIM1, STX3, STXBP2, TBX21, TCF3, TERC, TERT, TGFB1, TGFB2, TGFB3, TINF2, TLR3, TLR4, TMPRSS15, TNFRSF13B, TNFRSF13C, TNFRSF1A, TNFSF12, TP53, TRAF3, TRAF3, TRAF3IP2, TTC37, TTC7A, TYK2, UGT1A1, UNC93B1, VEGFC, WAS, WIPF1, WRAP53, XIAP, ZAP70.</p>	NGS 300x	1959	\$91.583,25	\$16.161,75	\$107.745,00
--------------	---	-------------	------	-------------	-------------	--------------

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA**HEMATOLOGÍA****ESTUDIOS DE TROMBOFILIA**

ESTUDIOS DE TROMBOFILIA						
DICIEMBRE UB \$55,00						
Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-002803-00	Anti-trombina III funcional		25	\$1.169	\$206	\$1.375
66-005102-00	Factor V Leiden	PCR-SEC	75	\$3.506	\$619	\$4.125
66-007460-00	Metilentetrahidrofolato reductasa (MTHFR)	PCR	75	\$3.506	\$619	\$4.125
66-008387-00	Plasminógeno, inhibidor del activador tisular del (PAI - AIP) (Molecular) : PAI 4G/5G	PCR	141	\$6.592	\$1.163	\$7.755
66-008614-00	Resistencia a la Proteína C funcional		45	\$2.104	\$371	\$2.475
67-010146-00	Panel de Trombofilias F2, F5, F9, PROC, PROS1, SERPINC1	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
66-008640-00	Proteína S total		45	\$2.104	\$371	\$2.475
66-008691-00	Protombina 20210A	PCR-SEC	75	\$3.506	\$619	\$4.125

ESTUDIOS DE OTRAS PATOLÓGICAS HEMATOLÓGICAS

ESTUDIOS DE OTRAS PATOLÓGICAS HEMATOLÓGICAS						DICIEMBRE UB \$55,00
Código de Practica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010191-00	Anemia Falciforme		150	\$7.013	\$1.238	\$8.250
67-010005-00	ADAMTS13 exoma	PCR-SEC	1909	\$89.246	\$15.749	\$104.995
67-010006-00	ADAMTS13 actividad	FRET	372	\$17.391	\$3.069	\$20.460
67-010007-00	Alfa-Talasemia	PCR-GAP	263	\$12.295	\$2.170	\$14.465
66-009281-00	Beta-Talasemia	PCR-SEC	354	\$16.550	\$2.921	\$19.470
67-010192-00	Déficit de Glucosa 6 fosfato deshidrogenada mutaciones A373, A202 y mediterranea.		200	\$9.350	\$1.650	\$11.000
66-005785-00	Hemocromatosis, Gen HH - (hemocromatosis hereditaria - HFE-Cromosoma 6)	PCR	80	\$3.740	\$660	\$3.390
66-005787-00	Hemocromatosis, mutación Gen C282Y	PCR-RT	80	\$3.740	\$660	\$3.390
67-010036-00	Hemocromatosis, mutación Gen C282Y +H63D	PCR	117	\$5.470	\$965	\$4.958
66-005789-00	Hemocromatosis, mutación Gen H63D	PCR-RT	45	\$2.104	\$371	\$1.907
66-005791-00	Hemocromatosis, mutación Gen S65C	PCR-RT	80	\$3.740	\$660	\$3.390
67-010147-00	Panel de Síndromes de Falla de Médula Ósea BRCA2, BRIP1, CTC1, DKC1, ELANE, ERCC4, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, GATA1, GATA2, MPL, NHP2, NOP10, PALB2, RAD51C, RPL11, RPS10, RPS19, RPS24, RPS26, RUNX1, SLX4, TERC, TERT, TINF2, WAS, XRCC2.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$80.908

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010148-00	Panel de Hemocromatosis HFE, HFE2, HAMP, SLC40A1, TFR2	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$80.908
67-010149-00	Panel de Anemias Hereditarias ABCB7, ADAMTS13, ALAS2, AMN, ANK1, ATM, ATR, ATRX, BLM, BRCA2, BRIP1, C15ORF41, CDAN1, CUBN, EPB42, ERCC4, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, G6PD, GATA1, GPI, GSS, HBA1, HBA2, HBB, HFE, KLF1, LPIN2, MTR, NBN, PALB2, PC, PDHA1, PDHX, PKLR, PUS1, RAD51C, RPL11, RPL15, RPS10, RPS17, RPS19, RPS24, RPS26, SBDS, SEC23B, SLC4A1, SLC10A2, SLX4, SPTA1, SPTB, THBD, TMPRSS6, XRCC2, YARS2	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$80.908
67-010150-00	Panel de Coagulopatías Hemorrágicas F8, F9, FGA, GGCX, GP6, ITGA2B, ITGB3, MPL, P2RY12, VWF	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$80.908

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

DESÓRDENES METABÓLICOS						
				DICIEMBRE UB \$55,00		
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-010034-00	Enfermedad mitocondrial (MLPA P125) - Cantidad de sondas: 37 - Región genómica: ADN mitocondrial	MLPA	1400	\$65.450	\$11.550	\$77.000
66-000402-00	Galactosemias Panel Completo de Metabolismo	PCR-SEC	400	\$18.700	\$3.300	\$22.000
66-010158-00	ABCD1, ABCD4, ACAD8, ACADM, ACADS, ACADSB, ACADVL, ACAT1, ACSF3, AHCY, ALDH4A1, ARG1, ASL, AUH, BCKDHA, BCKDHB, BTM, CBS, CD320, CFTR, CPS1, CPT1A, CPT2, DBT, DECR1, DNAJC19, ETFA, ETFB, ETFDH, ETHE1, FAH, FTCD, G6PD, GAA, GALE, GALK1, GALT, GCDH, GCH1, GLA, GNMT, GSS, HADH, HADHA, HADHB, HCF1, HLCS, HMGCL, HPD, HSD17B10, IDUA, IVD, LMBRD1, MAT1A, MCCC1, MCCC2, MCEE, MLYCD, MMAA, MMAB, MMACHC, MMADHC, MTR, MTRR, MUT, NADK2, NAGS, OAT, OPA3, OTC, PCBD1, PCCA, PCCB, PPM1K, PRODH, PTS, QDPR, SERAC1, SLC22A5, SLC25A13, SLC25A15, SLC25A20, SMPD1, SPR, SUCLA2, SUCLG1, TAT, TAZ, TMEM70	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
66-010159-00	Panel de Enfermedades Lisosomales, peroximales y mucopolisacaridosis ABCD1, ACOX1, PEX7, PHYH, AGPS, GNPAT, ACOX1, AMACR, HSD17B4, PEX1, PEX10, PEX12, PEX13, PEX14, PEX16, PEX19, PEX2, PEX26, PEX3, PEX5, PEX6, HSD17B4, ABCC8, ACY1, ADAMTSL2, ADSL, AGA, ALDH5A1, ALDH7A1, AMT, ANTXR2, ARG1, ARSA, ARSB, ASAH1, ASPA, ATP13A2, BTM, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, COL2A1, COL11A2, CTNS, CTSA, CTSC, CTSD, CTSK, DHCR7, DPYD, DYM, ETFA, ETFB, ETFDH, FH, FOLR1, FUCA1, GAA, GALC, GALNS, GAMT, GBA, GCDH, GLA, GLB1, GNE, GNPTAB, GNPTG, GNS, GPC3, GUSB, HEXA, HEXB, HGSNAT, HPD, HRAS, HYAL1, IDS, IDUA, L2HGDH, LAMA2, LDB3, LIPA, MAN1B1, MANBA, MCOLN1, MFSB8, MOCS1, MOCS2, MYOT, NAGLU, NEU1, NPC1, NPC2, PGK1, PHYH, PPT1, PRODH, PSAP, QDPR, RAI1, SGSH, SLC17A5, SLC25A15, SLC46A1, SMPD1, SUMF1, SUOX, TCF4, TPP1.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
66-010160-00	Panel de Enfermedades de Oxidación de Ácidos Grasos ACADM, ACADS, ACADSB, ACADVL, ACAT1, CPT1A, CPT2, ETFA, ETFB, ETFDH, DECR1, HADH, HADHA, HADHB, HMGCL, HMGCS2, MLYCD, NADK2, OXCT1, SLC22A5, SLC25A20, SLC52A1, SLC52A2, SLC52A3.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
66-010161-00	Panel de Hiperamonemia y Trastornos del ciclo de la Urea ALDH18A1, ARG1, ASL, CA5A, CPS1, GLUD1, NAGS, OAT, OTC, SLC25A13, SLC25A15, SLC7A7, UMPS.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

NEFROLOGÍA

NEFROLOGÍA						
DICIEMBRE UB \$55,00						
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-008469-00	Poliquistosis Renal	PCR	90	\$4.208	\$743	\$4.950
67-010162-00	Panel de Enfermedades Poliquística Renal DZIP1L, GANAB, PKD2, PKHD1, NOTCH2	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010163-00	Panel de Síndrome Urémico Hemolítico ADAMTS13, C3, CFB, CFH, CFI, CFHR5, DGKE, THBD	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010164-00	Panel de Disfunción Renal AQP2, ATP6V0A4, ATP6V1B1, AVPR2, BSND, CLCNKB, CLDN16, CLDN19, CNNM2, CTNS, GLA, KCNJ1, SCNN1B, SCNN1G, SLC12A1, SLC12A3, SLC4A4, TRPM6.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010165-00	Panel de Síndrome Nefrótico ACTN4, APOL1, CD2AP, COL4A3, COL4A4, COL4A5, COQ2, COQ6, FN1, IFIH1, INF2, ITGA3, LAMB2, LMX1B, MYH9, MYO1E, NPHS1, NPHS2, PAX2, PDSS2, PLCE1, PMM2, PTPRO, SCARB2, SLC17A5, SMARCAL1, TRPC6, WT1.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498
67-010166-00	Panel de Anomalías Congénitas del Riñón y el Tracto Urinario ACE, ACTG2, ACTA2, AGT, AGTR1, CHD7, DSTYK, EYA1, FOXC1, FRAS1, FREM1, FREM2, GATA3, GLI3, GREB1L, GRIP1, HAAO, HNF1B, HPSE2, ITGA8, LRIG2, NPHP3, PAX2, PBX1, REN, RPGRIP1L, RRM2B, SALL1, SIX5, TBX18, TRAP1, VPS33B, ACTA2, BICC1, BMP4, BSND, CHD1L, CHRM3, COX10, DACT1, DLG3, FGF20, GDNF, GREM1, HCN3, KIT, MUC1, MYH11, NEK8, OCRL, RET, ROBO2, SHH, SIX1, SLIT2, SMARCA4, SOX17, SPRY1, TNXB, TSHZ3, UMOD, UPK2, VIPAS39.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010183-00	<p>Panel de Ciliopatías AHI1, ANKS6, ARL13B, ARL6, ARMC4, B9D1, B9D, BBS1, BBS10, BBS12, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, C21ORF59, C5ORF42, CC2D2A, CCDC103, CCDC114, CCDC151, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCNO, CEP104, CEP120, CEP164, CEP290, CEP41, CSPP1, DCDC2, DNAAF1, DNAAF2, DNAAF3, DNAH1, DNAH11, DNAH5, DNAH8, DNAI1, DNAI2, DNAL1, DRC1, DYNC2H1, DYX1C1, EVC, EVC2, GAS8, GLIS2, IFT122, IFT140, IFT172, IFT80, INPP5E, INVS, IQCB1, KIAA0586, KIF7, LRRC6, MCIDAS, MKKS, MKS1, NEK1, NEK8, NME8, NPHP1, NPHP3, NPHP4, OFD1, PKD2, PKHD1, RPGR, RPGRIP1L, RSPH1, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, SDCCAG8, TCTN1, TCTN2, TCTN3, TMEM138, TMEM216, TMEM231, TMEM237, TMEM67, TRIM32, TTC21B, TTC8, WDPCP, WDR19, WDR34, WDR35, WDR60, SPAG1, ZMYND10, ZNF423.</p>	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
--------------	---	----------	------	----------	----------	-----------

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGENÉTICA

PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

NEUMONOLOGÍA

				DICIEMBRE UB \$55,00		
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-005265-00	Fibrosis Quística, DF508	PCR-SEC	100	\$4.675	\$825	\$5.500
66-005247-00	Fibrosis Quística, 19 mutaciones	PCR	310	\$14.493	\$2.558	\$17.050
66-005255-00	Fibrosis Quística, 29 mutaciones	PCR	450	\$21.038	\$3.713	\$24.750
66-005258-00	Fibrosis Quística, 32 mutaciones	PCR	465	\$21.739	\$3.836	\$25.575
67-010168-00	Fibrosis Quística, 70 mutaciones	PCR-SEC	465	\$21.739	\$3.836	\$25.575
67-010169-00	Panel Completo de Neumología ABCA3, CCDC39, CCDC40, CFTR, CHAT, CHRNA1, CHRN1, CHRNE, COLQ, CSF2RB, DKC1, DNAAF1, DNAAF2, DNAH1, DNAH5, DNAH11, DNAI1, DNAI2, DNAL1, EDN3, EFEMP2, ELMOD2, ELN, FBLN5, FLCN, WDPCP, GAS8, GLRA1, HPS1, HPS4, ITGA3, LTBP4, MECP2, NAF1, NF1, NKX2-1, NME8, PARN, PHOX2B, PIH1D3, RAPSN, RET, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, RTEL1, SCN4A, SCNN1A, SCNN1B, SERPINA1, SFTPA1, SFTPA2, SFTPC, SLC6A5, SLC7A7, SLC34A2, STAT3, TERC, TERT, TNF2, TSC1, TSC2, ZEB2.	NGS 300x	1864	\$87.123	\$15.375	\$102.498

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

NEUROLOGÍA

DICIEMBRE UB \$55,00

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010029-00	Charcot-Marie-Thoot tipo 1A (CMT1A)		410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
66-003974-00	Corea de Huntington	PCR	500	\$23.375	\$4.125	\$27.500
67-010038-00	Neurofibromatosis tipo I (Detección mutaciones puntuales en exones por secuenciación) - Región genómica: exón con alteración detectada por MLPA	MLPA	513	\$23.983	\$4.232	\$28.215
67-010039-00	Neurofibromatosis tipo I (MLPA P081 y P082) - Cantidad de sondas: 79 - Región genómica: 58 exones del gen NF1	MLPA	904	\$42.262	\$7.458	\$49.720
67-010170-00	Panel de Epilepsia ADSL, ALDH5A1, ALDH7A1, ALG13, AMT, ARHGEF9, ARX, ATP13A2, ATP1A2, ATP1A3, ATP6AP2, ATRX, BRAF, BRAT1, C12ORF57, CACNA1A, CASK, CDKL5, CES1, CHD2, CHRNA4, CHRNA7, CHRN2, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CNTNAP2, CSTB, CTSD, DEPDC5, DNM1, DYRK1A, EEF1A2, EFHC1, EHMT1, EPM2A, FOLR1, FOXG1, FRRS1L, GABRA1, GABRB2, GABRB3, GABRG2, GAMT, GBA, GATM, GLRA1, GLDC, GNAO1, GOSR2, GRIN1, GRIN2A, GRIN2B, GRN, HCN1, HNRNPU, IER3IP1, IQSEC2, ITPA, KANSL1, KCNA2, KCNB1, KCNC1, KCNH2, KCNJ10, KCNQ2, KCNQ3, KCNT1, KCTD7, LIG1, LIAS, MAGI2, MBD5, MECP2, MEF2C, MFSD8, MOCS1, MOCS2, NEXMIF, NGLY1, NHLRC1, NR2F1, NRXN1, PACS1, PCDH19, PIGA, PIGN, PIGO, PIGV, PLCB1, PNKD, PNKP, PNPO, POLG, PPT1, PRICKLE1, PRRT2, PURA, QARS, RBFOX1, ROGDI, SATB2, SCARB2, SCN1A, SCN1B, SCN2A, SCN3A, SCN8A, SCN9A, SERPINI1, SGCE, SLC13A5, SLC19A3, SLC25A2, SLC2A1, SLC35A2, SLC6A1, SLC6A8, SLC9A6, SMC1A, SMS, SNX27, SPATA5, SPTAN1, STX1B, STXBP1, SUOX, SYN1, SYNGAP1, SYNJ1, SZT2, TBC1D24, TCF4, TPP1(CLN2), TSC1, TSC2, UBE3A, WDR45, WWOX, ZDHHC9, ZEB2.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010040-00	Panel de Ataxias 1 sca1, sca2, sca3, sca6, sca7	PCR-TP	1727	\$80.737	\$14.248	\$94.985
67-010171-00	Panel de Ataxia 2 Este panel no aplica para cuadros de expansiones (sca1, sca2, sca3, sca6, sca7 y otras): ABHD12, ACO2, ADCK3, AFG3L2, ANO10, APOB, APTX, ATCAY, ATM, ATP8A2, BEAN1, C10ORF2, CACNA1A, CACNA1G, CACNB4, CCDC88C, CLCN2, CLN5, COQ2, CYP27A1, DNMT1, ELOVL4, FGF14, FLVCR1, FXN, GOSR2, GRM1, ITPR1, KCNA1, KCNC3, KCND3, KCNJ10, LAMA1, MRE11A, MTPP, PDSS1, PDSS2, PDYN, PEX7, PHYH, PMPCA, PNKP, PNPLA6, POLG, PRKCG, PTF1A, SACS, SCN2A, SETX, SIL1, SLC1A3, SPTBN2, SYNE1, SYT14, TDP1, TGM6, TPP1, TTBK2, TTPA, TXN2, VLDLR, WFS1, WWOX.	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001

NOMENCLADOR ÚNICO DE PRESTACIONES- EDICIÓN DICIEMBRE 2022 -

67-010194-00	Panel de Distroias Musculares, Miopatías y Miastenia ACTA1, AGRN, ANO5, B4GAT1, BAG3, BIN1, CAPN3, CAV3, CFL2, CHAT, CHKB, CHRNA1, CHRN1, CHRND, CHRNE, CNTN1, COL6A1, COL6A2, COL6A3, COLQ, CRYAB, DAG1, DES, DMD, DNM2, DOK7, DPAGT1, DPM1, DPM3, DYSF, EMD, FHL1, FKRP, FKTN, FLNC, GAA, GFPT1, GNE, IGHMBP2, ISPD, ITGA7, KBTBD13, LAMA2, LDB3, LMNA, MTM1, MUSK, MYH7, MYL2, MYOT, NEB, PLEC, PNPLA2, POMGNT1, POMT1, POMT2, RAPSN, RYR1, SEPN1, SGCA, SGCB, SGCD, SGCG, TCAP, TNNT1, TPM3, TRIM32, TTN, VCP, ALS2, APP, CHCHD10, DCTN1, FUS, GRN, MAPT, OPTN, PFN1, PRNP, PSEN1, PSEN2, SETX, SNCA, SOD1, SPG11, TARDBP, TBK1, TFG, UBQLN2, VAPB, VCP.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010195-00	Panel de Demencias y Parkinson ABCD1, APP, ARSA, ATP13A2, ATP1A3, ATP7B, CHMP2B, CSF1R, CYP27A1, DCTN1, DNAJC6, EIF4G1, FBXO7, FUS, GALC, GBA, GCH1, GFAP, GLA, GRN, HEXA, HTRA2, ITM2B, LRRK2, MAPT, NOTCH3, NPC1, NPC2, PANK2, PARK2, PARK7, PINK1, PLA2G6, PNKD, POLG, PPT1, PRKRA, PRNP, PRRT2, PSAP, PSEN1, PSEN2, SGCE, SLC2A1, SLC6A3, SNCA, SPG11, SPR, SQSTM1, TARDBP, TH, THAP1, TOR1A, TREM2, TTR, TYROBP, UBQLN2, UCHL1, VCP, VPS35.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010196-00	Panel de Distomías ADCY5, ANO3, ARSA, ATM, ATP1A3, ATP7B, CACNA1B, COL6A3, CP, GCDH, GCH1, GNAL, KCNMA1, KCTD17, MRE11A, PANK2, PARK2, PCNA, PLA2G6, PNKD, PRKRA, PRRT2, RELN, SGCE, SLC2A1, SLC6A3, SPR, TAF1, TH, THAP1, TIMM8A, TOR1A, TUBB4A, WDR45.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010197-00	Panel de Trastorno del Espectro Autista ADNP, ADSL, ARX, ATRX, BCL11A, CACNA1C, CC2D1A, CDKL5, CHD7, CNOT3, CNTN6, CTNND2, DHCR7, EN2, FMR1, FOXP1, GAMT, HDAC8, MECP2, MED12, NIPBL, NLGN3, NLGN4X, NSD1, PKNP, POGZ, PTCHD1, PTEN, RAD21, RAI1, RPL10, SHANK3, SLC2A1, SLC9A6, SMC1A, SMC3, TSC1M, TSC2, TCF4, TCF20, TRIP12, UBE3A, ZEB2.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

ENFERMEDADES NEURO-MUSCULARES

						DICIEMBRE UB \$55,00
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010028-00	Atrofia medular espinal (MLPA P060) - Cantidad de sondas: 37 - Región genómica: genes SMN1 y SMN2	MLPA	581	\$27.162	\$4.793	\$31.955
67-010030-00	Distrofia Fascio-escapulo-Humeral		410	\$19.168	\$3.383	\$22.550
67-010031-00	Distrofia Muscular de Duchene/Becker (Detección mutaciones puntuales en exones por secuenciación) - Región genómica: exón con alteración detectada por MLPA	MLPA	513	\$23.983	\$4.232	\$28.215
67-010032-00	Distrofia Muscular de Duchene/Becker (MLPA P034-035): - Cantidad de sondas: 80 - Región genómica: 79 exones gen DYS:79 sondas, exón 1DP427c gen DYS: 1 sonda	MLPA	1400	\$65.450	\$11.550	\$77.000
67-010033-00	Distrofia Muscular Oro-Faringea		410	\$19.168	\$3.383	\$22.550

NEURODEGENERACIÓN

DICIEMBRE UB
\$55,00

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010172-00	Genotipificación de los polimorfismos en APOE	PCR	136,3	\$6.372	\$1.124	\$7.497
67-010173-00	Rastreo de mutaciones puntuales en los genes APP, PSEN1 y PSEN2 en enfermedad de Alzheimer hereditaria	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001
67-010174-00	Determinación de la expansión G4C2 en el gen C9ORF72 en demencia frontotemporal y esclerosis lateral amiotrófica	NGS 300x	841	\$39.317	\$6.938	\$46.255
67-010175-00	Rastreo de mutaciones puntuales en genes PARK2, LRRK2, PINK1, DJ-1 en parkinsonismo	NGS 300x	1909	\$89.250	\$15.750	\$105.001

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

OFTALMOLOGÍA						DICIEMBRE UB \$55,00
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-10176-00	Panel de Cataratas Congénitas ABCB6, ADAMTSL4, AGK, ALDH18A1, BCOR, BFSP1, BFSP2, CHMP4B, COL2A1, COL4A1, COL11A1, COL18A1, CRYAA, CRYAB, CRYBA1, CRYBA4, CRYBB1, CRYBB2, CRYBB3, CRYGB, CRYGC, CRYGD, CRYGS, EPHA2, ERCC2, ERCC5, ERCC6, ERCC8, EYA1, FAM126A, FOXE3, FTL, FAM126A, FOXC1, FYCO1, FZD4, GALK1, GALT, GCNT2, GJA3, GJA8, HSF4, LIM2, MAF, MIP, MYH9, NDP, NF2, NHS, OCRL, OPA3, PAX6, PITX2, PITX3, RAB3GAP1, RECQL4, SIL1, SLC33A1, TDRD7, TFAP2A, TMEM70, VIM, VSX2, WFS1, WRN.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010177-00	Panel de Glaucoma CNTNAP2, COL4A1, CYP1B1, FOXC1, FOXE3, LMX1B, LTBP2, MAF, MYOC, OPA1, OPA3, OPTN, PAX6, PITX2, TBK1, TMEM126A, WDR36.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010178-00	Panel de Retinopatías ABCA4, ABCC6, ABCD1, ABHD12, ACO2, ADAM9, AHI1, AIPL1, ALMS1, AMACR, ARL13B, ARL6, ATF6, B9D1, B9D2, BBS1, BBS10, BBS12, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, BEST1, C12ORF65, C1QTNF5, C2ORF71, C5ORF42, C8ORF37, CA4, CABP4, CACNA1F, CACNA2D4, CASK, CC2D2A, CDH23, CDH3, CDHR1, CEP290, CEP41, CERKL, CFH, CHM, CIB2, CISD2, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CLRN1, CNGA1, CNGB1, CNGB3, CNNM4, CRB1, CRX, CTSD, CYP4V2, DHDDS, EFEMP1, ELOVL4, EYS, FAM161A, FLVCR1, FRMD7, FSCN2, FZD4, GDF6, GJB2, GJB6, GNAT1, GNAT2, GNPTG, GPR143, GRK1, GRM6, GRN, GUCA1A, GUCA1B, GUCY2D, GUCY2D, HARS, HGSNAT, HMCN1, HMX1, IDH3B, IFT140, IMPG2, IQCB1, ITM2B, KCNJ13, KCNV2, KCTD7, KIF7, KLHL7, LAMA1, LCA5, LRAT, LRP5, LZTFL1, MAK, MERTK, MFN2, MFRP, MFSD8, MKKS, MKS1, MMACHC, MVK, MYO7A, NDP, NEUROD1, NPHP1, NPHP3, NPHP4, NR2F1, NRL, NYX, NYX, OAT, OFD1, OPA1, OPA3, OPN1LW, OTX2, PAX6, PCDH15, PDE6A, PDE6B, PDE6C, PDE6G, PDE6H, PDZD7, PEX1, PEX10, PEX12, PEX13, PEX14, PEX16, PEX19, PEX2, PEX26, PEX3, PEX5, PEX6, PEX7, PHYH, PITPNM3, PNPLA6, PPT1, PRCD, PROM1, PRPF31, PRPF6, PRPF8, PRPH2, PRPS1, RAB28, RAX2, RBP3, RBP4, RD3, RDH12, RDH5, RGR, RGS9, RGS9BP, RHO, RIMS1, RLBP1, ROM1, RP1, RP1L1, RP2, RP9, RPE65, RPGR, RPGRIP1, RPGRIP1L, RS1, SAG, SDCCAG8, SEMA4A, SLC24A1, SNRNP200, SPATA7, TCTN1, TCTN2, TEAD1, TIMM8A, TIMP3, TMEM126A, TMEM138, TMEM216, TMEM237, TMEM67, TOPORS, TPP1, TRIM32, TRPM1, TSPAN12, TTC21B, TTC8, TUBGCP4, TUBGCP6, TULP1, TYR, UNC119, USH1C, USH1G, USH2A, VPS13B, WDCPCP, WDR19, WFS1, ZNF513.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**PANELES POR PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS****OTORRINOLARINGOLOGÍA**

						DICIEMBRE UB \$55,00
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
66-005955-00	Conexina 26	PCR-SEC	115	\$5.376	\$949	\$6.325
66-003953-00	Conexina 26-Mutaciones 35delG (GJB2) o Cx26-PCR para sordera hereditaria no síndromica	PCR	77	\$3.600	\$635	\$4.235
67-010198-00	Conexina 30 delección 1854 y delección 1830	PCR	200	\$9.350	\$1.650	\$11.000
67-010179-00	Panel Completo de Sordera y Deficiencia Auditiva ACTG1, ATP6V0A4, ATP6V1B1, BCS1L, BSND, CCDC50, CDH23, CEACAM16, CEMIP, CLDN14, CLRN1, COCH, COL11A2, COL9A3, CRYM, DFNB59, DIAPH1, DSPP, ECE1, EDNRA, EDNRB, ERCC2, ERCC3, ESPN, ESRRB, EYA4, FAS, FGF3, FGFR3, FOXI1, GATA3, GIPC3, GJA1, GJB1, GJB2, GJB3, GJB4, GJB6, GPSM2, GRHL2, GRXCR1, HGF, ILDR1, JAG1, KCNE1, KCNJ10, KCNQ1, KCNQ4, LHFPL5, LHX3, LOXHD1, LRTOMT, MITF, MSRB3, MTAP, MYH14, MYH9, MYO15A, MYO3A, MYO6, MYO7A, NDP, NR2F1, OTOA, OTOF, PAX3, PCDH15, PDZD7, PMP22, POU3F4, POU4F3, PRPS1, RDX, SERPINB6, SIX1, SIX5, SLC17A8, SLC26A4, SLC26A5, SLC4A11, SMPX, SNAI2, SOX2, SPINK5, STRC, TECTA, TIMM8A, TJP2, TMC1, TMIE, TMPRSS3, TPRN, TRIOBP, TSPEAR, TYR, USH1C, USH1G, USH2A, VCAN, WFS1.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
67-010180-00	Panel Hipoacusias Progresivas ABHD12, CD151, CDH23, COL2A1, COL4A3, COL4A4, COL4A5, COL4A6, COL9A1, COL9A3, COL11A1, COL11A2, CIB2, CLRN1, DFNB31, FOXI1, HARS, KCNJ10, LRP2, MYH9, MYO7A, PCDH15, PDZD7, SLC24A4, USH1C, USH1G, USH2A, VCAN.	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA

PATOLOGÍAS ESPECÍFICAS

DERMATOLOGÍA

				DICIEMBRE UB \$55,00		
Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010097-00	Síndrome de Siemens (Queratosis folicular espinulosa). - Estudio molecular MBTPS2	PCR-RT	432	\$20.196	\$3.564	\$23.760
67-010045-00	Secuencia XP22.3 (Síndrome sulfatasa esteroide/Ictiosis ligada X/Síndrome de Kallman)		136	\$6.358	\$1.122	\$7.480
67-010181-00	Panel de Dermatología ABCA12, ABHD5, ADAMTS2, AGPAT2, ALDH18A1, ALDH3A2, ALOX12B, ALOXE3, AP1S1, ATP6V0A2, ATP7A, B3GALT6, B4GALT7, BLM, BSCL2, CAST, CD151, CHST14, CLDN1, COL17A1, COL1A1, COL1A2, COL3A1, COL5A1, COL5A2, COL7A1, CSTA, CYP4F22, DSP, DST, EDA, EDAR, EDARADD, EFEMP2, ELN, ELOVL4, ERCC2, ERCC4, ERCC5, ERCC6, ERCC8, FBLN5, FERMT1, FKBP14, FLG, FLNA, GJB2, GJB6, GORAB, ITGA3, ITGA6, ITGB4, KRT1, KRT10, KRT14, KRT2, KRT5, LAMA3, LAMB3, LAMC2, LIPN, LMNA, LOR, LTBP3, LTBP4, MSX1, NFKBIA, NIPAL4, PAX9, PLEC, PLOD1, PNPLA1, POMP, PYCR1, RECQL4, RIN2, SLC27A4, SLC2A10, SLC39A13, SNAP29, ST14, STS, TGM1, TGM5, TNXB, TP63, WNT10A, WRN, ZMPSTE24	NGS 300x	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500

BIOLOGÍA MOLECULAR Y CITOGÉNÉTICA**MISCELANEOS**

DICIEMBRE UB \$55,00

Código de Práctica	Descripción	Técnica	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010099-00	Estudio de secuenciación de exoma humano para genes asociados a cáncer hereditario, genes asociados a abortos espontáneos, genes asociados a infertilidad femenina/masculina, entre otros (MED12, NOTCH13, HTRA1, CYP21A2, CYP17A1, CYP11B1, HSD3B2, POR, MYD88, MBTPS2).	NGS	2500	\$116.875	\$20.625	\$137.500
66-001011-00	Recuento de CD4	Citometría de Flujo	35	\$1.925	\$0,00	\$1.925
66-001015-00	Recuento de CD8	Citometría de Flujo	35	\$1.925	\$0,00	\$1.925
67-010199-00	Relación CD4/CD8	Citometría de Flujo	66	\$3.630	\$0,00	\$3.630

CROMATOGRAFÍA GASEOSA ACOPLADA ESPECTROMETRÍA DE MASAS**DETERMINACIÓN CUALITATIVA Y SEMICUANTITATIVA DE ÁCIDOS GRASOS ÓRGANICOS EN ORINA**

				diciembre UB \$55,00		
Código NBU	Descripción	Método	UB	Valor carga OSEP	Valor carga Afiliado	Valor Total
67-010096-00	Screening de enfermedades metabólicas (determinación cualitativa y semicuantitativa de ácidos orgánicos en orina)	Cromatografía	234	\$10.940	\$1.931	\$12.870



Obra Social de Empleados Públicos - Mendoza

2022 - Año de homenaje a los 40 años de la gesta de Malvinas, a sus Veteranos y Caídos

Resolución Honorable Directorio

Número:

Mendoza,

Referencia: Expte.Nº1838282-22,Actualizacion Nomenclador Biología Molecular

Datos Generales

Nº de Expte: 1838283-EE-2022	Asunto: CONVENIOS
-------------------------------------	--------------------------